



Full wwPDB NMR Structure Validation Report ⓘ

Mar 5, 2026 – 12:17 PM UTC

PDB ID : 2MD5 / pdb_00002md5
BMRB ID : 19474
Title : Structure of uninhibited ETV6 ETS domain
Authors : De, S.; McIntosh, L.P.; Chan, A.C.; Coyne, H.J.; Okon, M.; Graves, B.J.;
Murphy, M.E.
Deposited on : 2013-08-29

This is a Full wwPDB NMR Structure Validation Report for a publicly released PDB entry.

We welcome your comments at validation@mail.wwpdb.org

A user guide is available at

<https://www.wwpdb.org/validation/2017/NMRValidationReportHelp>

with specific help available everywhere you see the ⓘ symbol.

The types of validation reports are described at

<http://www.wwpdb.org/validation/2017/FAQs#types>.

The following versions of software and data (see [references ⓘ](#)) were used in the production of this report:

MolProbity : 4-5-2 with Phenix2.0
Percentile statistics : 20250101.v01 (using entries in the PDB archive January 1st 2025)
wwPDB-RCI : v_1n_11_5_13_A (Berjanski et al., 2005)
PANAV : Wang et al. (2010)
wwPDB-ShiftChecker : v1.2
BMRB Restraints Analysis : v1.2
Ideal geometry (proteins) : Engh & Huber (2001)
Ideal geometry (DNA, RNA) : Parkinson et al. (1996)
Validation Pipeline (wwPDB-VP) : 2.49

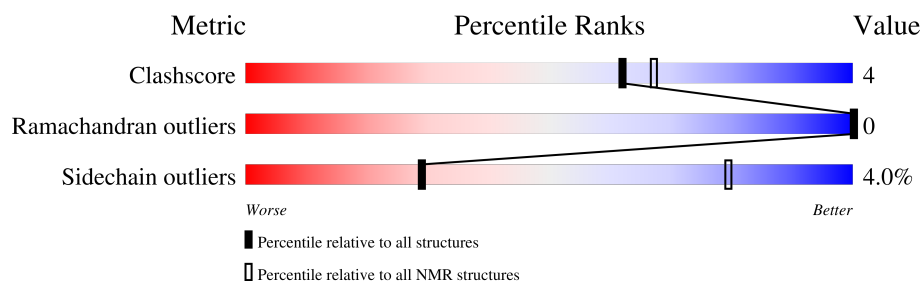
1 Overall quality at a glance

The following experimental techniques were used to determine the structure:

SOLUTION NMR

The overall completeness of chemical shifts assignment is 77%.

Percentile scores (ranging between 0-100) for global validation metrics of the entry are shown in the following graphic. The table shows the number of entries on which the scores are based.



Metric	Whole archive (#Entries)	NMR archive (#Entries)
Clashscore	229148	14424
Ramachandran outliers	224038	12848
Sidechain outliers	223484	12823

The table below summarises the geometric issues observed across the polymeric chains and their fit to the experimental data. The red, orange, yellow and green segments indicate the fraction of residues that contain outliers for ≥ 3 , 2, 1 and 0 types of geometric quality criteria. A cyan segment indicates the fraction of residues that are not part of the well-defined cores, and a grey segment represents the fraction of residues that are not modelled. The numeric value for each fraction is indicated below the corresponding segment, with a dot representing fractions $\leq 5\%$

Mol	Chain	Length	Quality of chain
1	A	102	

2 Ensemble composition and analysis

This entry contains 10 models. Model 9 is the overall representative, medoid model (most similar to other models). The authors have identified model 1 as representative, based on the following criterion: *closest to the average*.

The following residues are included in the computation of the global validation metrics.

Well-defined (core) protein residues			
Well-defined core	Residue range (total)	Backbone RMSD (Å)	Medoid model
1	A:335-A:417 (83)	0.83	9

Ill-defined regions of proteins are excluded from the global statistics.

Ligands and non-protein polymers are included in the analysis.

The models can be grouped into 3 clusters and 1 single-model cluster was found.

Cluster number	Models
1	5, 7, 8, 9, 10
2	3, 6
3	1, 4
Single-model clusters	2

3 Entry composition

There is only 1 type of molecule in this entry. The entry contains 1754 atoms, of which 878 are hydrogens and 0 are deuteriums.

- Molecule 1 is a protein called Transcription factor ETV6.

Mol	Chain	Residues	Atoms						Trace
1	A	102	Total	C	H	N	O	S	0
			1754	555	878	165	151	5	

There are 5 discrepancies between the modelled and reference sequences:

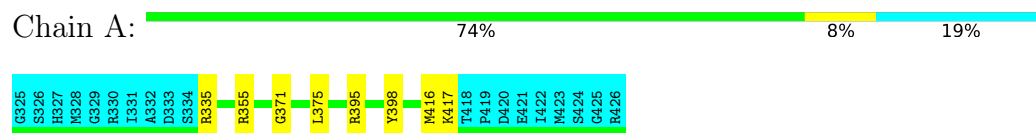
Chain	Residue	Modelled	Actual	Comment	Reference
A	325	GLY	-	expression tag	UNP P97360
A	326	SER	-	expression tag	UNP P97360
A	327	HIS	-	expression tag	UNP P97360
A	328	MET	-	expression tag	UNP P97360
A	334	SER	CYS	engineered mutation	UNP P97360

4 Residue-property plots

4.1 Average score per residue in the NMR ensemble

These plots are provided for all protein, RNA, DNA and oligosaccharide chains in the entry. The first graphic is the same as shown in the summary in section 1 of this report. The second graphic shows the sequence where residues are colour-coded according to the number of geometric quality criteria for which they contain at least one outlier: green = 0, yellow = 1, orange = 2 and red = 3 or more. Stretches of 2 or more consecutive residues without any outliers are shown as green connectors. Residues which are classified as ill-defined in the NMR ensemble, are shown in cyan with an underline colour-coded according to the previous scheme. Residues which were present in the experimental sample, but not modelled in the final structure are shown in grey.

- Molecule 1: Transcription factor ETV6

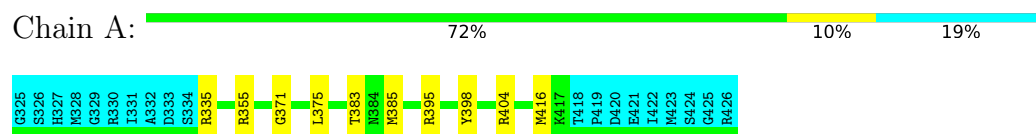


4.2 Scores per residue for each member of the ensemble

Colouring as in section 4.1 above.

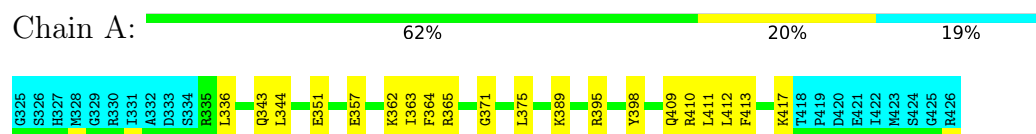
4.2.1 Score per residue for model 1

- Molecule 1: Transcription factor ETV6



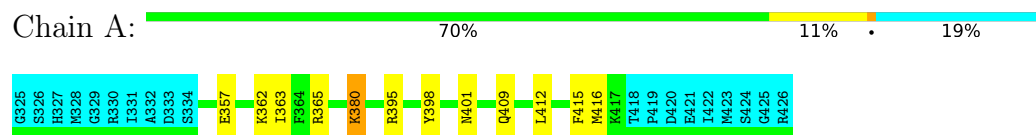
4.2.2 Score per residue for model 2

- Molecule 1: Transcription factor ETV6



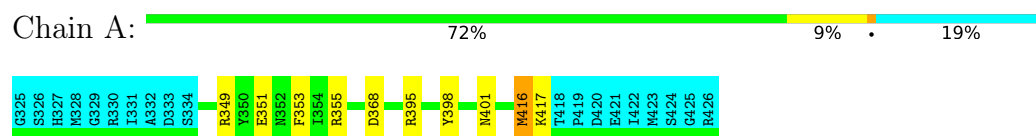
4.2.3 Score per residue for model 3

- Molecule 1: Transcription factor ETV6



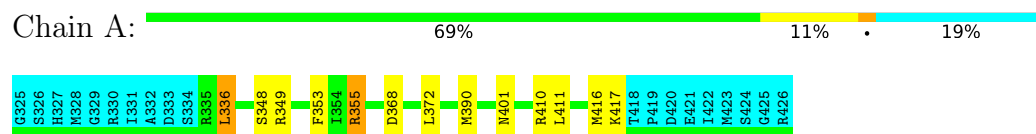
4.2.4 Score per residue for model 4

- Molecule 1: Transcription factor ETV6



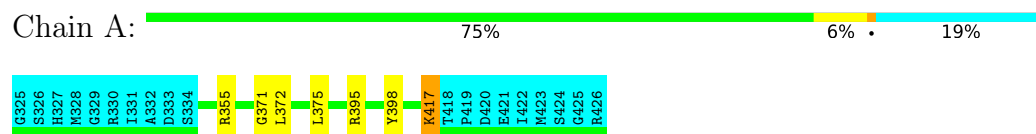
4.2.5 Score per residue for model 5

- Molecule 1: Transcription factor ETV6



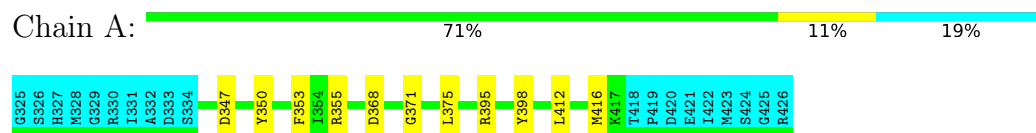
4.2.6 Score per residue for model 6

- Molecule 1: Transcription factor ETV6



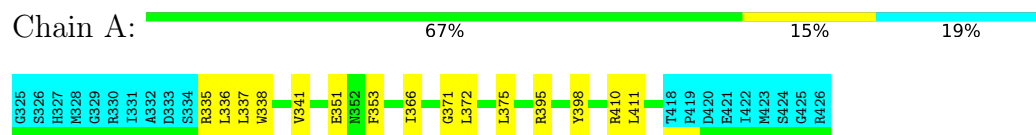
4.2.7 Score per residue for model 7

- Molecule 1: Transcription factor ETV6



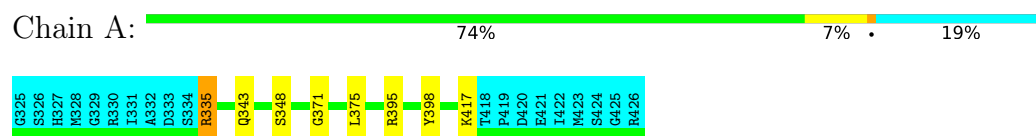
4.2.8 Score per residue for model 8

- Molecule 1: Transcription factor ETV6



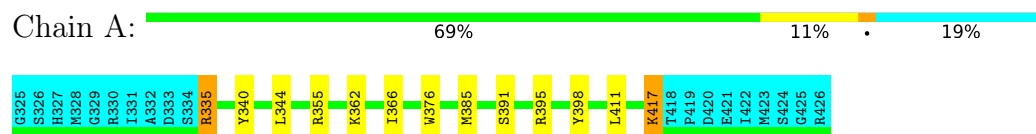
4.2.9 Score per residue for model 9 (medoid)

- Molecule 1: Transcription factor ETV6



4.2.10 Score per residue for model 10

- Molecule 1: Transcription factor ETV6



5 Refinement protocol and experimental data overview

The models were refined using the following method: *torsion angle dynamics*.

Of the 100 calculated structures, 10 were deposited, based on the following criterion: *target function*.

The following table shows the software used for structure solution, optimisation and refinement.

Software name	Classification	Version
CYANA	structure solution	
CNS	refinement	
CNS	geometry optimization	

The following table shows chemical shift validation statistics as aggregates over all chemical shift files. Detailed validation can be found in section 7 of this report.

Chemical shift file(s)	working_cs.cif
Number of chemical shift lists	1
Total number of shifts	1178
Number of shifts mapped to atoms	1178
Number of unparsed shifts	0
Number of shifts with mapping errors	0
Number of shifts with mapping warnings	0
Assignment completeness (well-defined parts)	77%

6 Model quality [i](#)

6.1 Standard geometry [i](#)

There are no covalent bond-length or bond-angle outliers.

There are no bond-length outliers.

There are no bond-angle outliers.

There are no chirality outliers.

There are no planarity outliers.

6.2 Too-close contacts [i](#)

In the following table, the Non-H and H(model) columns list the number of non-hydrogen atoms and hydrogen atoms in each chain respectively. The H(added) column lists the number of hydrogen atoms added and optimized by MolProbity. The Clashes column lists the number of clashes averaged over the ensemble.

Mol	Chain	Non-H	H(model)	H(added)	Clashes
1	A	737	745	743	6±2
All	All	7370	7450	7430	64

The all-atom clashscore is defined as the number of clashes found per 1000 atoms (including hydrogen atoms). The all-atom clashscore for this structure is 4.

All unique clashes are listed below, sorted by their clash magnitude.

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:417:LYS:HE2	1:A:417:LYS:HA	0.86	1.48	4	2
1:A:416:MET:HA	1:A:416:MET:HE3	0.73	1.57	4	2
1:A:395:ARG:HA	1:A:398:TYR:HD2	0.67	1.48	4	3
1:A:335:ARG:H	1:A:335:ARG:HD2	0.65	1.52	10	1
1:A:366:ILE:HB	1:A:411:LEU:HG	0.64	1.69	10	1
1:A:357:GLU:HG2	1:A:365:ARG:HB2	0.62	1.72	2	1
1:A:344:LEU:HD22	1:A:351:GLU:HG3	0.61	1.72	2	1
1:A:395:ARG:HA	1:A:398:TYR:CD2	0.61	2.28	4	9
1:A:348:SER:HB2	1:A:355:ARG:HB3	0.58	1.76	5	1
1:A:410:ARG:HG3	1:A:411:LEU:HG	0.55	1.78	8	3
1:A:417:LYS:HA	1:A:417:LYS:HE3	0.54	1.80	6	2
1:A:362:LYS:HE3	1:A:415:PHE:O	0.53	2.03	3	1
1:A:335:ARG:O	1:A:338:TRP:HD1	0.52	1.87	8	1
1:A:366:ILE:HD12	1:A:372:LEU:HD22	0.52	1.80	8	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:371:GLY:O	1:A:375:LEU:HG	0.49	2.08	6	6
1:A:353:PHE:HD1	1:A:368:ASP:HB3	0.49	1.68	4	3
1:A:336:LEU:O	1:A:336:LEU:HD13	0.49	2.07	5	2
1:A:337:LEU:O	1:A:341:VAL:HG23	0.47	2.09	8	1
1:A:401:ASN:O	1:A:416:MET:HG2	0.47	2.09	5	1
1:A:357:GLU:CG	1:A:365:ARG:HB2	0.46	2.40	2	1
1:A:351:GLU:HB3	1:A:353:PHE:CD2	0.46	2.46	4	1
1:A:335:ARG:HE	1:A:335:ARG:HA	0.46	1.70	9	1
1:A:416:MET:HA	1:A:416:MET:CE	0.46	2.36	4	1
1:A:389:LYS:HE2	1:A:389:LYS:HA	0.45	1.87	2	1
1:A:401:ASN:O	1:A:416:MET:HB3	0.45	2.12	3	1
1:A:404:ARG:CD	1:A:416:MET:HB2	0.44	2.42	1	1
1:A:347:ASP:HB3	1:A:350:TYR:CE1	0.44	2.46	7	1
1:A:351:GLU:HB2	1:A:353:PHE:CD2	0.43	2.48	8	1
1:A:391:SER:HB3	1:A:395:ARG:NH1	0.43	2.28	10	1
1:A:376:TRP:CD1	1:A:385:MET:HE2	0.43	2.48	10	1
1:A:391:SER:O	1:A:395:ARG:HD3	0.42	2.13	10	1
1:A:357:GLU:OE1	1:A:365:ARG:HD3	0.42	2.13	3	1
1:A:404:ARG:HD3	1:A:416:MET:HB2	0.42	1.90	1	1
1:A:380:LYS:HE2	1:A:380:LYS:HA	0.42	1.91	3	1
1:A:372:LEU:HG	1:A:390:MET:HE1	0.42	1.90	5	1
1:A:353:PHE:CD1	1:A:368:ASP:HB3	0.42	2.50	4	1
1:A:417:LYS:HE2	1:A:417:LYS:CA	0.41	2.35	4	1
1:A:340:TYR:O	1:A:344:LEU:HG	0.41	2.15	10	1
1:A:364:PHE:CZ	1:A:413:PHE:HB2	0.40	2.50	2	1
1:A:409:GLN:HB3	1:A:412:LEU:HB3	0.40	1.93	3	1
1:A:363:ILE:HG23	1:A:412:LEU:HD11	0.40	1.92	2	1

6.3 Torsion angles ⓘ

6.3.1 Protein backbone ⓘ

In the following table, the Percentiles column shows the percent Ramachandran outliers of the chain as a percentile score with respect to all PDB entries followed by that with respect to all NMR entries. The Analysed column shows the number of residues for which the backbone conformation was analysed and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Favoured	Allowed	Outliers	Percentiles	
1	A	83/102 (81%)	80±1 (97±2%)	2±1 (3±2%)	0±0 (0±0%)	100	100
All	All	830/1020 (81%)	805 (97%)	25 (3%)	0 (0%)	100	100

There are no Ramachandran outliers.

6.3.2 Protein sidechains ⓘ

In the following table, the Percentiles column shows the percent sidechain outliers of the chain as a percentile score with respect to all PDB entries followed by that with respect to all NMR entries. The Analysed column shows the number of residues for which the sidechain conformation was analysed and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Rotameric	Outliers	Percentiles	
1	A	78/93 (84%)	75±1 (96±2%)	3±1 (4±2%)	29	79
All	All	780/930 (84%)	749 (96%)	31 (4%)	29	79

All 17 unique residues with a non-rotameric sidechain are listed below. They are sorted by the frequency of occurrence in the ensemble.

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	355	ARG	6
1	A	417	LYS	4
1	A	335	ARG	3
1	A	336	LEU	2
1	A	343	GLN	2
1	A	362	LYS	2
1	A	349	ARG	2
1	A	383	THR	1
1	A	385	MET	1
1	A	409	GLN	1
1	A	363	ILE	1
1	A	380	LYS	1
1	A	401	ASN	1
1	A	416	MET	1
1	A	372	LEU	1
1	A	412	LEU	1
1	A	348	SER	1

6.3.3 RNA ⓘ

There are no RNA molecules in this entry.

6.4 Non-standard residues in protein, DNA, RNA chains ⓘ

There are no non-standard protein/DNA/RNA residues in this entry.

6.5 Carbohydrates [i](#)

There are no oligosaccharides in this entry.

6.6 Ligand geometry [i](#)

There are no ligands in this entry.

6.7 Other polymers [i](#)

There are no such molecules in this entry.

6.8 Polymer linkage issues [i](#)

There are no chain breaks in this entry.

7 Chemical shift validation

The completeness of assignment taking into account all chemical shift lists is 77% for the well-defined parts and 77% for the entire structure.

7.1 Chemical shift list 1

File name: working_cs.cif

Chemical shift list name: *assigned_chem_shift_list_1*

7.1.1 Bookkeeping

The following table shows the results of parsing the chemical shift list and reports the number of nuclei with statistically unusual chemical shifts.

Total number of shifts	1178
Number of shifts mapped to atoms	1178
Number of unparsed shifts	0
Number of shifts with mapping errors	0
Number of shifts with mapping warnings	0
Number of shift outliers (ShiftChecker)	5

7.1.2 Chemical shift referencing

The following table shows the suggested chemical shift referencing corrections.

Nucleus	# values	Correction $\pm$ precision, ppm	Suggested action
$^{13}\text{C}_\alpha$	99	-0.45 ± 0.19	None needed (< 0.5 ppm)
$^{13}\text{C}_\beta$	94	0.26 ± 0.19	None needed (< 0.5 ppm)
$^{13}\text{C}'$	0	—	None (insufficient data)
^{15}N	92	0.21 ± 0.43	None needed (< 0.5 ppm)

7.1.3 Completeness of resonance assignments

The following table shows the completeness of the chemical shift assignments for the well-defined regions of the structure. The overall completeness is 77%, i.e. 1009 atoms were assigned a chemical shift out of a possible 1302. 0 out of 12 assigned methyl groups (LEU and VAL) were assigned stereospecifically.

	Total	^1H	^{13}C	^{15}N
Backbone	316/414 (76%)	159/167 (95%)	81/166 (49%)	76/81 (94%)
Sidechain	583/742 (79%)	407/475 (86%)	170/219 (78%)	6/48 (12%)

Continued on next page...

Continued from previous page...

	Total	¹H	¹³C	¹⁵N
Aromatic	110/146 (75%)	58/70 (83%)	49/69 (71%)	3/7 (43%)
Overall	1009/1302 (77%)	624/712 (88%)	300/454 (66%)	85/136 (62%)

The following table shows the completeness of the chemical shift assignments for the full structure. The overall completeness is 77%, i.e. 1177 atoms were assigned a chemical shift out of a possible 1534. 0 out of 12 assigned methyl groups (LEU and VAL) were assigned stereospecifically.

	Total	¹H	¹³C	¹⁵N
Backbone	384/510 (75%)	193/207 (93%)	99/204 (49%)	92/99 (93%)
Sidechain	681/870 (78%)	475/558 (85%)	200/258 (78%)	6/54 (11%)
Aromatic	112/154 (73%)	59/74 (80%)	50/71 (70%)	3/9 (33%)
Overall	1177/1534 (77%)	727/839 (87%)	349/533 (65%)	101/162 (62%)

7.1.4 Statistically unusual chemical shifts [i](#)

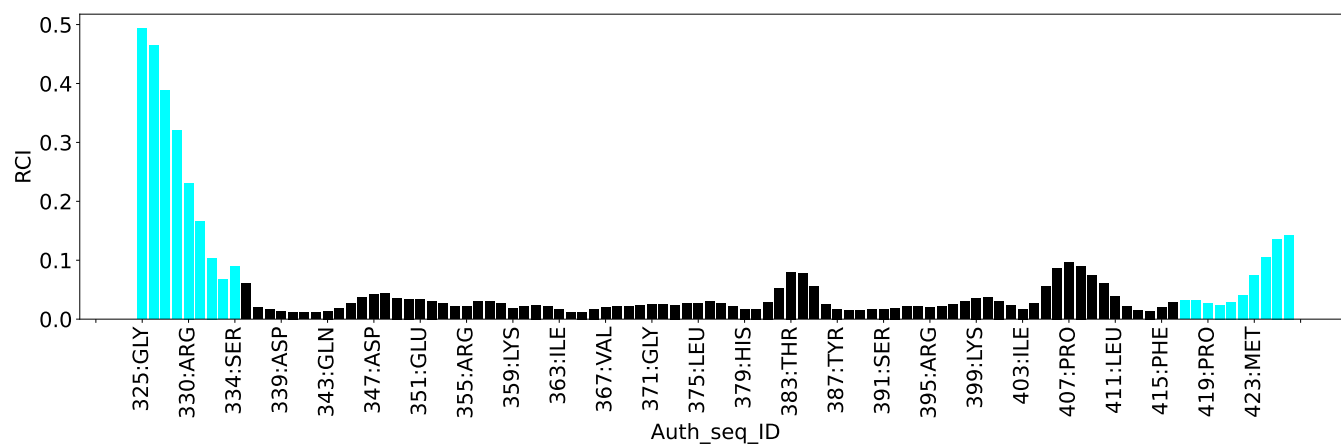
The following table lists the statistically unusual chemical shifts. These are statistical measures, and large deviations from the mean do not necessarily imply incorrect assignments. Molecules containing paramagnetic centres or hemes are expected to give rise to anomalous chemical shifts.

List Id	Chain	Res	Type	Atom	Shift, ppm	Expected range, ppm	Z-score
1	A	413	PHE	HB2	0.77	1.20 – 4.80	-6.2
1	A	345	LEU	HD21	-0.88	-0.65 – 2.13	-5.8
1	A	345	LEU	HD22	-0.88	-0.65 – 2.13	-5.8
1	A	345	LEU	HD23	-0.88	-0.65 – 2.13	-5.8
1	A	359	LYS	HG2	0.11	0.13 – 2.61	-5.1

7.1.5 Random Coil Index (RCI) plots [i](#)

The image below reports *random coil index* values for the protein chains in the structure. The height of each bar gives a probability of a given residue to be disordered, as predicted from the available chemical shifts and the amino acid sequence. A value above 0.2 is an indication of significant predicted disorder. The colour of the bar shows whether the residue is in the well-defined core (black) or in the ill-defined residue ranges (cyan), as described in section 2 on ensemble composition. If well-defined core and ill-defined regions are not identified then it is shown as gray bars.

Random coil index (RCI) for chain A:



8 NMR restraints analysis

8.1 Conformationally restricting restraints

The following table provides the summary of experimentally observed NMR restraints in different categories. Restraints are classified into different categories based on the sequence separation of the atoms involved.

Description	Value
Total distance restraints	1538
Intra-residue ($ i-j =0$)	428
Sequential ($ i-j =1$)	371
Medium range ($ i-j >1$ and $ i-j <5$)	291
Long range ($ i-j \geq 5$)	448
Inter-chain	0
Hydrogen bond restraints	0
Disulfide bond restraints	0
Total dihedral-angle restraints	173
Number of unmapped restraints	0
Number of restraints per residue	16.8
Number of long range restraints per residue ¹	4.4

¹Long range hydrogen bonds and disulfide bonds are counted as long range restraints while calculating the number of long range restraints per residue

8.2 Residual restraint violations

This section provides the overview of the restraint violations analysis. The violations are binned as small, medium and large violations based on its absolute value. Average number of violations per model is calculated by dividing the total number of violations in each bin by the size of the ensemble.

8.2.1 Average number of distance violations per model

Distance violations less than 0.1 Å are not included in the calculation.

Bins (Å)	Average number of violations per model	Max (Å)
0.1-0.2 (Small)	38.0	0.2
0.2-0.5 (Medium)	78.7	0.5
>0.5 (Large)	169.0	6.56

8.2.2 Average number of dihedral-angle violations per model [i](#)

Dihedral-angle violations less than 1° are not included in the calculation.

Bins (°)	Average number of violations per model	Max (°)
1.0-10.0 (Small)	10.5	5.34
10.0-20.0 (Medium)	None	None
>20.0 (Large)	None	None

9 Distance violation analysis ⓘ

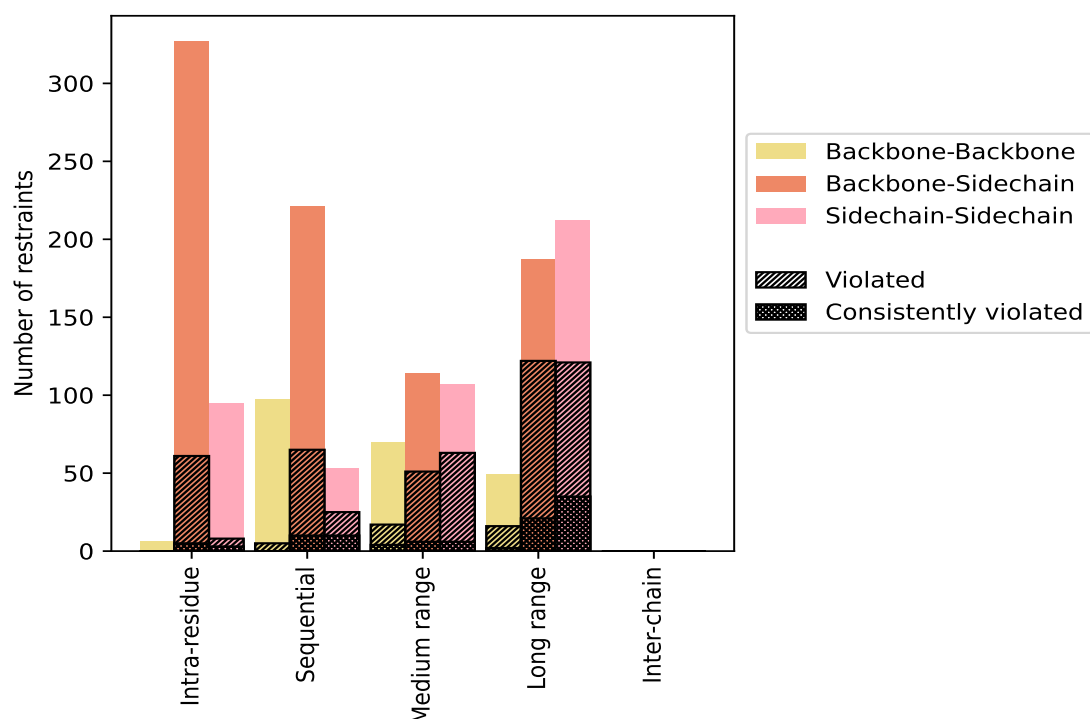
9.1 Summary of distance violations ⓘ

The following table shows the summary of distance violations in different restraint categories based on the sequence separation of the atoms involved. Each category is further sub-divided into three sub-categories based on the atoms involved. Violations less than 0.1 Å are not included in the statistics.

Restrains type	Count	% ¹	Violated ³			Consistently Violated ⁴		
			Count	% ²	% ¹	Count	% ²	% ¹
Intra-residue ($i-j =0$)	428	27.8	69	16.1	4.5	8	1.9	0.5
Backbone-Backbone	6	0.4	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	327	21.3	61	18.7	4.0	5	1.5	0.3
Sidechain-Sidechain	95	6.2	8	8.4	0.5	3	3.2	0.2
Sequential ($i-j =1$)	371	24.1	95	25.6	6.2	20	5.4	1.3
Backbone-Backbone	97	6.3	5	5.2	0.3	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	221	14.4	65	29.4	4.2	10	4.5	0.7
Sidechain-Sidechain	53	3.4	25	47.2	1.6	10	18.9	0.7
Medium range ($i-j >1$ & $i-j <5$)	291	18.9	131	45.0	8.5	16	5.5	1.0
Backbone-Backbone	70	4.6	17	24.3	1.1	4	5.7	0.3
Backbone-Sidechain	114	7.4	51	44.7	3.3	6	5.3	0.4
Sidechain-Sidechain	107	7.0	63	58.9	4.1	6	5.6	0.4
Long range ($i-j \geq 5$)	448	29.1	259	57.8	16.8	58	12.9	3.8
Backbone-Backbone	49	3.2	16	32.7	1.0	2	4.1	0.1
Backbone-Sidechain	187	12.2	122	65.2	7.9	21	11.2	1.4
Sidechain-Sidechain	212	13.8	121	57.1	7.9	35	16.5	2.3
Inter-chain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Backbone	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Sidechain-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Hydrogen bond	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Disulfide bond	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Total	1538	100.0	554	36.0	36.0	102	6.6	6.6
Backbone-Backbone	222	14.4	38	17.1	2.5	6	2.7	0.4
Backbone-Sidechain	849	55.2	299	35.2	19.4	42	4.9	2.7
Sidechain-Sidechain	467	30.4	217	46.5	14.1	54	11.6	3.5

¹ percentage calculated with respect to the total number of distance restraints, ² percentage calculated with respect to the number of restraints in a particular restraint category, ³ violated in at least one model, ⁴ violated in all the models

9.1.1 Bar chart : Distribution of distance restraints and violations [i](#)



Violated and consistently violated restraints are shown using different hatch patterns in their respective categories. The hydrogen bonds and disulfied bonds are counted in their appropriate category on the x-axis

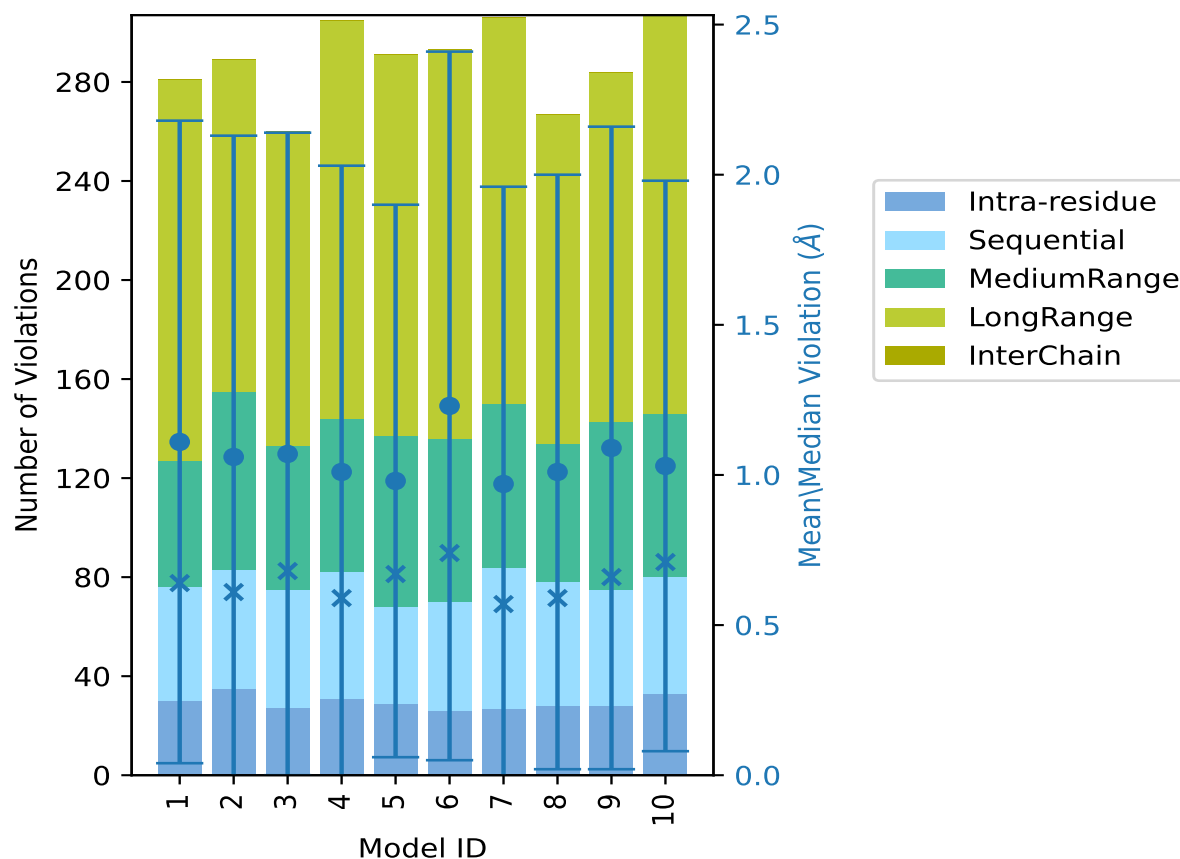
9.2 Distance violation statistics for each model [i](#)

The following table provides the distance violation statistics for each model in the ensemble. Violations less than 0.1 Å are not included in the statistics.

Model ID	Number of violations						Mean (Å)	Max (Å)	SD ⁶ (Å)	Median (Å)
	IR ¹	SQ ²	MR ³	LR ⁴	IC ⁵	Total				
1	30	46	51	154	0	281	1.11	5.17	1.07	0.64
2	35	48	72	134	0	289	1.06	5.6	1.07	0.61
3	27	48	58	127	0	260	1.07	6.56	1.07	0.68
4	31	51	62	161	0	305	1.01	5.95	1.02	0.59
5	29	39	69	154	0	291	0.98	4.46	0.92	0.67
6	26	44	66	157	0	293	1.23	5.78	1.18	0.74
7	27	57	66	156	0	306	0.97	6.5	0.99	0.57
8	28	50	56	133	0	267	1.01	4.76	0.99	0.59
9	28	47	68	141	0	284	1.09	5.92	1.07	0.66
10	33	47	66	161	0	307	1.03	5.48	0.95	0.71

¹Intra-residue restraints, ²Sequential restraints, ³Medium range restraints, ⁴Long range restraints, ⁵Inter-chain restraints, ⁶Standard deviation

9.2.1 Bar graph : Distance Violation statistics for each model [i](#)



The mean(dot),median(x) and the standard deviation are shown in blue with respect to the y axis on the right

9.3 Distance violation statistics for the ensemble [i](#)

Violation analysis may find that some restraints are violated in few models and some are violated in most of models. The following table provides this information as number of violated restraints for a given fraction of the ensemble. In total, 984(IR:359, SQ:276, MR:160, LR:189, IC:0) restraints are not violated in the ensemble.

Number of violated restraints						Fraction of the ensemble	
IR ¹	SQ ²	MR ³	LR ⁴	IC ⁵	Total	Count ⁶	%
18	19	34	39	0	110	1	10.0
17	17	13	27	0	74	2	20.0
3	11	8	19	0	41	3	30.0

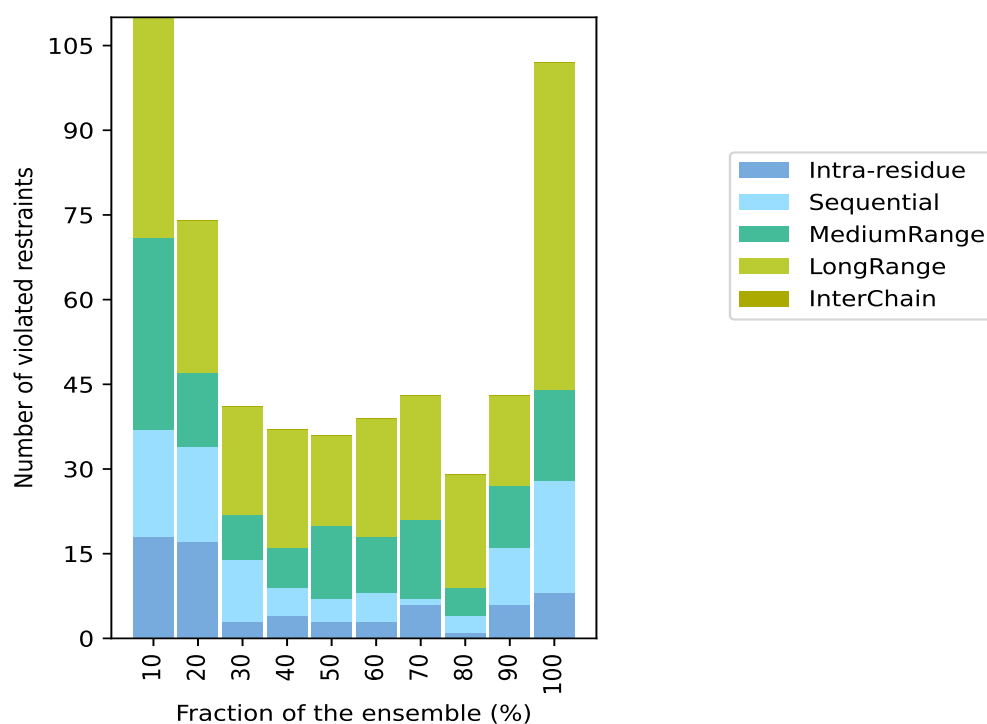
Continued on next page...

Continued from previous page...

Number of violated restraints						Fraction of the ensemble	
IR ¹	SQ ²	MR ³	LR ⁴	IC ⁵	Total	Count ⁶	%
4	5	7	21	0	37	4	40.0
3	4	13	16	0	36	5	50.0
3	5	10	21	0	39	6	60.0
6	1	14	22	0	43	7	70.0
1	3	5	20	0	29	8	80.0
6	10	11	16	0	43	9	90.0
8	20	16	58	0	102	10	100.0

¹Intra-residue restraints, ²Sequential restraints, ³Medium range restraints, ⁴Long range restraints, ⁵Inter-chain restraints, ⁶ Number of models with violations

9.3.1 Bar graph : Distance violation statistics for the ensemble [i](#)

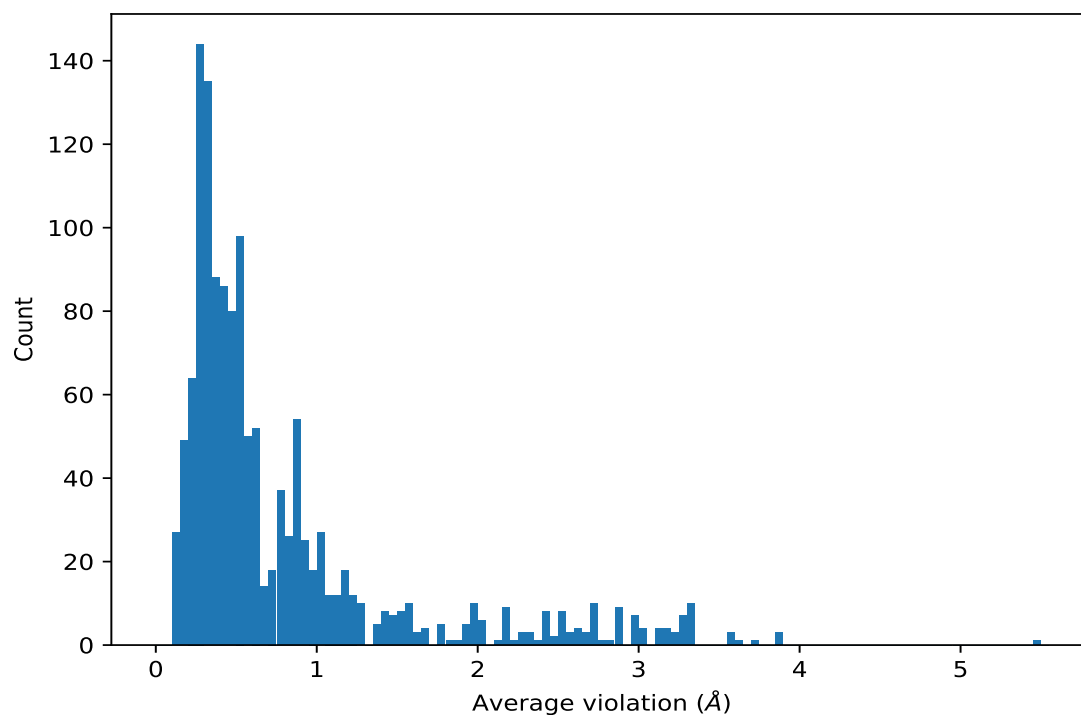


9.4 Most violated distance restraints in the ensemble [i](#)

9.4.1 Histogram : Distribution of mean distance violations [i](#)

The following histogram shows the distribution of the average value of the violation. The average is calculated for each restraint that is violated in more than one model over all the violated models

in the ensemble



9.4.2 Table: Most violated distance restraints [i](#)

The following table provides the mean and the standard deviation of the violation for each restraint sorted by number of violated models and the mean value. The Key (restraint list ID, restraint ID) is the unique identifier for a given restraint. Rows with same key represent combinatorial or ambiguous restraints and are counted as a single restraint.

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,1155)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HG	10	5.47	0.99	5.69
(1,549)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD21	10	3.87	0.82	4.0
(1,549)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD22	10	3.87	0.82	4.0
(1,549)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD23	10	3.87	0.82	4.0
(1,1193)	1:342:A:TYR:HE2	1:356:A:TRP:HH2	10	3.74	0.56	3.58
(1,1055)	1:373:A:ALA:H	1:387:A:TYR:HD2	10	3.56	0.61	3.46
(1,1223)	1:372:A:LEU:HB3	1:387:A:TYR:HE2	10	3.55	0.72	3.38
(1,31)	1:340:A:TYR:HE1	1:390:A:MET:HE1	10	3.34	0.53	3.44
(1,31)	1:340:A:TYR:HE1	1:390:A:MET:HE2	10	3.34	0.53	3.44
(1,31)	1:340:A:TYR:HE1	1:390:A:MET:HE3	10	3.34	0.53	3.44
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD11	10	3.32	0.71	3.43
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD12	10	3.32	0.71	3.43
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD13	10	3.32	0.71	3.43
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD21	10	3.32	0.71	3.43
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD22	10	3.32	0.71	3.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD23	10	3.32	0.71	3.43
(1,789)	1:355:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HG3	10	3.31	0.22	3.36
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD11	10	3.28	0.51	3.4
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD12	10	3.28	0.51	3.4
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD13	10	3.28	0.51	3.4
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD21	10	3.28	0.51	3.4
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD22	10	3.28	0.51	3.4
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD23	10	3.28	0.51	3.4
(1,29)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HE1	10	3.23	0.56	3.36
(1,29)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HE2	10	3.23	0.56	3.36
(1,29)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HE3	10	3.23	0.56	3.36
(1,28)	1:340:A:TYR:HD1	1:390:A:MET:HE1	10	3.18	0.49	3.4
(1,28)	1:340:A:TYR:HD1	1:390:A:MET:HE2	10	3.18	0.49	3.4
(1,28)	1:340:A:TYR:HD1	1:390:A:MET:HE3	10	3.18	0.49	3.4
(1,1151)	1:340:A:TYR:HD2	1:379:A:HIS:HE1	10	3.18	0.74	3.2
(1,1156)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD11	10	3.11	0.79	3.24
(1,1156)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD12	10	3.11	0.79	3.24
(1,1156)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD13	10	3.11	0.79	3.24
(1,1215)	1:340:A:TYR:HE1	1:376:A:TRP:HB3	10	3.11	0.67	3.02
(1,1089)	1:340:A:TYR:HE1	1:376:A:TRP:H	10	3.03	0.74	2.97
(1,30)	1:387:A:TYR:HE2	1:390:A:MET:HE1	10	3.0	0.55	3.13
(1,30)	1:387:A:TYR:HE2	1:390:A:MET:HE2	10	3.0	0.55	3.13
(1,30)	1:387:A:TYR:HE2	1:390:A:MET:HE3	10	3.0	0.55	3.13
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD11	10	2.99	0.89	3.18
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD12	10	2.99	0.89	3.18
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD13	10	2.99	0.89	3.18
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD21	10	2.99	0.89	3.18
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD22	10	2.99	0.89	3.18
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD23	10	2.99	0.89	3.18
(1,1219)	1:366:A:ILE:HD11	1:387:A:TYR:HE2	10	2.88	0.58	2.76
(1,1219)	1:366:A:ILE:HD12	1:387:A:TYR:HE2	10	2.88	0.58	2.76
(1,1219)	1:366:A:ILE:HD13	1:387:A:TYR:HE2	10	2.88	0.58	2.76
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD11	1:387:A:TYR:HE2	10	2.86	0.86	2.7
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD12	1:387:A:TYR:HE2	10	2.86	0.86	2.7
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD13	1:387:A:TYR:HE2	10	2.86	0.86	2.7
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD21	1:387:A:TYR:HE2	10	2.86	0.86	2.7
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD22	1:387:A:TYR:HE2	10	2.86	0.86	2.7
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD23	1:387:A:TYR:HE2	10	2.86	0.86	2.7
(1,1152)	1:340:A:TYR:HE2	1:379:A:HIS:HE1	10	2.82	0.83	2.87
(1,1109)	1:354:A:ILE:H	1:355:A:ARG:HE	10	2.75	1.03	3.15
(1,184)	1:365:A:ARG:HA	1:413:A:PHE:HE1	10	2.74	1.54	3.45
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD11	10	2.74	0.52	2.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD12	10	2.74	0.52	2.79
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD13	10	2.74	0.52	2.79
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD21	10	2.74	0.52	2.79
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD22	10	2.74	0.52	2.79
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD23	10	2.74	0.52	2.79
(1,1087)	1:340:A:TYR:HD1	1:376:A:TRP:H	10	2.7	0.71	2.46
(1,21)	1:354:A:ILE:HG21	1:355:A:ARG:HE	10	2.66	0.67	2.96
(1,21)	1:354:A:ILE:HG22	1:355:A:ARG:HE	10	2.66	0.67	2.96
(1,21)	1:354:A:ILE:HG23	1:355:A:ARG:HE	10	2.66	0.67	2.96
(1,578)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG11	10	2.61	0.1	2.64
(1,578)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG12	10	2.61	0.1	2.64
(1,578)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG13	10	2.61	0.1	2.64
(1,1212)	1:342:A:TYR:HE2	1:356:A:TRP:HZ2	10	2.6	0.54	2.48
(1,285)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD11	10	2.57	0.51	2.74
(1,285)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD12	10	2.57	0.51	2.74
(1,285)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD13	10	2.57	0.51	2.74
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD21	10	2.52	0.89	2.7
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD22	10	2.52	0.89	2.7
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD23	10	2.52	0.89	2.7
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD11	10	2.52	0.89	2.7
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD12	10	2.52	0.89	2.7
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD13	10	2.52	0.89	2.7
(1,1184)	1:405:A:LYS:HA	1:413:A:PHE:HE2	10	2.44	0.89	2.84
(1,1220)	1:369:A:PRO:HA	1:387:A:TYR:HE2	10	2.43	0.78	2.28
(1,591)	1:342:A:TYR:HE2	1:356:A:TRP:HE1	10	2.38	0.72	2.34
(1,1170)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HA	10	2.33	0.15	2.37
(1,75)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:HG2	10	2.32	0.33	2.15
(1,75)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:HG3	10	2.32	0.33	2.15
(1,1208)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HB	10	2.19	0.58	2.38
(1,1167)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HB	10	2.19	0.56	2.37
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG11	10	2.17	0.11	2.2
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG12	10	2.17	0.11	2.2
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG13	10	2.17	0.11	2.2
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG21	10	2.17	0.11	2.2
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG22	10	2.17	0.11	2.2
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG23	10	2.17	0.11	2.2
(1,1159)	1:369:A:PRO:HA	1:387:A:TYR:HD2	10	2.12	0.76	1.9
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD11	1:340:A:TYR:HD1	10	2.01	0.44	2.13
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD12	1:340:A:TYR:HD1	10	2.01	0.44	2.13
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD13	1:340:A:TYR:HD1	10	2.01	0.44	2.13
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD21	1:340:A:TYR:HD1	10	2.01	0.44	2.13
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD22	1:340:A:TYR:HD1	10	2.01	0.44	2.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD23	1:340:A:TYR:HD1	10	2.01	0.44	2.13
(1,474)	1:354:A:ILE:HG12	1:355:A:ARG:HE	10	1.96	0.68	2.3
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HE	10	1.95	0.48	2.03
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HE	10	1.95	0.48	2.03
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HE	10	1.95	0.48	2.03
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HE	10	1.95	0.48	2.03
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HE	10	1.95	0.48	2.03
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HE	10	1.95	0.48	2.03
(1,259)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:HA	10	1.88	0.15	1.86
(1,638)	1:406:A:GLU:H	1:413:A:PHE:HD2	10	1.84	0.66	2.06
(1,363)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HG21	10	1.79	0.58	1.98
(1,363)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HG22	10	1.79	0.58	1.98
(1,363)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HG23	10	1.79	0.58	1.98
(1,231)	1:340:A:TYR:HE1	1:376:A:TRP:HA	10	1.76	0.66	1.62
(1,1168)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG21	10	1.66	0.47	1.81
(1,1168)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG22	10	1.66	0.47	1.81
(1,1168)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG23	10	1.66	0.47	1.81
(1,270)	1:366:A:ILE:HD11	1:413:A:PHE:HZ	10	1.58	0.18	1.57
(1,270)	1:366:A:ILE:HD12	1:413:A:PHE:HZ	10	1.58	0.18	1.57
(1,270)	1:366:A:ILE:HD13	1:413:A:PHE:HZ	10	1.58	0.18	1.57
(1,1206)	1:397:A:TYR:HB2	1:398:A:TYR:HE2	10	1.58	0.57	1.88
(1,505)	1:412:A:LEU:HD11	1:413:A:PHE:HE1	10	1.55	0.59	1.46
(1,505)	1:412:A:LEU:HD12	1:413:A:PHE:HE1	10	1.55	0.59	1.46
(1,505)	1:412:A:LEU:HD13	1:413:A:PHE:HE1	10	1.55	0.59	1.46
(1,633)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:H	10	1.5	0.24	1.6
(1,633)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:H	10	1.5	0.24	1.6
(1,372)	1:373:A:ALA:HB1	1:387:A:TYR:HD2	10	1.5	0.41	1.43
(1,372)	1:373:A:ALA:HB2	1:387:A:TYR:HD2	10	1.5	0.41	1.43
(1,372)	1:373:A:ALA:HB3	1:387:A:TYR:HD2	10	1.5	0.41	1.43
(1,396)	1:366:A:ILE:HG21	1:387:A:TYR:HD2	10	1.49	0.53	1.42
(1,396)	1:366:A:ILE:HG22	1:387:A:TYR:HD2	10	1.49	0.53	1.42
(1,396)	1:366:A:ILE:HG23	1:387:A:TYR:HD2	10	1.49	0.53	1.42
(1,397)	1:366:A:ILE:HG21	1:387:A:TYR:HE2	10	1.43	0.56	1.33
(1,397)	1:366:A:ILE:HG22	1:387:A:TYR:HE2	10	1.43	0.56	1.33
(1,397)	1:366:A:ILE:HG23	1:387:A:TYR:HE2	10	1.43	0.56	1.33
(1,1198)	1:396:A:HIS:HD2	1:397:A:TYR:HA	10	1.2	0.36	1.16
(1,887)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:H	10	1.2	0.05	1.19
(1,324)	1:346:A:SER:H	1:354:A:ILE:HD11	10	1.19	0.35	1.08
(1,324)	1:346:A:SER:H	1:354:A:ILE:HD12	10	1.19	0.35	1.08
(1,324)	1:346:A:SER:H	1:354:A:ILE:HD13	10	1.19	0.35	1.08
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD11	10	1.16	0.66	1.24
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD12	10	1.16	0.66	1.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD13	10	1.16	0.66	1.24
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD21	10	1.16	0.66	1.24
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD22	10	1.16	0.66	1.24
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD23	10	1.16	0.66	1.24
(1,1163)	1:398:A:TYR:HA	1:398:A:TYR:HD2	10	1.11	0.18	1.18
(1,806)	1:365:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HG3	10	1.1	0.06	1.08
(1,572)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG11	10	1.08	0.3	1.08
(1,572)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG12	10	1.08	0.3	1.08
(1,572)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG13	10	1.08	0.3	1.08
(1,1171)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG21	10	1.08	0.14	1.1
(1,1171)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG22	10	1.08	0.14	1.1
(1,1171)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG23	10	1.08	0.14	1.1
(1,1116)	1:354:A:ILE:H	1:368:A:ASP:HB2	10	1.05	0.03	1.05
(1,65)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:HB	10	1.05	0.21	1.11
(1,65)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:HB	10	1.05	0.21	1.11
(1,922)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HD11	10	1.04	0.22	0.95
(1,922)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HD12	10	1.04	0.22	0.95
(1,922)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HD13	10	1.04	0.22	0.95
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD11	1:338:A:TRP:HH2	10	1.02	0.55	0.82
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD12	1:338:A:TRP:HH2	10	1.02	0.55	0.82
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD13	1:338:A:TRP:HH2	10	1.02	0.55	0.82
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HH2	10	1.02	0.55	0.82
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HH2	10	1.02	0.55	0.82
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HH2	10	1.02	0.55	0.82
(1,401)	1:353:A:PHE:HB3	1:366:A:ILE:HG21	10	0.98	0.21	0.97
(1,401)	1:353:A:PHE:HB3	1:366:A:ILE:HG22	10	0.98	0.21	0.97
(1,401)	1:353:A:PHE:HB3	1:366:A:ILE:HG23	10	0.98	0.21	0.97
(1,361)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG21	10	0.97	0.38	0.93
(1,361)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG22	10	0.97	0.38	0.93
(1,361)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG23	10	0.97	0.38	0.93
(1,1161)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HB2	10	0.97	0.3	1.08
(1,1161)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HB3	10	0.97	0.3	1.08
(1,1222)	1:366:A:ILE:HG12	1:387:A:TYR:HE2	10	0.96	0.59	0.85
(1,1222)	1:366:A:ILE:HG13	1:387:A:TYR:HE2	10	0.96	0.59	0.85
(1,1199)	1:393:A:ALA:HA	1:396:A:HIS:HD2	10	0.96	0.3	1.02
(1,995)	1:359:A:LYS:HD2	1:363:A:ILE:H	10	0.94	0.27	0.9
(1,995)	1:359:A:LYS:HD3	1:363:A:ILE:H	10	0.94	0.27	0.9
(1,780)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:H	10	0.88	0.09	0.88
(1,399)	1:353:A:PHE:HA	1:366:A:ILE:HG21	10	0.83	0.23	0.77
(1,399)	1:353:A:PHE:HA	1:366:A:ILE:HG22	10	0.83	0.23	0.77
(1,399)	1:353:A:PHE:HA	1:366:A:ILE:HG23	10	0.83	0.23	0.77
(1,567)	1:386:A:THR:HG21	1:387:A:TYR:HB3	10	0.81	0.32	0.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,567)	1:386:A:THR:HG22	1:387:A:TYR:HB3	10	0.81	0.32	0.71
(1,567)	1:386:A:THR:HG23	1:387:A:TYR:HB3	10	0.81	0.32	0.71
(1,1158)	1:387:A:TYR:HA	1:387:A:TYR:HD2	10	0.81	0.09	0.8
(1,84)	1:358:A:ASP:HA	1:360:A:GLU:HG2	10	0.79	0.34	0.9
(1,84)	1:358:A:ASP:HA	1:360:A:GLU:HG3	10	0.79	0.34	0.9
(1,643)	1:406:A:GLU:H	1:413:A:PHE:HB3	10	0.76	0.27	0.86
(1,904)	1:366:A:ILE:H	1:368:A:ASP:H	10	0.75	0.16	0.77
(1,214)	1:373:A:ALA:HB1	1:385:A:MET:HA	10	0.75	0.21	0.77
(1,214)	1:373:A:ALA:HB2	1:385:A:MET:HA	10	0.75	0.21	0.77
(1,214)	1:373:A:ALA:HB3	1:385:A:MET:HA	10	0.75	0.21	0.77
(1,666)	1:366:A:ILE:H	1:413:A:PHE:HZ	10	0.74	0.3	0.67
(1,1221)	1:387:A:TYR:HB3	1:387:A:TYR:HE1	10	0.7	0.01	0.7
(1,1213)	1:340:A:TYR:HA	1:340:A:TYR:HE2	10	0.7	0.08	0.72
(1,313)	1:342:A:TYR:HA	1:342:A:TYR:HD2	10	0.68	0.1	0.72
(1,1218)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HG	10	0.63	0.32	0.64
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD11	1:367:A:VAL:HG21	10	0.62	0.31	0.58
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD11	1:367:A:VAL:HG22	10	0.62	0.31	0.58
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD11	1:367:A:VAL:HG23	10	0.62	0.31	0.58
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD12	1:367:A:VAL:HG21	10	0.62	0.31	0.58
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD12	1:367:A:VAL:HG22	10	0.62	0.31	0.58
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD12	1:367:A:VAL:HG23	10	0.62	0.31	0.58
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD13	1:367:A:VAL:HG21	10	0.62	0.31	0.58
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD13	1:367:A:VAL:HG22	10	0.62	0.31	0.58
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD13	1:367:A:VAL:HG23	10	0.62	0.31	0.58
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD21	1:367:A:VAL:HG21	10	0.62	0.31	0.58
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD21	1:367:A:VAL:HG22	10	0.62	0.31	0.58
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD21	1:367:A:VAL:HG23	10	0.62	0.31	0.58
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD22	1:367:A:VAL:HG21	10	0.62	0.31	0.58
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD22	1:367:A:VAL:HG22	10	0.62	0.31	0.58
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD22	1:367:A:VAL:HG23	10	0.62	0.31	0.58
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD23	1:367:A:VAL:HG21	10	0.62	0.31	0.58
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD23	1:367:A:VAL:HG22	10	0.62	0.31	0.58
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD23	1:367:A:VAL:HG23	10	0.62	0.31	0.58
(1,569)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG11	10	0.6	0.3	0.52
(1,569)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG12	10	0.6	0.3	0.52
(1,569)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG13	10	0.6	0.3	0.52
(1,449)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:HA	10	0.57	0.14	0.59
(1,897)	1:353:A:PHE:H	1:367:A:VAL:HB	10	0.54	0.14	0.52
(1,883)	1:401:A:ASN:H	1:402:A:ILE:HD11	10	0.53	0.05	0.52
(1,883)	1:401:A:ASN:H	1:402:A:ILE:HD12	10	0.53	0.05	0.52
(1,883)	1:401:A:ASN:H	1:402:A:ILE:HD13	10	0.53	0.05	0.52
(1,410)	1:353:A:PHE:HA	1:367:A:VAL:HA	10	0.52	0.1	0.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,726)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:H	10	0.51	0.21	0.56
(1,1038)	1:358:A:ASP:HA	1:360:A:GLU:H	10	0.48	0.17	0.5
(1,848)	1:361:A:SER:H	1:363:A:ILE:HB	10	0.48	0.21	0.51
(1,1104)	1:354:A:ILE:H	1:366:A:ILE:HA	10	0.47	0.17	0.45
(1,842)	1:358:A:ASP:HA	1:361:A:SER:H	10	0.46	0.1	0.46
(1,47)	1:418:A:THR:HG21	1:419:A:PRO:HB3	10	0.43	0.13	0.41
(1,47)	1:418:A:THR:HG22	1:419:A:PRO:HB3	10	0.43	0.13	0.41
(1,47)	1:418:A:THR:HG23	1:419:A:PRO:HB3	10	0.43	0.13	0.41
(1,860)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:H	10	0.43	0.15	0.43
(1,1214)	1:340:A:TYR:HB2	1:340:A:TYR:HE2	10	0.35	0.03	0.36
(1,1057)	1:373:A:ALA:H	1:376:A:TRP:HB2	10	0.33	0.18	0.29
(1,1057)	1:373:A:ALA:H	1:376:A:TRP:HB3	10	0.33	0.18	0.29
(1,844)	1:359:A:LYS:HA	1:361:A:SER:H	10	0.3	0.12	0.26
(1,48)	1:385:A:MET:HB2	1:386:A:THR:HA	10	0.28	0.08	0.27
(1,1160)	1:387:A:TYR:HB2	1:387:A:TYR:HD2	10	0.24	0.05	0.25
(1,748)	1:347:A:ASP:H	1:350:A:TYR:HE2	9	3.59	0.48	3.71
(1,140)	1:347:A:ASP:HB3	1:350:A:TYR:HD2	9	3.26	0.76	3.68
(1,716)	1:349:A:ARG:H	1:350:A:TYR:HD2	9	2.96	0.26	3.04
(1,717)	1:349:A:ARG:H	1:350:A:TYR:HE2	9	2.72	0.36	2.76
(1,1351)	1:349:A:ARG:HD2	1:350:A:TYR:HE2	9	2.5	0.67	2.46
(1,1351)	1:349:A:ARG:HD3	1:350:A:TYR:HE2	9	2.5	0.67	2.46
(1,1207)	1:347:A:ASP:HB2	1:350:A:TYR:HE2	9	2.49	0.85	2.97
(1,1207)	1:347:A:ASP:HB3	1:350:A:TYR:HE2	9	2.49	0.85	2.97
(1,703)	1:404:A:ARG:H	1:413:A:PHE:HD2	9	2.43	1.22	2.73
(1,1352)	1:349:A:ARG:HD2	1:350:A:TYR:HD2	9	2.41	0.69	2.66
(1,1352)	1:349:A:ARG:HD3	1:350:A:TYR:HD2	9	2.41	0.69	2.66
(1,500)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HH2	9	2.27	0.68	2.32
(1,500)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HH2	9	2.27	0.68	2.32
(1,500)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HH2	9	2.27	0.68	2.32
(1,178)	1:412:A:LEU:HA	1:413:A:PHE:HE1	9	2.15	0.84	2.6
(1,1349)	1:349:A:ARG:HB2	1:350:A:TYR:HD2	9	1.94	0.17	2.02
(1,1349)	1:349:A:ARG:HB3	1:350:A:TYR:HD2	9	1.94	0.17	2.02
(1,1211)	1:349:A:ARG:HG2	1:350:A:TYR:HE2	9	1.92	0.38	2.09
(1,1211)	1:349:A:ARG:HG3	1:350:A:TYR:HE2	9	1.92	0.38	2.09
(1,935)	1:350:A:TYR:H	1:350:A:TYR:HD2	9	1.46	0.22	1.41
(1,1157)	1:349:A:ARG:HG2	1:350:A:TYR:HD2	9	1.39	0.3	1.43
(1,1157)	1:349:A:ARG:HG3	1:350:A:TYR:HD2	9	1.39	0.3	1.43
(1,933)	1:350:A:TYR:H	1:350:A:TYR:HE2	9	1.26	0.24	1.18
(1,605)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HG2	9	1.21	0.41	1.31
(1,605)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HG3	9	1.21	0.41	1.31
(1,496)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD11	9	1.18	0.55	1.04
(1,496)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD12	9	1.18	0.55	1.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,496)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD13	9	1.18	0.55	1.04
(1,116)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HG	9	1.01	0.35	1.11
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD11	9	1.0	0.27	1.01
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD12	9	1.0	0.27	1.01
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD13	9	1.0	0.27	1.01
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD21	9	1.0	0.27	1.01
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD22	9	1.0	0.27	1.01
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD23	9	1.0	0.27	1.01
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD11	9	0.85	0.25	0.93
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD12	9	0.85	0.25	0.93
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD13	9	0.85	0.25	0.93
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD21	9	0.85	0.25	0.93
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD22	9	0.85	0.25	0.93
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD23	9	0.85	0.25	0.93
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD11	9	0.85	0.25	0.93
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD12	9	0.85	0.25	0.93
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD13	9	0.85	0.25	0.93
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD21	9	0.85	0.25	0.93
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD22	9	0.85	0.25	0.93
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD23	9	0.85	0.25	0.93
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD11	9	0.85	0.25	0.93
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD12	9	0.85	0.25	0.93
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD13	9	0.85	0.25	0.93
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD21	9	0.85	0.25	0.93
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD22	9	0.85	0.25	0.93
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD23	9	0.85	0.25	0.93
(1,88)	1:370:A:ASN:HA	1:387:A:TYR:HB3	9	0.84	0.75	0.42
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD11	9	0.81	0.46	0.89
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD12	9	0.81	0.46	0.89
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD13	9	0.81	0.46	0.89
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD21	9	0.81	0.46	0.89
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD22	9	0.81	0.46	0.89
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD23	9	0.81	0.46	0.89
(1,279)	1:363:A:ILE:HD11	1:412:A:LEU:HD11	9	0.78	0.41	0.78
(1,279)	1:363:A:ILE:HD11	1:412:A:LEU:HD12	9	0.78	0.41	0.78
(1,279)	1:363:A:ILE:HD11	1:412:A:LEU:HD13	9	0.78	0.41	0.78
(1,279)	1:363:A:ILE:HD12	1:412:A:LEU:HD11	9	0.78	0.41	0.78
(1,279)	1:363:A:ILE:HD12	1:412:A:LEU:HD12	9	0.78	0.41	0.78
(1,279)	1:363:A:ILE:HD12	1:412:A:LEU:HD13	9	0.78	0.41	0.78
(1,279)	1:363:A:ILE:HD13	1:412:A:LEU:HD11	9	0.78	0.41	0.78
(1,279)	1:363:A:ILE:HD13	1:412:A:LEU:HD12	9	0.78	0.41	0.78
(1,279)	1:363:A:ILE:HD13	1:412:A:LEU:HD13	9	0.78	0.41	0.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,118)	1:353:A:PHE:HB3	1:372:A:LEU:HG	9	0.74	0.33	0.82
(1,385)	1:358:A:ASP:HA	1:363:A:ILE:HG21	9	0.73	0.31	0.65
(1,385)	1:358:A:ASP:HA	1:363:A:ILE:HG22	9	0.73	0.31	0.65
(1,385)	1:358:A:ASP:HA	1:363:A:ILE:HG23	9	0.73	0.31	0.65
(1,1180)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HA	9	0.68	0.32	0.67
(1,565)	1:386:A:THR:HA	1:386:A:THR:HG21	9	0.59	0.0	0.59
(1,565)	1:386:A:THR:HA	1:386:A:THR:HG22	9	0.59	0.0	0.59
(1,565)	1:386:A:THR:HA	1:386:A:THR:HG23	9	0.59	0.0	0.59
(1,1191)	1:336:A:LEU:HB2	1:338:A:TRP:HD1	9	0.56	0.29	0.63
(1,1191)	1:336:A:LEU:HB3	1:338:A:TRP:HD1	9	0.56	0.29	0.63
(1,335)	1:361:A:SER:HB3	1:363:A:ILE:HB	9	0.54	0.27	0.57
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD11	9	0.54	0.26	0.49
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD12	9	0.54	0.26	0.49
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD13	9	0.54	0.26	0.49
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD21	9	0.54	0.26	0.49
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD22	9	0.54	0.26	0.49
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD23	9	0.54	0.26	0.49
(1,1129)	1:398:A:TYR:H	1:402:A:ILE:HD11	9	0.46	0.26	0.36
(1,1129)	1:398:A:TYR:H	1:402:A:ILE:HD12	9	0.46	0.26	0.36
(1,1129)	1:398:A:TYR:H	1:402:A:ILE:HD13	9	0.46	0.26	0.36
(1,358)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HG21	9	0.44	0.18	0.37
(1,358)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HG22	9	0.44	0.18	0.37
(1,358)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HG23	9	0.44	0.18	0.37
(1,19)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG21	9	0.43	0.17	0.41
(1,19)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG22	9	0.43	0.17	0.41
(1,19)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG23	9	0.43	0.17	0.41
(1,701)	1:363:A:ILE:HD11	1:415:A:PHE:H	9	0.4	0.12	0.39
(1,701)	1:363:A:ILE:HD12	1:415:A:PHE:H	9	0.4	0.12	0.39
(1,701)	1:363:A:ILE:HD13	1:415:A:PHE:H	9	0.4	0.12	0.39
(1,673)	1:365:A:ARG:HD2	1:366:A:ILE:H	9	0.39	0.14	0.46
(1,344)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG21	9	0.39	0.21	0.37
(1,344)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG22	9	0.39	0.21	0.37
(1,344)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG23	9	0.39	0.21	0.37
(1,380)	1:363:A:ILE:HG21	1:364:A:PHE:HD1	9	0.36	0.1	0.37
(1,380)	1:363:A:ILE:HG22	1:364:A:PHE:HD1	9	0.36	0.1	0.37
(1,380)	1:363:A:ILE:HG23	1:364:A:PHE:HD1	9	0.36	0.1	0.37
(1,785)	1:355:A:ARG:H	1:366:A:ILE:HA	9	0.35	0.21	0.19
(1,798)	1:365:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HD3	9	0.29	0.11	0.26
(1,798)	1:365:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HD2	9	0.29	0.11	0.26
(1,296)	1:340:A:TYR:HA	1:340:A:TYR:HD2	9	0.28	0.06	0.28
(1,908)	1:366:A:ILE:HA	1:368:A:ASP:H	9	0.28	0.12	0.26
(1,1130)	1:340:A:TYR:H	1:340:A:TYR:HD2	9	0.28	0.09	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,330)	1:358:A:ASP:HA	1:361:A:SER:HB2	9	0.27	0.14	0.24
(1,683)	1:405:A:LYS:H	1:413:A:PHE:HD2	8	2.72	1.01	3.0
(1,277)	1:365:A:ARG:HD3	1:366:A:ILE:HD11	8	1.46	0.2	1.52
(1,277)	1:365:A:ARG:HD3	1:366:A:ILE:HD12	8	1.46	0.2	1.52
(1,277)	1:365:A:ARG:HD3	1:366:A:ILE:HD13	8	1.46	0.2	1.52
(1,1201)	1:394:A:LEU:HG	1:397:A:TYR:HE2	8	1.44	0.92	1.29
(1,146)	1:355:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HD2	8	1.4	0.44	1.42
(1,1174)	1:394:A:LEU:HG	1:397:A:TYR:HD2	8	1.2	1.17	0.62
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD11	8	1.03	0.65	0.95
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD12	8	1.03	0.65	0.95
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD13	8	1.03	0.65	0.95
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD21	8	1.03	0.65	0.95
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD22	8	1.03	0.65	0.95
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD23	8	1.03	0.65	0.95
(1,1186)	1:356:A:TRP:HD1	1:359:A:LYS:HE2	8	0.95	0.52	1.18
(1,1186)	1:356:A:TRP:HD1	1:359:A:LYS:HE3	8	0.95	0.52	1.18
(1,203)	1:345:A:LEU:HG	1:355:A:ARG:HA	8	0.94	0.35	1.01
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HD2	8	0.93	0.44	0.9
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HD3	8	0.93	0.44	0.9
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HD2	8	0.93	0.44	0.9
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HD3	8	0.93	0.44	0.9
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HD2	8	0.93	0.44	0.9
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HD3	8	0.93	0.44	0.9
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HD2	8	0.93	0.44	0.9
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HD3	8	0.93	0.44	0.9
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HD2	8	0.93	0.44	0.9
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HD3	8	0.93	0.44	0.9
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HD2	8	0.93	0.44	0.9
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HD3	8	0.93	0.44	0.9
(1,191)	1:406:A:GLU:HA	1:412:A:LEU:HB3	8	0.87	0.28	0.82
(1,151)	1:365:A:ARG:HD3	1:366:A:ILE:H	8	0.71	0.19	0.68
(1,435)	1:370:A:ASN:HA	1:387:A:TYR:HB2	8	0.71	0.62	0.52
(1,327)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD11	8	0.65	0.28	0.64
(1,327)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD12	8	0.65	0.28	0.64
(1,327)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD13	8	0.65	0.28	0.64
(1,1110)	1:327:A:HIS:HE1	1:328:A:MET:H	8	0.62	0.36	0.54
(1,824)	1:375:A:LEU:HB2	1:378:A:ASN:HD21	8	0.61	0.33	0.58
(1,824)	1:375:A:LEU:HB3	1:378:A:ASN:HD21	8	0.61	0.33	0.58
(1,1204)	1:398:A:TYR:HE1	1:404:A:ARG:HA	8	0.58	0.27	0.58
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD11	1:338:A:TRP:HZ2	8	0.58	0.39	0.38
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD12	1:338:A:TRP:HZ2	8	0.58	0.39	0.38
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD13	1:338:A:TRP:HZ2	8	0.58	0.39	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HZ2	8	0.58	0.39	0.38
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HZ2	8	0.58	0.39	0.38
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HZ2	8	0.58	0.39	0.38
(1,1114)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG21	8	0.58	0.29	0.48
(1,1114)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG22	8	0.58	0.29	0.48
(1,1114)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG23	8	0.58	0.29	0.48
(1,702)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:H	8	0.55	0.3	0.59
(1,804)	1:355:A:ARG:HB2	1:365:A:ARG:H	8	0.55	0.18	0.5
(1,804)	1:355:A:ARG:HB3	1:365:A:ARG:H	8	0.55	0.18	0.5
(1,173)	1:353:A:PHE:HA	1:368:A:ASP:HA	8	0.51	0.11	0.52
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HG2	8	0.49	0.23	0.52
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HG3	8	0.49	0.23	0.52
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HG2	8	0.49	0.23	0.52
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HG3	8	0.49	0.23	0.52
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HG2	8	0.49	0.23	0.52
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HG3	8	0.49	0.23	0.52
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HG2	8	0.49	0.23	0.52
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HG3	8	0.49	0.23	0.52
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HG2	8	0.49	0.23	0.52
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HG3	8	0.49	0.23	0.52
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HG2	8	0.49	0.23	0.52
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HG3	8	0.49	0.23	0.52
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD11	1:357:A:GLU:H	8	0.46	0.25	0.32
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD12	1:357:A:GLU:H	8	0.46	0.25	0.32
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD13	1:357:A:GLU:H	8	0.46	0.25	0.32
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD21	1:357:A:GLU:H	8	0.46	0.25	0.32
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD22	1:357:A:GLU:H	8	0.46	0.25	0.32
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD23	1:357:A:GLU:H	8	0.46	0.25	0.32
(1,10)	1:376:A:TRP:HZ2	1:385:A:MET:HE1	8	0.44	0.27	0.36
(1,10)	1:376:A:TRP:HZ2	1:385:A:MET:HE2	8	0.44	0.27	0.36
(1,10)	1:376:A:TRP:HZ2	1:385:A:MET:HE3	8	0.44	0.27	0.36
(1,626)	1:355:A:ARG:H	1:367:A:VAL:H	8	0.44	0.24	0.38
(1,640)	1:406:A:GLU:H	1:413:A:PHE:HA	8	0.42	0.15	0.42
(1,215)	1:380:A:LYS:HA	1:380:A:LYS:HD2	8	0.41	0.09	0.44
(1,215)	1:380:A:LYS:HA	1:380:A:LYS:HD3	8	0.41	0.09	0.44
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD11	8	0.41	0.12	0.42
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD12	8	0.41	0.12	0.42
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD13	8	0.41	0.12	0.42
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD21	8	0.41	0.12	0.42
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD22	8	0.41	0.12	0.42
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD23	8	0.41	0.12	0.42
(1,820)	1:366:A:ILE:HG21	1:371:A:GLY:H	8	0.41	0.19	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,820)	1:366:A:ILE:HG22	1:371:A:GLY:H	8	0.41	0.19	0.44
(1,820)	1:366:A:ILE:HG23	1:371:A:GLY:H	8	0.41	0.19	0.44
(1,668)	1:366:A:ILE:H	1:413:A:PHE:HE1	7	3.61	0.28	3.51
(1,665)	1:366:A:ILE:H	1:413:A:PHE:HD1	7	2.24	0.2	2.14
(1,424)	1:405:A:LYS:HA	1:413:A:PHE:HD2	7	1.92	0.32	1.95
(1,364)	1:403:A:ILE:HG21	1:413:A:PHE:HE2	7	1.54	0.39	1.49
(1,364)	1:403:A:ILE:HG22	1:413:A:PHE:HE2	7	1.54	0.39	1.49
(1,364)	1:403:A:ILE:HG23	1:413:A:PHE:HE2	7	1.54	0.39	1.49
(1,504)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD21	7	1.27	0.77	1.75
(1,504)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD22	7	1.27	0.77	1.75
(1,504)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD23	7	1.27	0.77	1.75
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD11	1:350:A:TYR:HE1	7	1.26	0.78	1.34
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD12	1:350:A:TYR:HE1	7	1.26	0.78	1.34
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD13	1:350:A:TYR:HE1	7	1.26	0.78	1.34
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD21	1:350:A:TYR:HE1	7	1.26	0.78	1.34
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD22	1:350:A:TYR:HE1	7	1.26	0.78	1.34
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD23	1:350:A:TYR:HE1	7	1.26	0.78	1.34
(1,287)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD11	7	1.21	0.24	1.2
(1,287)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD12	7	1.21	0.24	1.2
(1,287)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD13	7	1.21	0.24	1.2
(1,360)	1:403:A:ILE:HG21	1:413:A:PHE:HD2	7	1.21	0.31	1.18
(1,360)	1:403:A:ILE:HG22	1:413:A:PHE:HD2	7	1.21	0.31	1.18
(1,360)	1:403:A:ILE:HG23	1:413:A:PHE:HD2	7	1.21	0.31	1.18
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD11	7	1.16	0.5	1.23
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD12	7	1.16	0.5	1.23
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD13	7	1.16	0.5	1.23
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD21	7	1.16	0.5	1.23
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD22	7	1.16	0.5	1.23
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD23	7	1.16	0.5	1.23
(1,345)	1:365:A:ARG:HD2	1:367:A:VAL:HG21	7	1.07	0.24	1.13
(1,345)	1:365:A:ARG:HD2	1:367:A:VAL:HG22	7	1.07	0.24	1.13
(1,345)	1:365:A:ARG:HD2	1:367:A:VAL:HG23	7	1.07	0.24	1.13
(1,606)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HA	7	1.03	0.2	1.11
(1,121)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HB2	7	1.03	0.57	0.97
(1,121)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HB3	7	1.03	0.57	0.97
(1,1494)	1:405:A:LYS:HG2	1:413:A:PHE:HE2	7	0.92	0.29	1.04
(1,1494)	1:405:A:LYS:HG3	1:413:A:PHE:HE2	7	0.92	0.29	1.04
(1,1209)	1:398:A:TYR:HE1	1:405:A:LYS:HB2	7	0.79	0.3	0.7
(1,1209)	1:398:A:TYR:HE1	1:405:A:LYS:HB3	7	0.79	0.3	0.7
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD11	1:338:A:TRP:HD1	7	0.77	0.37	0.65
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD12	1:338:A:TRP:HD1	7	0.77	0.37	0.65
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD13	1:338:A:TRP:HD1	7	0.77	0.37	0.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HD1	7	0.77	0.37	0.65
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HD1	7	0.77	0.37	0.65
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HD1	7	0.77	0.37	0.65
(1,1183)	1:413:A:PHE:HB3	1:413:A:PHE:HE2	7	0.72	0.02	0.72
(1,109)	1:415:A:PHE:HB3	1:415:A:PHE:HE2	7	0.68	0.03	0.67
(1,832)	1:418:A:THR:H	1:422:A:ILE:H	7	0.62	0.29	0.43
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD11	7	0.62	0.21	0.73
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD12	7	0.62	0.21	0.73
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD13	7	0.62	0.21	0.73
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD21	7	0.62	0.21	0.73
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD22	7	0.62	0.21	0.73
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD23	7	0.62	0.21	0.73
(1,159)	1:413:A:PHE:HB2	1:413:A:PHE:HE1	7	0.6	0.02	0.59
(1,263)	1:348:A:SER:HA	1:351:A:GLU:HG2	7	0.56	0.32	0.61
(1,263)	1:348:A:SER:HA	1:351:A:GLU:HG3	7	0.56	0.32	0.61
(1,339)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:HG21	7	0.54	0.09	0.5
(1,339)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:HG22	7	0.54	0.09	0.5
(1,339)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:HG23	7	0.54	0.09	0.5
(1,339)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:HG21	7	0.54	0.09	0.5
(1,339)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:HG22	7	0.54	0.09	0.5
(1,339)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:HG23	7	0.54	0.09	0.5
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD21	7	0.54	0.21	0.45
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD22	7	0.54	0.21	0.45
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD23	7	0.54	0.21	0.45
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD11	7	0.54	0.21	0.45
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD12	7	0.54	0.21	0.45
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD13	7	0.54	0.21	0.45
(1,326)	1:341:A:VAL:HA	1:354:A:ILE:HD11	7	0.5	0.25	0.41
(1,326)	1:341:A:VAL:HA	1:354:A:ILE:HD12	7	0.5	0.25	0.41
(1,326)	1:341:A:VAL:HA	1:354:A:ILE:HD13	7	0.5	0.25	0.41
(1,172)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE1	7	0.49	0.19	0.43
(1,172)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE2	7	0.49	0.19	0.43
(1,172)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE3	7	0.49	0.19	0.43
(1,1250)	1:337:A:LEU:HB2	1:341:A:VAL:HB	7	0.48	0.24	0.52
(1,1250)	1:337:A:LEU:HB3	1:341:A:VAL:HB	7	0.48	0.24	0.52
(1,645)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HB3	7	0.44	0.17	0.46
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD11	1:390:A:MET:HE1	7	0.39	0.16	0.35
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD11	1:390:A:MET:HE2	7	0.39	0.16	0.35
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD11	1:390:A:MET:HE3	7	0.39	0.16	0.35
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD12	1:390:A:MET:HE1	7	0.39	0.16	0.35
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD12	1:390:A:MET:HE2	7	0.39	0.16	0.35
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD12	1:390:A:MET:HE3	7	0.39	0.16	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD13	1:390:A:MET:HE1	7	0.39	0.16	0.35
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD13	1:390:A:MET:HE2	7	0.39	0.16	0.35
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD13	1:390:A:MET:HE3	7	0.39	0.16	0.35
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD21	1:390:A:MET:HE1	7	0.39	0.16	0.35
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD21	1:390:A:MET:HE2	7	0.39	0.16	0.35
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD21	1:390:A:MET:HE3	7	0.39	0.16	0.35
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD22	1:390:A:MET:HE1	7	0.39	0.16	0.35
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD22	1:390:A:MET:HE2	7	0.39	0.16	0.35
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD22	1:390:A:MET:HE3	7	0.39	0.16	0.35
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD23	1:390:A:MET:HE1	7	0.39	0.16	0.35
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD23	1:390:A:MET:HE2	7	0.39	0.16	0.35
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD23	1:390:A:MET:HE3	7	0.39	0.16	0.35
(1,846)	1:361:A:SER:H	1:363:A:ILE:HD11	7	0.39	0.19	0.4
(1,846)	1:361:A:SER:H	1:363:A:ILE:HD12	7	0.39	0.19	0.4
(1,846)	1:361:A:SER:H	1:363:A:ILE:HD13	7	0.39	0.19	0.4
(1,448)	1:374:A:ARG:H	1:385:A:MET:HB3	7	0.37	0.19	0.3
(1,1034)	1:356:A:TRP:HB3	1:360:A:GLU:H	7	0.36	0.13	0.38
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA2	1:385:A:MET:HE1	7	0.34	0.16	0.29
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA2	1:385:A:MET:HE2	7	0.34	0.16	0.29
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA2	1:385:A:MET:HE3	7	0.34	0.16	0.29
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE1	7	0.34	0.16	0.29
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE2	7	0.34	0.16	0.29
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE3	7	0.34	0.16	0.29
(1,1187)	1:356:A:TRP:HD1	1:359:A:LYS:HD2	7	0.33	0.21	0.21
(1,1187)	1:356:A:TRP:HD1	1:359:A:LYS:HD3	7	0.33	0.21	0.21
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD11	1:341:A:VAL:HA	7	0.31	0.18	0.22
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD12	1:341:A:VAL:HA	7	0.31	0.18	0.22
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD13	1:341:A:VAL:HA	7	0.31	0.18	0.22
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD21	1:341:A:VAL:HA	7	0.31	0.18	0.22
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD22	1:341:A:VAL:HA	7	0.31	0.18	0.22
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD23	1:341:A:VAL:HA	7	0.31	0.18	0.22
(1,20)	1:345:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG21	7	0.29	0.14	0.29
(1,20)	1:345:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG22	7	0.29	0.14	0.29
(1,20)	1:345:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG23	7	0.29	0.14	0.29
(1,896)	1:353:A:PHE:H	1:354:A:ILE:HB	7	0.29	0.07	0.29
(1,937)	1:348:A:SER:HA	1:350:A:TYR:H	7	0.29	0.11	0.22
(1,1127)	1:348:A:SER:H	1:350:A:TYR:H	7	0.28	0.12	0.24
(1,426)	1:410:A:ARG:HA	1:410:A:ARG:HD2	7	0.27	0.13	0.2
(1,426)	1:410:A:ARG:HA	1:410:A:ARG:HD3	7	0.27	0.13	0.2
(1,230)	1:376:A:TRP:HA	1:376:A:TRP:HZ3	7	0.26	0.09	0.25
(1,1035)	1:358:A:ASP:HB2	1:360:A:GLU:H	7	0.25	0.12	0.17
(1,1035)	1:358:A:ASP:HB3	1:360:A:GLU:H	7	0.25	0.12	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,1108)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:H	7	0.18	0.06	0.16
(1,252)	1:359:A:LYS:HA	1:359:A:LYS:HG2	7	0.14	0.04	0.13
(1,540)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD21	6	1.6	1.17	1.2
(1,540)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD22	6	1.6	1.17	1.2
(1,540)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD23	6	1.6	1.17	1.2
(1,546)	1:336:A:LEU:HD11	1:338:A:TRP:HH2	6	1.39	1.05	1.34
(1,546)	1:336:A:LEU:HD12	1:338:A:TRP:HH2	6	1.39	1.05	1.34
(1,546)	1:336:A:LEU:HD13	1:338:A:TRP:HH2	6	1.39	1.05	1.34
(1,663)	1:357:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD21	6	1.12	0.53	1.34
(1,663)	1:357:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD22	6	1.12	0.53	1.34
(1,663)	1:357:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD23	6	1.12	0.53	1.34
(1,1196)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD21	6	0.99	0.39	0.99
(1,1196)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD22	6	0.99	0.39	0.99
(1,1196)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD23	6	0.99	0.39	0.99
(1,597)	1:356:A:TRP:HE1	1:359:A:LYS:HE2	6	0.92	0.41	1.06
(1,597)	1:356:A:TRP:HE1	1:359:A:LYS:HE3	6	0.92	0.41	1.06
(1,559)	1:417:A:LYS:HE2	1:418:A:THR:HG21	6	0.87	0.3	0.86
(1,559)	1:417:A:LYS:HE2	1:418:A:THR:HG22	6	0.87	0.3	0.86
(1,559)	1:417:A:LYS:HE2	1:418:A:THR:HG23	6	0.87	0.3	0.86
(1,559)	1:417:A:LYS:HE3	1:418:A:THR:HG21	6	0.87	0.3	0.86
(1,559)	1:417:A:LYS:HE3	1:418:A:THR:HG22	6	0.87	0.3	0.86
(1,559)	1:417:A:LYS:HE3	1:418:A:THR:HG23	6	0.87	0.3	0.86
(1,1477)	1:397:A:TYR:HD1	1:400:A:LEU:HD11	6	0.87	0.64	0.81
(1,1477)	1:397:A:TYR:HD1	1:400:A:LEU:HD12	6	0.87	0.64	0.81
(1,1477)	1:397:A:TYR:HD1	1:400:A:LEU:HD13	6	0.87	0.64	0.81
(1,1477)	1:397:A:TYR:HD1	1:400:A:LEU:HD21	6	0.87	0.64	0.81
(1,1477)	1:397:A:TYR:HD1	1:400:A:LEU:HD22	6	0.87	0.64	0.81
(1,1477)	1:397:A:TYR:HD1	1:400:A:LEU:HD23	6	0.87	0.64	0.81
(1,329)	1:348:A:SER:HB2	1:351:A:GLU:HG2	6	0.81	0.24	0.9
(1,329)	1:348:A:SER:HB2	1:351:A:GLU:HG3	6	0.81	0.24	0.9
(1,329)	1:348:A:SER:HB3	1:351:A:GLU:HG2	6	0.81	0.24	0.9
(1,329)	1:348:A:SER:HB3	1:351:A:GLU:HG3	6	0.81	0.24	0.9
(1,1451)	1:387:A:TYR:HD2	1:394:A:LEU:HD11	6	0.77	0.24	0.74
(1,1451)	1:387:A:TYR:HD2	1:394:A:LEU:HD12	6	0.77	0.24	0.74
(1,1451)	1:387:A:TYR:HD2	1:394:A:LEU:HD13	6	0.77	0.24	0.74
(1,1451)	1:387:A:TYR:HD2	1:394:A:LEU:HD21	6	0.77	0.24	0.74
(1,1451)	1:387:A:TYR:HD2	1:394:A:LEU:HD22	6	0.77	0.24	0.74
(1,1451)	1:387:A:TYR:HD2	1:394:A:LEU:HD23	6	0.77	0.24	0.74
(1,1140)	1:375:A:LEU:HA	1:378:A:ASN:HD22	6	0.76	0.39	0.68
(1,152)	1:354:A:ILE:H	1:355:A:ARG:HD2	6	0.68	0.44	0.57
(1,152)	1:354:A:ILE:H	1:355:A:ARG:HD3	6	0.68	0.44	0.57
(1,829)	1:417:A:LYS:HG2	1:418:A:THR:H	6	0.65	0.18	0.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,829)	1:417:A:LYS:HG3	1:418:A:THR:H	6	0.65	0.18	0.66
(1,411)	1:365:A:ARG:HD3	1:367:A:VAL:HA	6	0.57	0.43	0.43
(1,411)	1:365:A:ARG:HD2	1:367:A:VAL:HA	6	0.57	0.43	0.43
(1,1331)	1:345:A:LEU:HD11	1:356:A:TRP:H	6	0.55	0.16	0.56
(1,1331)	1:345:A:LEU:HD12	1:356:A:TRP:H	6	0.55	0.16	0.56
(1,1331)	1:345:A:LEU:HD13	1:356:A:TRP:H	6	0.55	0.16	0.56
(1,1331)	1:345:A:LEU:HD21	1:356:A:TRP:H	6	0.55	0.16	0.56
(1,1331)	1:345:A:LEU:HD22	1:356:A:TRP:H	6	0.55	0.16	0.56
(1,1331)	1:345:A:LEU:HD23	1:356:A:TRP:H	6	0.55	0.16	0.56
(1,248)	1:376:A:TRP:HD1	1:390:A:MET:HA	6	0.54	0.2	0.46
(1,499)	1:369:A:PRO:HA	1:411:A:LEU:HD11	6	0.54	0.22	0.58
(1,499)	1:369:A:PRO:HA	1:411:A:LEU:HD12	6	0.54	0.22	0.58
(1,499)	1:369:A:PRO:HA	1:411:A:LEU:HD13	6	0.54	0.22	0.58
(1,1363)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HD11	6	0.53	0.38	0.38
(1,1363)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HD12	6	0.53	0.38	0.38
(1,1363)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HD13	6	0.53	0.38	0.38
(1,1363)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HD21	6	0.53	0.38	0.38
(1,1363)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HD22	6	0.53	0.38	0.38
(1,1363)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HD23	6	0.53	0.38	0.38
(1,712)	1:404:A:ARG:H	1:416:A:MET:HG2	6	0.53	0.29	0.46
(1,712)	1:404:A:ARG:H	1:416:A:MET:HG3	6	0.53	0.29	0.46
(1,1008)	1:412:A:LEU:H	1:413:A:PHE:HD1	6	0.53	0.29	0.64
(1,377)	1:373:A:ALA:HB1	1:385:A:MET:HB3	6	0.51	0.22	0.53
(1,377)	1:373:A:ALA:HB2	1:385:A:MET:HB3	6	0.51	0.22	0.53
(1,377)	1:373:A:ALA:HB3	1:385:A:MET:HB3	6	0.51	0.22	0.53
(1,377)	1:373:A:ALA:HB1	1:385:A:MET:HB2	6	0.51	0.22	0.53
(1,377)	1:373:A:ALA:HB2	1:385:A:MET:HB2	6	0.51	0.22	0.53
(1,377)	1:373:A:ALA:HB3	1:385:A:MET:HB2	6	0.51	0.22	0.53
(1,1244)	1:336:A:LEU:HD11	1:338:A:TRP:HE1	6	0.51	0.38	0.4
(1,1244)	1:336:A:LEU:HD12	1:338:A:TRP:HE1	6	0.51	0.38	0.4
(1,1244)	1:336:A:LEU:HD13	1:338:A:TRP:HE1	6	0.51	0.38	0.4
(1,1244)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HE1	6	0.51	0.38	0.4
(1,1244)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HE1	6	0.51	0.38	0.4
(1,1244)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HE1	6	0.51	0.38	0.4
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HB2	6	0.46	0.19	0.48
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HB3	6	0.46	0.19	0.48
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HB2	6	0.46	0.19	0.48
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HB3	6	0.46	0.19	0.48
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HB2	6	0.46	0.19	0.48
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HB3	6	0.46	0.19	0.48
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HB2	6	0.46	0.19	0.48
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HB3	6	0.46	0.19	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HB2	6	0.46	0.19	0.48
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HB3	6	0.46	0.19	0.48
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HB2	6	0.46	0.19	0.48
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HB3	6	0.46	0.19	0.48
(1,1291)	1:341:A:VAL:HG11	1:364:A:PHE:HD2	6	0.44	0.24	0.45
(1,1291)	1:341:A:VAL:HG12	1:364:A:PHE:HD2	6	0.44	0.24	0.45
(1,1291)	1:341:A:VAL:HG13	1:364:A:PHE:HD2	6	0.44	0.24	0.45
(1,1291)	1:341:A:VAL:HG21	1:364:A:PHE:HD2	6	0.44	0.24	0.45
(1,1291)	1:341:A:VAL:HG22	1:364:A:PHE:HD2	6	0.44	0.24	0.45
(1,1291)	1:341:A:VAL:HG23	1:364:A:PHE:HD2	6	0.44	0.24	0.45
(1,1325)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:H	6	0.43	0.17	0.5
(1,1325)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:H	6	0.43	0.17	0.5
(1,1325)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:H	6	0.43	0.17	0.5
(1,1325)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:H	6	0.43	0.17	0.5
(1,1325)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:H	6	0.43	0.17	0.5
(1,1325)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:H	6	0.43	0.17	0.5
(1,1216)	1:340:A:TYR:HE2	1:379:A:HIS:HB2	6	0.43	0.28	0.34
(1,1216)	1:340:A:TYR:HE2	1:379:A:HIS:HB3	6	0.43	0.28	0.34
(1,948)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD11	6	0.42	0.19	0.36
(1,948)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD12	6	0.42	0.19	0.36
(1,948)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD13	6	0.42	0.19	0.36
(1,587)	1:353:A:PHE:HB3	1:369:A:PRO:HA	6	0.42	0.18	0.41
(1,1202)	1:397:A:TYR:HA	1:397:A:TYR:HE1	6	0.42	0.29	0.26
(1,1360)	1:352:A:ASN:HB2	1:367:A:VAL:HB	6	0.41	0.3	0.27
(1,1360)	1:352:A:ASN:HB3	1:367:A:VAL:HB	6	0.41	0.3	0.27
(1,1113)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HB	6	0.38	0.2	0.41
(1,204)	1:355:A:ARG:HA	1:367:A:VAL:HG21	6	0.35	0.14	0.36
(1,204)	1:355:A:ARG:HA	1:367:A:VAL:HG22	6	0.35	0.14	0.36
(1,204)	1:355:A:ARG:HA	1:367:A:VAL:HG23	6	0.35	0.14	0.36
(1,393)	1:366:A:ILE:HG21	1:372:A:LEU:H	6	0.35	0.15	0.36
(1,393)	1:366:A:ILE:HG22	1:372:A:LEU:H	6	0.35	0.15	0.36
(1,393)	1:366:A:ILE:HG23	1:372:A:LEU:H	6	0.35	0.15	0.36
(1,61)	1:343:A:GLN:H	1:343:A:GLN:HG2	6	0.33	0.07	0.34
(1,61)	1:343:A:GLN:H	1:343:A:GLN:HG3	6	0.33	0.07	0.34
(1,1413)	1:372:A:LEU:HD11	1:376:A:TRP:H	6	0.32	0.07	0.36
(1,1413)	1:372:A:LEU:HD12	1:376:A:TRP:H	6	0.32	0.07	0.36
(1,1413)	1:372:A:LEU:HD13	1:376:A:TRP:H	6	0.32	0.07	0.36
(1,1413)	1:372:A:LEU:HD21	1:376:A:TRP:H	6	0.32	0.07	0.36
(1,1413)	1:372:A:LEU:HD22	1:376:A:TRP:H	6	0.32	0.07	0.36
(1,1413)	1:372:A:LEU:HD23	1:376:A:TRP:H	6	0.32	0.07	0.36
(1,992)	1:359:A:LYS:HA	1:363:A:ILE:H	6	0.32	0.09	0.32
(1,762)	1:413:A:PHE:H	1:413:A:PHE:HD1	6	0.28	0.09	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,946)	1:358:A:ASP:H	1:363:A:ILE:HG21	6	0.28	0.1	0.25
(1,946)	1:358:A:ASP:H	1:363:A:ILE:HG22	6	0.28	0.1	0.25
(1,946)	1:358:A:ASP:H	1:363:A:ILE:HG23	6	0.28	0.1	0.25
(1,46)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:HG21	6	0.26	0.09	0.23
(1,46)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:HG22	6	0.26	0.09	0.23
(1,46)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:HG23	6	0.26	0.09	0.23
(1,574)	1:353:A:PHE:HA	1:367:A:VAL:HG11	6	0.25	0.1	0.25
(1,574)	1:353:A:PHE:HA	1:367:A:VAL:HG12	6	0.25	0.1	0.25
(1,574)	1:353:A:PHE:HA	1:367:A:VAL:HG13	6	0.25	0.1	0.25
(1,542)	1:369:A:PRO:HA	1:411:A:LEU:HD21	5	1.4	0.92	1.71
(1,542)	1:369:A:PRO:HA	1:411:A:LEU:HD22	5	1.4	0.92	1.71
(1,542)	1:369:A:PRO:HA	1:411:A:LEU:HD23	5	1.4	0.92	1.71
(1,510)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD11	5	1.13	0.5	1.35
(1,510)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD12	5	1.13	0.5	1.35
(1,510)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD13	5	1.13	0.5	1.35
(1,1192)	1:376:A:TRP:HH2	1:380:A:LYS:HD2	5	1.0	0.38	0.82
(1,1192)	1:376:A:TRP:HH2	1:380:A:LYS:HD3	5	1.0	0.38	0.82
(1,1435)	1:376:A:TRP:HH2	1:380:A:LYS:HE2	5	0.95	0.6	1.19
(1,1435)	1:376:A:TRP:HH2	1:380:A:LYS:HE3	5	0.95	0.6	1.19
(1,1470)	1:394:A:LEU:HD11	1:413:A:PHE:HZ	5	0.87	0.55	1.1
(1,1470)	1:394:A:LEU:HD12	1:413:A:PHE:HZ	5	0.87	0.55	1.1
(1,1470)	1:394:A:LEU:HD13	1:413:A:PHE:HZ	5	0.87	0.55	1.1
(1,1470)	1:394:A:LEU:HD21	1:413:A:PHE:HZ	5	0.87	0.55	1.1
(1,1470)	1:394:A:LEU:HD22	1:413:A:PHE:HZ	5	0.87	0.55	1.1
(1,1470)	1:394:A:LEU:HD23	1:413:A:PHE:HZ	5	0.87	0.55	1.1
(1,286)	1:403:A:ILE:HD11	1:413:A:PHE:HD2	5	0.85	0.31	0.69
(1,286)	1:403:A:ILE:HD12	1:413:A:PHE:HD2	5	0.85	0.31	0.69
(1,286)	1:403:A:ILE:HD13	1:413:A:PHE:HD2	5	0.85	0.31	0.69
(1,52)	1:357:A:GLU:HB2	1:412:A:LEU:HD21	5	0.82	0.26	0.85
(1,52)	1:357:A:GLU:HB2	1:412:A:LEU:HD22	5	0.82	0.26	0.85
(1,52)	1:357:A:GLU:HB2	1:412:A:LEU:HD23	5	0.82	0.26	0.85
(1,52)	1:357:A:GLU:HB3	1:412:A:LEU:HD21	5	0.82	0.26	0.85
(1,52)	1:357:A:GLU:HB3	1:412:A:LEU:HD22	5	0.82	0.26	0.85
(1,52)	1:357:A:GLU:HB3	1:412:A:LEU:HD23	5	0.82	0.26	0.85
(1,481)	1:355:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HG2	5	0.56	0.46	0.39
(1,1172)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HG	5	0.56	0.33	0.6
(1,1070)	1:417:A:LYS:HE2	1:421:A:GLU:H	5	0.56	0.32	0.5
(1,1070)	1:417:A:LYS:HE3	1:421:A:GLU:H	5	0.56	0.32	0.5
(1,240)	1:415:A:PHE:HA	1:415:A:PHE:HE1	5	0.54	0.31	0.69
(1,387)	1:358:A:ASP:HB2	1:363:A:ILE:HG21	5	0.5	0.21	0.59
(1,387)	1:358:A:ASP:HB2	1:363:A:ILE:HG22	5	0.5	0.21	0.59
(1,387)	1:358:A:ASP:HB2	1:363:A:ILE:HG23	5	0.5	0.21	0.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,387)	1:358:A:ASP:HB3	1:363:A:ILE:HG21	5	0.5	0.21	0.59
(1,387)	1:358:A:ASP:HB3	1:363:A:ILE:HG22	5	0.5	0.21	0.59
(1,387)	1:358:A:ASP:HB3	1:363:A:ILE:HG23	5	0.5	0.21	0.59
(1,323)	1:345:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD11	5	0.46	0.17	0.4
(1,323)	1:345:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD12	5	0.46	0.17	0.4
(1,323)	1:345:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD13	5	0.46	0.17	0.4
(1,14)	1:345:A:LEU:HA	1:354:A:ILE:HG21	5	0.46	0.16	0.53
(1,14)	1:345:A:LEU:HA	1:354:A:ILE:HG22	5	0.46	0.16	0.53
(1,14)	1:345:A:LEU:HA	1:354:A:ILE:HG23	5	0.46	0.16	0.53
(1,1522)	1:416:A:MET:H	1:417:A:LYS:HB2	5	0.43	0.24	0.3
(1,1522)	1:416:A:MET:H	1:417:A:LYS:HB3	5	0.43	0.24	0.3
(1,503)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD21	5	0.42	0.17	0.48
(1,503)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD22	5	0.42	0.17	0.48
(1,503)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD23	5	0.42	0.17	0.48
(1,631)	1:365:A:ARG:HD3	1:367:A:VAL:H	5	0.42	0.27	0.46
(1,136)	1:356:A:TRP:HZ2	1:359:A:LYS:HE2	5	0.42	0.28	0.34
(1,136)	1:356:A:TRP:HZ2	1:359:A:LYS:HE3	5	0.42	0.28	0.34
(1,755)	1:355:A:ARG:HG2	1:356:A:TRP:H	5	0.37	0.16	0.42
(1,755)	1:355:A:ARG:HG3	1:356:A:TRP:H	5	0.37	0.16	0.42
(1,872)	1:352:A:ASN:H	1:354:A:ILE:HG21	5	0.35	0.17	0.32
(1,872)	1:352:A:ASN:H	1:354:A:ILE:HG22	5	0.35	0.17	0.32
(1,872)	1:352:A:ASN:H	1:354:A:ILE:HG23	5	0.35	0.17	0.32
(1,99)	1:375:A:LEU:HB2	1:378:A:ASN:HB2	5	0.32	0.15	0.23
(1,99)	1:375:A:LEU:HB3	1:378:A:ASN:HB2	5	0.32	0.15	0.23
(1,1370)	1:354:A:ILE:H	1:375:A:LEU:HD11	5	0.3	0.13	0.32
(1,1370)	1:354:A:ILE:H	1:375:A:LEU:HD12	5	0.3	0.13	0.32
(1,1370)	1:354:A:ILE:H	1:375:A:LEU:HD13	5	0.3	0.13	0.32
(1,1370)	1:354:A:ILE:H	1:375:A:LEU:HD21	5	0.3	0.13	0.32
(1,1370)	1:354:A:ILE:H	1:375:A:LEU:HD22	5	0.3	0.13	0.32
(1,1370)	1:354:A:ILE:H	1:375:A:LEU:HD23	5	0.3	0.13	0.32
(1,49)	1:366:A:ILE:HG21	1:369:A:PRO:HB2	5	0.3	0.15	0.22
(1,49)	1:366:A:ILE:HG22	1:369:A:PRO:HB2	5	0.3	0.15	0.22
(1,49)	1:366:A:ILE:HG23	1:369:A:PRO:HB2	5	0.3	0.15	0.22
(1,1340)	1:345:A:LEU:HD11	1:365:A:ARG:H	5	0.3	0.23	0.21
(1,1340)	1:345:A:LEU:HD12	1:365:A:ARG:H	5	0.3	0.23	0.21
(1,1340)	1:345:A:LEU:HD13	1:365:A:ARG:H	5	0.3	0.23	0.21
(1,1340)	1:345:A:LEU:HD21	1:365:A:ARG:H	5	0.3	0.23	0.21
(1,1340)	1:345:A:LEU:HD22	1:365:A:ARG:H	5	0.3	0.23	0.21
(1,1340)	1:345:A:LEU:HD23	1:365:A:ARG:H	5	0.3	0.23	0.21
(1,359)	1:403:A:ILE:HG21	1:415:A:PHE:HE1	5	0.28	0.12	0.23
(1,359)	1:403:A:ILE:HG22	1:415:A:PHE:HE1	5	0.28	0.12	0.23
(1,359)	1:403:A:ILE:HG23	1:415:A:PHE:HE1	5	0.28	0.12	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,982)	1:394:A:LEU:H	1:396:A:HIS:HB2	5	0.28	0.11	0.3
(1,982)	1:394:A:LEU:H	1:396:A:HIS:HB3	5	0.28	0.11	0.3
(1,421)	1:405:A:LYS:HA	1:413:A:PHE:HB3	5	0.27	0.1	0.27
(1,1501)	1:406:A:GLU:HG2	1:412:A:LEU:HB2	5	0.27	0.04	0.25
(1,1501)	1:406:A:GLU:HG3	1:412:A:LEU:HB2	5	0.27	0.04	0.25
(1,1501)	1:406:A:GLU:HG2	1:412:A:LEU:HB3	5	0.27	0.04	0.25
(1,1501)	1:406:A:GLU:HG3	1:412:A:LEU:HB3	5	0.27	0.04	0.25
(1,981)	1:374:A:ARG:H	1:374:A:ARG:HD2	5	0.26	0.04	0.24
(1,981)	1:374:A:ARG:H	1:374:A:ARG:HD3	5	0.26	0.04	0.24
(1,1084)	1:376:A:TRP:H	1:378:A:ASN:HB2	5	0.21	0.03	0.22
(1,1410)	1:372:A:LEU:HD11	1:375:A:LEU:H	5	0.21	0.07	0.23
(1,1410)	1:372:A:LEU:HD12	1:375:A:LEU:H	5	0.21	0.07	0.23
(1,1410)	1:372:A:LEU:HD13	1:375:A:LEU:H	5	0.21	0.07	0.23
(1,1410)	1:372:A:LEU:HD21	1:375:A:LEU:H	5	0.21	0.07	0.23
(1,1410)	1:372:A:LEU:HD22	1:375:A:LEU:H	5	0.21	0.07	0.23
(1,1410)	1:372:A:LEU:HD23	1:375:A:LEU:H	5	0.21	0.07	0.23
(1,911)	1:366:A:ILE:HG21	1:368:A:ASP:H	5	0.2	0.06	0.18
(1,911)	1:366:A:ILE:HG22	1:368:A:ASP:H	5	0.2	0.06	0.18
(1,911)	1:366:A:ILE:HG23	1:368:A:ASP:H	5	0.2	0.06	0.18
(1,1307)	1:344:A:LEU:HD11	1:353:A:PHE:H	5	0.18	0.01	0.18
(1,1307)	1:344:A:LEU:HD12	1:353:A:PHE:H	5	0.18	0.01	0.18
(1,1307)	1:344:A:LEU:HD13	1:353:A:PHE:H	5	0.18	0.01	0.18
(1,1307)	1:344:A:LEU:HD21	1:353:A:PHE:H	5	0.18	0.01	0.18
(1,1307)	1:344:A:LEU:HD22	1:353:A:PHE:H	5	0.18	0.01	0.18
(1,1307)	1:344:A:LEU:HD23	1:353:A:PHE:H	5	0.18	0.01	0.18
(1,677)	1:366:A:ILE:H	1:366:A:ILE:HD11	5	0.16	0.05	0.15
(1,677)	1:366:A:ILE:H	1:366:A:ILE:HD12	5	0.16	0.05	0.15
(1,677)	1:366:A:ILE:H	1:366:A:ILE:HD13	5	0.16	0.05	0.15
(1,821)	1:371:A:GLY:H	1:372:A:LEU:HB2	5	0.15	0.03	0.14
(1,900)	1:353:A:PHE:H	1:354:A:ILE:HA	5	0.13	0.03	0.12
(1,506)	1:365:A:ARG:HD3	1:412:A:LEU:HD21	4	0.91	0.68	0.6
(1,506)	1:365:A:ARG:HD3	1:412:A:LEU:HD22	4	0.91	0.68	0.6
(1,506)	1:365:A:ARG:HD3	1:412:A:LEU:HD23	4	0.91	0.68	0.6
(1,869)	1:391:A:SER:H	1:394:A:LEU:HG	4	0.85	0.54	0.67
(1,1280)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD11	4	0.76	0.25	0.77
(1,1280)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD12	4	0.76	0.25	0.77
(1,1280)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD13	4	0.76	0.25	0.77
(1,1280)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD21	4	0.76	0.25	0.77
(1,1280)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD22	4	0.76	0.25	0.77
(1,1280)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD23	4	0.76	0.25	0.77
(1,1305)	1:344:A:LEU:HD11	1:347:A:ASP:HB2	4	0.74	0.34	0.58
(1,1305)	1:344:A:LEU:HD12	1:347:A:ASP:HB2	4	0.74	0.34	0.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,1305)	1:344:A:LEU:HD13	1:347:A:ASP:HB2	4	0.74	0.34	0.58
(1,1305)	1:344:A:LEU:HD21	1:347:A:ASP:HB2	4	0.74	0.34	0.58
(1,1305)	1:344:A:LEU:HD22	1:347:A:ASP:HB2	4	0.74	0.34	0.58
(1,1305)	1:344:A:LEU:HD23	1:347:A:ASP:HB2	4	0.74	0.34	0.58
(1,943)	1:400:A:LEU:H	1:400:A:LEU:HG	4	0.58	0.26	0.56
(1,1376)	1:359:A:LYS:HA	1:362:A:LYS:HG2	4	0.55	0.4	0.46
(1,1376)	1:359:A:LYS:HA	1:362:A:LYS:HG3	4	0.55	0.4	0.46
(1,365)	1:364:A:PHE:HE1	1:403:A:ILE:HG21	4	0.54	0.25	0.52
(1,365)	1:364:A:PHE:HE1	1:403:A:ILE:HG22	4	0.54	0.25	0.52
(1,365)	1:364:A:PHE:HE1	1:403:A:ILE:HG23	4	0.54	0.25	0.52
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD11	1:354:A:ILE:HD11	4	0.52	0.11	0.51
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD11	1:354:A:ILE:HD12	4	0.52	0.11	0.51
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD11	1:354:A:ILE:HD13	4	0.52	0.11	0.51
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD12	1:354:A:ILE:HD11	4	0.52	0.11	0.51
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD12	1:354:A:ILE:HD12	4	0.52	0.11	0.51
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD12	1:354:A:ILE:HD13	4	0.52	0.11	0.51
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD13	1:354:A:ILE:HD11	4	0.52	0.11	0.51
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD13	1:354:A:ILE:HD12	4	0.52	0.11	0.51
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD13	1:354:A:ILE:HD13	4	0.52	0.11	0.51
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD21	1:354:A:ILE:HD11	4	0.52	0.11	0.51
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD21	1:354:A:ILE:HD12	4	0.52	0.11	0.51
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD21	1:354:A:ILE:HD13	4	0.52	0.11	0.51
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD22	1:354:A:ILE:HD11	4	0.52	0.11	0.51
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD22	1:354:A:ILE:HD12	4	0.52	0.11	0.51
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD22	1:354:A:ILE:HD13	4	0.52	0.11	0.51
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD23	1:354:A:ILE:HD11	4	0.52	0.11	0.51
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD23	1:354:A:ILE:HD12	4	0.52	0.11	0.51
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD23	1:354:A:ILE:HD13	4	0.52	0.11	0.51
(1,1434)	1:376:A:TRP:HZ2	1:380:A:LYS:HE2	4	0.5	0.22	0.56
(1,1434)	1:376:A:TRP:HZ2	1:380:A:LYS:HE3	4	0.5	0.22	0.56
(1,1145)	1:343:A:GLN:HA	1:343:A:GLN:HE22	4	0.5	0.2	0.48
(1,1)	1:373:A:ALA:HB1	1:385:A:MET:HE1	4	0.5	0.36	0.32
(1,1)	1:373:A:ALA:HB1	1:385:A:MET:HE2	4	0.5	0.36	0.32
(1,1)	1:373:A:ALA:HB1	1:385:A:MET:HE3	4	0.5	0.36	0.32
(1,1)	1:373:A:ALA:HB2	1:385:A:MET:HE1	4	0.5	0.36	0.32
(1,1)	1:373:A:ALA:HB2	1:385:A:MET:HE2	4	0.5	0.36	0.32
(1,1)	1:373:A:ALA:HB2	1:385:A:MET:HE3	4	0.5	0.36	0.32
(1,1)	1:373:A:ALA:HB3	1:385:A:MET:HE1	4	0.5	0.36	0.32
(1,1)	1:373:A:ALA:HB3	1:385:A:MET:HE2	4	0.5	0.36	0.32
(1,1)	1:373:A:ALA:HB3	1:385:A:MET:HE3	4	0.5	0.36	0.32
(1,973)	1:394:A:LEU:H	1:394:A:LEU:HG	4	0.43	0.06	0.45
(1,1290)	1:341:A:VAL:HG11	1:364:A:PHE:HE2	4	0.42	0.2	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,1290)	1:341:A:VAL:HG12	1:364:A:PHE:HE2	4	0.42	0.2	0.46
(1,1290)	1:341:A:VAL:HG13	1:364:A:PHE:HE2	4	0.42	0.2	0.46
(1,1290)	1:341:A:VAL:HG21	1:364:A:PHE:HE2	4	0.42	0.2	0.46
(1,1290)	1:341:A:VAL:HG22	1:364:A:PHE:HE2	4	0.42	0.2	0.46
(1,1290)	1:341:A:VAL:HG23	1:364:A:PHE:HE2	4	0.42	0.2	0.46
(1,37)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HE1	4	0.41	0.17	0.44
(1,37)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HE2	4	0.41	0.17	0.44
(1,37)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HE3	4	0.41	0.17	0.44
(1,1267)	1:337:A:LEU:HD11	1:393:A:ALA:H	4	0.39	0.22	0.39
(1,1267)	1:337:A:LEU:HD12	1:393:A:ALA:H	4	0.39	0.22	0.39
(1,1267)	1:337:A:LEU:HD13	1:393:A:ALA:H	4	0.39	0.22	0.39
(1,1267)	1:337:A:LEU:HD21	1:393:A:ALA:H	4	0.39	0.22	0.39
(1,1267)	1:337:A:LEU:HD22	1:393:A:ALA:H	4	0.39	0.22	0.39
(1,1267)	1:337:A:LEU:HD23	1:393:A:ALA:H	4	0.39	0.22	0.39
(1,197)	1:363:A:ILE:HD11	1:414:A:ARG:HA	4	0.35	0.09	0.38
(1,197)	1:363:A:ILE:HD12	1:414:A:ARG:HA	4	0.35	0.09	0.38
(1,197)	1:363:A:ILE:HD13	1:414:A:ARG:HA	4	0.35	0.09	0.38
(1,590)	1:369:A:PRO:HA	1:372:A:LEU:HB2	4	0.33	0.13	0.3
(1,517)	1:355:A:ARG:HG2	1:367:A:VAL:HG21	4	0.33	0.1	0.35
(1,517)	1:355:A:ARG:HG2	1:367:A:VAL:HG22	4	0.33	0.1	0.35
(1,517)	1:355:A:ARG:HG2	1:367:A:VAL:HG23	4	0.33	0.1	0.35
(1,517)	1:355:A:ARG:HG3	1:367:A:VAL:HG21	4	0.33	0.1	0.35
(1,517)	1:355:A:ARG:HG3	1:367:A:VAL:HG22	4	0.33	0.1	0.35
(1,517)	1:355:A:ARG:HG3	1:367:A:VAL:HG23	4	0.33	0.1	0.35
(1,764)	1:364:A:PHE:HE1	1:413:A:PHE:H	4	0.32	0.11	0.32
(1,316)	1:354:A:ILE:HD11	1:355:A:ARG:H	4	0.3	0.07	0.31
(1,316)	1:354:A:ILE:HD12	1:355:A:ARG:H	4	0.3	0.07	0.31
(1,316)	1:354:A:ILE:HD13	1:355:A:ARG:H	4	0.3	0.07	0.31
(1,376)	1:373:A:ALA:HB1	1:376:A:TRP:HB3	4	0.3	0.08	0.32
(1,376)	1:373:A:ALA:HB2	1:376:A:TRP:HB3	4	0.3	0.08	0.32
(1,376)	1:373:A:ALA:HB3	1:376:A:TRP:HB3	4	0.3	0.08	0.32
(1,802)	1:354:A:ILE:HD11	1:365:A:ARG:H	4	0.3	0.13	0.26
(1,802)	1:354:A:ILE:HD12	1:365:A:ARG:H	4	0.3	0.13	0.26
(1,802)	1:354:A:ILE:HD13	1:365:A:ARG:H	4	0.3	0.13	0.26
(1,1390)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD11	4	0.29	0.13	0.26
(1,1390)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD12	4	0.29	0.13	0.26
(1,1390)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD13	4	0.29	0.13	0.26
(1,1390)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD21	4	0.29	0.13	0.26
(1,1390)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD22	4	0.29	0.13	0.26
(1,1390)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD23	4	0.29	0.13	0.26
(1,1502)	1:406:A:GLU:HG2	1:414:A:ARG:H	4	0.29	0.1	0.26
(1,1502)	1:406:A:GLU:HG3	1:414:A:ARG:H	4	0.29	0.1	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,1321)	1:345:A:LEU:HD11	1:354:A:ILE:HA	4	0.28	0.12	0.24
(1,1321)	1:345:A:LEU:HD12	1:354:A:ILE:HA	4	0.28	0.12	0.24
(1,1321)	1:345:A:LEU:HD13	1:354:A:ILE:HA	4	0.28	0.12	0.24
(1,1321)	1:345:A:LEU:HD21	1:354:A:ILE:HA	4	0.28	0.12	0.24
(1,1321)	1:345:A:LEU:HD22	1:354:A:ILE:HA	4	0.28	0.12	0.24
(1,1321)	1:345:A:LEU:HD23	1:354:A:ILE:HA	4	0.28	0.12	0.24
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD11	1:390:A:MET:HE1	4	0.28	0.11	0.26
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD11	1:390:A:MET:HE2	4	0.28	0.11	0.26
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD11	1:390:A:MET:HE3	4	0.28	0.11	0.26
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD12	1:390:A:MET:HE1	4	0.28	0.11	0.26
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD12	1:390:A:MET:HE2	4	0.28	0.11	0.26
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD12	1:390:A:MET:HE3	4	0.28	0.11	0.26
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD13	1:390:A:MET:HE1	4	0.28	0.11	0.26
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD13	1:390:A:MET:HE2	4	0.28	0.11	0.26
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD13	1:390:A:MET:HE3	4	0.28	0.11	0.26
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD21	1:390:A:MET:HE1	4	0.28	0.11	0.26
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD21	1:390:A:MET:HE2	4	0.28	0.11	0.26
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD21	1:390:A:MET:HE3	4	0.28	0.11	0.26
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD22	1:390:A:MET:HE1	4	0.28	0.11	0.26
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD22	1:390:A:MET:HE2	4	0.28	0.11	0.26
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD22	1:390:A:MET:HE3	4	0.28	0.11	0.26
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD23	1:390:A:MET:HE1	4	0.28	0.11	0.26
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD23	1:390:A:MET:HE2	4	0.28	0.11	0.26
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD23	1:390:A:MET:HE3	4	0.28	0.11	0.26
(1,483)	1:363:A:ILE:HD11	1:414:A:ARG:HG2	4	0.26	0.09	0.28
(1,483)	1:363:A:ILE:HD11	1:414:A:ARG:HG3	4	0.26	0.09	0.28
(1,483)	1:363:A:ILE:HD12	1:414:A:ARG:HG2	4	0.26	0.09	0.28
(1,483)	1:363:A:ILE:HD12	1:414:A:ARG:HG3	4	0.26	0.09	0.28
(1,483)	1:363:A:ILE:HD13	1:414:A:ARG:HG2	4	0.26	0.09	0.28
(1,483)	1:363:A:ILE:HD13	1:414:A:ARG:HG3	4	0.26	0.09	0.28
(1,1009)	1:412:A:LEU:H	1:413:A:PHE:HZ	4	0.26	0.15	0.22
(1,384)	1:363:A:ILE:HG21	1:412:A:LEU:HA	4	0.25	0.13	0.22
(1,384)	1:363:A:ILE:HG22	1:412:A:LEU:HA	4	0.25	0.13	0.22
(1,384)	1:363:A:ILE:HG23	1:412:A:LEU:HA	4	0.25	0.13	0.22
(1,936)	1:358:A:ASP:H	1:364:A:PHE:HA	4	0.24	0.11	0.23
(1,923)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HB	4	0.22	0.07	0.19
(1,472)	1:354:A:ILE:HG12	1:367:A:VAL:H	4	0.22	0.06	0.2
(1,1107)	1:328:A:MET:H	1:329:A:GLY:HA2	4	0.21	0.04	0.21
(1,1107)	1:328:A:MET:H	1:329:A:GLY:HA3	4	0.21	0.04	0.21
(1,1235)	1:328:A:MET:H	1:328:A:MET:HG2	4	0.19	0.02	0.19
(1,1235)	1:328:A:MET:H	1:328:A:MET:HG3	4	0.19	0.02	0.19
(1,767)	1:412:A:LEU:HB3	1:413:A:PHE:H	4	0.18	0.01	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,1409)	1:372:A:LEU:HD11	1:374:A:ARG:H	4	0.14	0.05	0.12
(1,1409)	1:372:A:LEU:HD12	1:374:A:ARG:H	4	0.14	0.05	0.12
(1,1409)	1:372:A:LEU:HD13	1:374:A:ARG:H	4	0.14	0.05	0.12
(1,1409)	1:372:A:LEU:HD21	1:374:A:ARG:H	4	0.14	0.05	0.12
(1,1409)	1:372:A:LEU:HD22	1:374:A:ARG:H	4	0.14	0.05	0.12
(1,1409)	1:372:A:LEU:HD23	1:374:A:ARG:H	4	0.14	0.05	0.12
(1,655)	1:331:A:ILE:HB	1:332:A:ALA:H	4	0.13	0.01	0.12
(1,1433)	1:376:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HG2	3	0.92	0.19	0.84
(1,1433)	1:376:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HG3	3	0.92	0.19	0.84
(1,866)	1:352:A:ASN:H	1:352:A:ASN:HD21	3	0.9	0.42	1.04
(1,1469)	1:394:A:LEU:HD11	1:397:A:TYR:HD2	3	0.86	0.34	0.8
(1,1469)	1:394:A:LEU:HD12	1:397:A:TYR:HD2	3	0.86	0.34	0.8
(1,1469)	1:394:A:LEU:HD13	1:397:A:TYR:HD2	3	0.86	0.34	0.8
(1,1469)	1:394:A:LEU:HD21	1:397:A:TYR:HD2	3	0.86	0.34	0.8
(1,1469)	1:394:A:LEU:HD22	1:397:A:TYR:HD2	3	0.86	0.34	0.8
(1,1469)	1:394:A:LEU:HD23	1:397:A:TYR:HD2	3	0.86	0.34	0.8
(1,1468)	1:394:A:LEU:HD11	1:397:A:TYR:HE2	3	0.85	0.59	0.64
(1,1468)	1:394:A:LEU:HD12	1:397:A:TYR:HE2	3	0.85	0.59	0.64
(1,1468)	1:394:A:LEU:HD13	1:397:A:TYR:HE2	3	0.85	0.59	0.64
(1,1468)	1:394:A:LEU:HD21	1:397:A:TYR:HE2	3	0.85	0.59	0.64
(1,1468)	1:394:A:LEU:HD22	1:397:A:TYR:HE2	3	0.85	0.59	0.64
(1,1468)	1:394:A:LEU:HD23	1:397:A:TYR:HE2	3	0.85	0.59	0.64
(1,477)	1:425:A:GLY:H	1:426:A:ARG:HG2	3	0.83	0.32	0.99
(1,477)	1:425:A:GLY:H	1:426:A:ARG:HG3	3	0.83	0.32	0.99
(1,1058)	1:373:A:ALA:H	1:387:A:TYR:HB2	3	0.72	0.44	0.66
(1,539)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD21	3	0.64	0.64	0.21
(1,539)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD22	3	0.64	0.64	0.21
(1,539)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD23	3	0.64	0.64	0.21
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD2	1:411:A:LEU:HD11	3	0.63	0.29	0.71
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD2	1:411:A:LEU:HD12	3	0.63	0.29	0.71
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD2	1:411:A:LEU:HD13	3	0.63	0.29	0.71
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD2	1:411:A:LEU:HD21	3	0.63	0.29	0.71
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD2	1:411:A:LEU:HD22	3	0.63	0.29	0.71
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD2	1:411:A:LEU:HD23	3	0.63	0.29	0.71
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD3	1:411:A:LEU:HD11	3	0.63	0.29	0.71
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD3	1:411:A:LEU:HD12	3	0.63	0.29	0.71
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD3	1:411:A:LEU:HD13	3	0.63	0.29	0.71
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD3	1:411:A:LEU:HD21	3	0.63	0.29	0.71
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD3	1:411:A:LEU:HD22	3	0.63	0.29	0.71
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD3	1:411:A:LEU:HD23	3	0.63	0.29	0.71
(1,82)	1:352:A:ASN:HB2	1:367:A:VAL:HG11	3	0.56	0.37	0.4
(1,82)	1:352:A:ASN:HB2	1:367:A:VAL:HG12	3	0.56	0.37	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,82)	1:352:A:ASN:HB2	1:367:A:VAL:HG13	3	0.56	0.37	0.4
(1,1377)	1:361:A:SER:H	1:362:A:LYS:HG2	3	0.52	0.15	0.57
(1,1377)	1:361:A:SER:H	1:362:A:LYS:HG3	3	0.52	0.15	0.57
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG12	1:394:A:LEU:HD11	3	0.49	0.08	0.51
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG12	1:394:A:LEU:HD12	3	0.49	0.08	0.51
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG12	1:394:A:LEU:HD13	3	0.49	0.08	0.51
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG12	1:394:A:LEU:HD21	3	0.49	0.08	0.51
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG12	1:394:A:LEU:HD22	3	0.49	0.08	0.51
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG12	1:394:A:LEU:HD23	3	0.49	0.08	0.51
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG13	1:394:A:LEU:HD11	3	0.49	0.08	0.51
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG13	1:394:A:LEU:HD12	3	0.49	0.08	0.51
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG13	1:394:A:LEU:HD13	3	0.49	0.08	0.51
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG13	1:394:A:LEU:HD21	3	0.49	0.08	0.51
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG13	1:394:A:LEU:HD22	3	0.49	0.08	0.51
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG13	1:394:A:LEU:HD23	3	0.49	0.08	0.51
(1,813)	1:425:A:GLY:H	1:426:A:ARG:H	3	0.46	0.09	0.5
(1,1365)	1:353:A:PHE:HB3	1:372:A:LEU:HD11	3	0.43	0.23	0.35
(1,1365)	1:353:A:PHE:HB3	1:372:A:LEU:HD12	3	0.43	0.23	0.35
(1,1365)	1:353:A:PHE:HB3	1:372:A:LEU:HD13	3	0.43	0.23	0.35
(1,1365)	1:353:A:PHE:HB3	1:372:A:LEU:HD21	3	0.43	0.23	0.35
(1,1365)	1:353:A:PHE:HB3	1:372:A:LEU:HD22	3	0.43	0.23	0.35
(1,1365)	1:353:A:PHE:HB3	1:372:A:LEU:HD23	3	0.43	0.23	0.35
(1,1375)	1:357:A:GLU:HG2	1:412:A:LEU:HA	3	0.42	0.39	0.15
(1,1375)	1:357:A:GLU:HG3	1:412:A:LEU:HA	3	0.42	0.39	0.15
(1,1332)	1:345:A:LEU:HD11	1:356:A:TRP:HB2	3	0.42	0.16	0.37
(1,1332)	1:345:A:LEU:HD12	1:356:A:TRP:HB2	3	0.42	0.16	0.37
(1,1332)	1:345:A:LEU:HD13	1:356:A:TRP:HB2	3	0.42	0.16	0.37
(1,1332)	1:345:A:LEU:HD21	1:356:A:TRP:HB2	3	0.42	0.16	0.37
(1,1332)	1:345:A:LEU:HD22	1:356:A:TRP:HB2	3	0.42	0.16	0.37
(1,1332)	1:345:A:LEU:HD23	1:356:A:TRP:HB2	3	0.42	0.16	0.37
(1,921)	1:397:A:TYR:H	1:402:A:ILE:HD11	3	0.41	0.18	0.47
(1,921)	1:397:A:TYR:H	1:402:A:ILE:HD12	3	0.41	0.18	0.47
(1,921)	1:397:A:TYR:H	1:402:A:ILE:HD13	3	0.41	0.18	0.47
(1,950)	1:350:A:TYR:H	1:351:A:GLU:HG2	3	0.36	0.15	0.36
(1,950)	1:350:A:TYR:H	1:351:A:GLU:HG3	3	0.36	0.15	0.36
(1,149)	1:355:A:ARG:HD2	1:356:A:TRP:H	3	0.35	0.13	0.32
(1,149)	1:355:A:ARG:HD3	1:356:A:TRP:H	3	0.35	0.13	0.32
(1,192)	1:332:A:ALA:HA	1:333:A:ASP:HB2	3	0.34	0.16	0.39
(1,192)	1:332:A:ALA:HA	1:333:A:ASP:HB3	3	0.34	0.16	0.39
(1,534)	1:345:A:LEU:HD11	1:364:A:PHE:HD2	3	0.31	0.12	0.27
(1,534)	1:345:A:LEU:HD12	1:364:A:PHE:HD2	3	0.31	0.12	0.27
(1,534)	1:345:A:LEU:HD13	1:364:A:PHE:HD2	3	0.31	0.12	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG11	1:344:A:LEU:HD11	3	0.29	0.2	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG11	1:344:A:LEU:HD12	3	0.29	0.2	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG11	1:344:A:LEU:HD13	3	0.29	0.2	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG11	1:344:A:LEU:HD21	3	0.29	0.2	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG11	1:344:A:LEU:HD22	3	0.29	0.2	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG11	1:344:A:LEU:HD23	3	0.29	0.2	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG12	1:344:A:LEU:HD11	3	0.29	0.2	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG12	1:344:A:LEU:HD12	3	0.29	0.2	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG12	1:344:A:LEU:HD13	3	0.29	0.2	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG12	1:344:A:LEU:HD21	3	0.29	0.2	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG12	1:344:A:LEU:HD22	3	0.29	0.2	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG12	1:344:A:LEU:HD23	3	0.29	0.2	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG13	1:344:A:LEU:HD11	3	0.29	0.2	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG13	1:344:A:LEU:HD12	3	0.29	0.2	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG13	1:344:A:LEU:HD13	3	0.29	0.2	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG13	1:344:A:LEU:HD21	3	0.29	0.2	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG13	1:344:A:LEU:HD22	3	0.29	0.2	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG13	1:344:A:LEU:HD23	3	0.29	0.2	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG21	1:344:A:LEU:HD11	3	0.29	0.2	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG21	1:344:A:LEU:HD12	3	0.29	0.2	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG21	1:344:A:LEU:HD13	3	0.29	0.2	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG21	1:344:A:LEU:HD21	3	0.29	0.2	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG21	1:344:A:LEU:HD22	3	0.29	0.2	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG21	1:344:A:LEU:HD23	3	0.29	0.2	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG22	1:344:A:LEU:HD11	3	0.29	0.2	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG22	1:344:A:LEU:HD12	3	0.29	0.2	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG22	1:344:A:LEU:HD13	3	0.29	0.2	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG22	1:344:A:LEU:HD21	3	0.29	0.2	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG22	1:344:A:LEU:HD22	3	0.29	0.2	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG22	1:344:A:LEU:HD23	3	0.29	0.2	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG23	1:344:A:LEU:HD11	3	0.29	0.2	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG23	1:344:A:LEU:HD12	3	0.29	0.2	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG23	1:344:A:LEU:HD13	3	0.29	0.2	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG23	1:344:A:LEU:HD21	3	0.29	0.2	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG23	1:344:A:LEU:HD22	3	0.29	0.2	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG23	1:344:A:LEU:HD23	3	0.29	0.2	0.17
(1,315)	1:345:A:LEU:HA	1:354:A:ILE:HD11	3	0.29	0.08	0.35
(1,315)	1:345:A:LEU:HA	1:354:A:ILE:HD12	3	0.29	0.08	0.35
(1,315)	1:345:A:LEU:HA	1:354:A:ILE:HD13	3	0.29	0.08	0.35
(1,1106)	1:352:A:ASN:HA	1:354:A:ILE:H	3	0.29	0.16	0.19
(1,760)	1:345:A:LEU:HB3	1:356:A:TRP:H	3	0.28	0.17	0.18
(1,94)	1:366:A:ILE:HB	1:413:A:PHE:HZ	3	0.27	0.14	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,220)	1:356:A:TRP:HB2	1:359:A:LYS:HD2	3	0.27	0.13	0.28
(1,220)	1:356:A:TRP:HB2	1:359:A:LYS:HD3	3	0.27	0.13	0.28
(1,8)	1:377:A:GLY:H	1:385:A:MET:HE1	3	0.27	0.1	0.2
(1,8)	1:377:A:GLY:H	1:385:A:MET:HE2	3	0.27	0.1	0.2
(1,8)	1:377:A:GLY:H	1:385:A:MET:HE3	3	0.27	0.1	0.2
(1,929)	1:358:A:ASP:H	1:364:A:PHE:H	3	0.26	0.1	0.2
(1,1234)	1:327:A:HIS:HB2	1:328:A:MET:H	3	0.26	0.02	0.27
(1,1234)	1:327:A:HIS:HB3	1:328:A:MET:H	3	0.26	0.02	0.27
(1,300)	1:383:A:THR:HA	1:385:A:MET:H	3	0.25	0.04	0.24
(1,721)	1:347:A:ASP:HB3	1:349:A:ARG:H	3	0.24	0.12	0.2
(1,628)	1:353:A:PHE:HA	1:367:A:VAL:H	3	0.23	0.1	0.21
(1,1176)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HB	3	0.23	0.06	0.2
(1,398)	1:354:A:ILE:HA	1:366:A:ILE:HG21	3	0.22	0.09	0.22
(1,398)	1:354:A:ILE:HA	1:366:A:ILE:HG22	3	0.22	0.09	0.22
(1,398)	1:354:A:ILE:HA	1:366:A:ILE:HG23	3	0.22	0.09	0.22
(1,528)	1:362:A:LYS:H	1:362:A:LYS:HG3	3	0.22	0.06	0.18
(1,895)	1:353:A:PHE:H	1:354:A:ILE:HG21	3	0.2	0.06	0.16
(1,895)	1:353:A:PHE:H	1:354:A:ILE:HG22	3	0.2	0.06	0.16
(1,895)	1:353:A:PHE:H	1:354:A:ILE:HG23	3	0.2	0.06	0.16
(1,357)	1:332:A:ALA:HB1	1:333:A:ASP:HB2	3	0.19	0.04	0.19
(1,357)	1:332:A:ALA:HB1	1:333:A:ASP:HB3	3	0.19	0.04	0.19
(1,357)	1:332:A:ALA:HB2	1:333:A:ASP:HB2	3	0.19	0.04	0.19
(1,357)	1:332:A:ALA:HB2	1:333:A:ASP:HB3	3	0.19	0.04	0.19
(1,357)	1:332:A:ALA:HB3	1:333:A:ASP:HB2	3	0.19	0.04	0.19
(1,357)	1:332:A:ALA:HB3	1:333:A:ASP:HB3	3	0.19	0.04	0.19
(1,1400)	1:370:A:ASN:HB2	1:373:A:ALA:HB1	3	0.16	0.03	0.15
(1,1400)	1:370:A:ASN:HB2	1:373:A:ALA:HB2	3	0.16	0.03	0.15
(1,1400)	1:370:A:ASN:HB2	1:373:A:ALA:HB3	3	0.16	0.03	0.15
(1,1400)	1:370:A:ASN:HB3	1:373:A:ALA:HB1	3	0.16	0.03	0.15
(1,1400)	1:370:A:ASN:HB3	1:373:A:ALA:HB2	3	0.16	0.03	0.15
(1,1400)	1:370:A:ASN:HB3	1:373:A:ALA:HB3	3	0.16	0.03	0.15
(1,466)	1:392:A:ARG:H	1:392:A:ARG:HG2	3	0.15	0.02	0.15
(1,675)	1:365:A:ARG:HB2	1:366:A:ILE:H	3	0.13	0.01	0.13
(1,675)	1:365:A:ARG:HB3	1:366:A:ILE:H	3	0.13	0.01	0.13
(1,891)	1:369:A:PRO:HG2	1:370:A:ASN:H	3	0.1	0.0	0.1
(1,891)	1:369:A:PRO:HG3	1:370:A:ASN:H	3	0.1	0.0	0.1
(1,1200)	1:393:A:ALA:HB1	1:397:A:TYR:HE2	2	2.42	0.17	2.42
(1,1200)	1:393:A:ALA:HB2	1:397:A:TYR:HE2	2	2.42	0.17	2.42
(1,1200)	1:393:A:ALA:HB3	1:397:A:TYR:HE2	2	2.42	0.17	2.42
(1,1177)	1:397:A:TYR:HD1	1:402:A:ILE:HD11	2	1.98	0.23	1.98
(1,1177)	1:397:A:TYR:HD1	1:402:A:ILE:HD12	2	1.98	0.23	1.98
(1,1177)	1:397:A:TYR:HD1	1:402:A:ILE:HD13	2	1.98	0.23	1.98

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,1173)	1:394:A:LEU:HA	1:397:A:TYR:HD2	2	1.77	0.08	1.77
(1,1203)	1:394:A:LEU:HA	1:397:A:TYR:HE2	2	1.66	0.29	1.66
(1,406)	1:397:A:TYR:HD1	1:402:A:ILE:HG21	2	1.57	0.25	1.57
(1,406)	1:397:A:TYR:HD1	1:402:A:ILE:HG22	2	1.57	0.25	1.57
(1,406)	1:397:A:TYR:HD1	1:402:A:ILE:HG23	2	1.57	0.25	1.57
(1,1081)	1:372:A:LEU:HG	1:376:A:TRP:H	2	1.21	0.24	1.21
(1,167)	1:425:A:GLY:HA2	1:426:A:ARG:HG2	2	1.14	0.03	1.14
(1,167)	1:425:A:GLY:HA2	1:426:A:ARG:HG3	2	1.14	0.03	1.14
(1,167)	1:425:A:GLY:HA3	1:426:A:ARG:HG2	2	1.14	0.03	1.14
(1,167)	1:425:A:GLY:HA3	1:426:A:ARG:HG3	2	1.14	0.03	1.14
(1,1141)	1:352:A:ASN:H	1:352:A:ASN:HD22	2	0.7	0.48	0.7
(1,1175)	1:397:A:TYR:HD1	1:402:A:ILE:HB	2	0.68	0.25	0.68
(1,187)	1:365:A:ARG:HA	1:412:A:LEU:HD21	2	0.68	0.5	0.68
(1,187)	1:365:A:ARG:HA	1:412:A:LEU:HD22	2	0.68	0.5	0.68
(1,187)	1:365:A:ARG:HA	1:412:A:LEU:HD23	2	0.68	0.5	0.68
(1,26)	1:387:A:TYR:HA	1:390:A:MET:HE1	2	0.64	0.52	0.64
(1,26)	1:387:A:TYR:HA	1:390:A:MET:HE2	2	0.64	0.52	0.64
(1,26)	1:387:A:TYR:HA	1:390:A:MET:HE3	2	0.64	0.52	0.64
(1,265)	1:391:A:SER:HA	1:394:A:LEU:HG	2	0.6	0.43	0.6
(1,462)	1:417:A:LYS:HD2	1:418:A:THR:H	2	0.56	0.43	0.56
(1,462)	1:417:A:LYS:HD3	1:418:A:THR:H	2	0.56	0.43	0.56
(1,1147)	1:352:A:ASN:HD21	1:367:A:VAL:HG21	2	0.56	0.01	0.56
(1,1147)	1:352:A:ASN:HD21	1:367:A:VAL:HG22	2	0.56	0.01	0.56
(1,1147)	1:352:A:ASN:HD21	1:367:A:VAL:HG23	2	0.56	0.01	0.56
(1,1362)	1:353:A:PHE:H	1:372:A:LEU:HD11	2	0.55	0.39	0.55
(1,1362)	1:353:A:PHE:H	1:372:A:LEU:HD12	2	0.55	0.39	0.55
(1,1362)	1:353:A:PHE:H	1:372:A:LEU:HD13	2	0.55	0.39	0.55
(1,1362)	1:353:A:PHE:H	1:372:A:LEU:HD21	2	0.55	0.39	0.55
(1,1362)	1:353:A:PHE:H	1:372:A:LEU:HD22	2	0.55	0.39	0.55
(1,1362)	1:353:A:PHE:H	1:372:A:LEU:HD23	2	0.55	0.39	0.55
(1,689)	1:426:A:ARG:H	1:426:A:ARG:HD2	2	0.53	0.06	0.53
(1,689)	1:426:A:ARG:H	1:426:A:ARG:HD3	2	0.53	0.06	0.53
(1,375)	1:373:A:ALA:HB1	1:374:A:ARG:HD2	2	0.49	0.25	0.49
(1,375)	1:373:A:ALA:HB1	1:374:A:ARG:HD3	2	0.49	0.25	0.49
(1,375)	1:373:A:ALA:HB2	1:374:A:ARG:HD2	2	0.49	0.25	0.49
(1,375)	1:373:A:ALA:HB2	1:374:A:ARG:HD3	2	0.49	0.25	0.49
(1,375)	1:373:A:ALA:HB3	1:374:A:ARG:HD2	2	0.49	0.25	0.49
(1,375)	1:373:A:ALA:HB3	1:374:A:ARG:HD3	2	0.49	0.25	0.49
(1,233)	1:397:A:TYR:HA	1:397:A:TYR:HD1	2	0.48	0.18	0.48
(1,1361)	1:352:A:ASN:HB2	1:367:A:VAL:HG11	2	0.47	0.24	0.47
(1,1361)	1:352:A:ASN:HB2	1:367:A:VAL:HG12	2	0.47	0.24	0.47
(1,1361)	1:352:A:ASN:HB2	1:367:A:VAL:HG13	2	0.47	0.24	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,1361)	1:352:A:ASN:HB3	1:367:A:VAL:HG11	2	0.47	0.24	0.47
(1,1361)	1:352:A:ASN:HB3	1:367:A:VAL:HG12	2	0.47	0.24	0.47
(1,1361)	1:352:A:ASN:HB3	1:367:A:VAL:HG13	2	0.47	0.24	0.47
(1,1394)	1:368:A:ASP:HA	1:411:A:LEU:HD11	2	0.46	0.12	0.46
(1,1394)	1:368:A:ASP:HA	1:411:A:LEU:HD12	2	0.46	0.12	0.46
(1,1394)	1:368:A:ASP:HA	1:411:A:LEU:HD13	2	0.46	0.12	0.46
(1,1394)	1:368:A:ASP:HA	1:411:A:LEU:HD21	2	0.46	0.12	0.46
(1,1394)	1:368:A:ASP:HA	1:411:A:LEU:HD22	2	0.46	0.12	0.46
(1,1394)	1:368:A:ASP:HA	1:411:A:LEU:HD23	2	0.46	0.12	0.46
(1,520)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD11	2	0.39	0.25	0.39
(1,520)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD12	2	0.39	0.25	0.39
(1,520)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD13	2	0.39	0.25	0.39
(1,1268)	1:337:A:LEU:HD11	1:393:A:ALA:HA	2	0.38	0.04	0.38
(1,1268)	1:337:A:LEU:HD12	1:393:A:ALA:HA	2	0.38	0.04	0.38
(1,1268)	1:337:A:LEU:HD13	1:393:A:ALA:HA	2	0.38	0.04	0.38
(1,1268)	1:337:A:LEU:HD21	1:393:A:ALA:HA	2	0.38	0.04	0.38
(1,1268)	1:337:A:LEU:HD22	1:393:A:ALA:HA	2	0.38	0.04	0.38
(1,1268)	1:337:A:LEU:HD23	1:393:A:ALA:HA	2	0.38	0.04	0.38
(1,1513)	1:410:A:ARG:HB2	1:411:A:LEU:HD11	2	0.38	0.01	0.38
(1,1513)	1:410:A:ARG:HB2	1:411:A:LEU:HD12	2	0.38	0.01	0.38
(1,1513)	1:410:A:ARG:HB2	1:411:A:LEU:HD13	2	0.38	0.01	0.38
(1,1513)	1:410:A:ARG:HB2	1:411:A:LEU:HD21	2	0.38	0.01	0.38
(1,1513)	1:410:A:ARG:HB2	1:411:A:LEU:HD22	2	0.38	0.01	0.38
(1,1513)	1:410:A:ARG:HB2	1:411:A:LEU:HD23	2	0.38	0.01	0.38
(1,1513)	1:410:A:ARG:HB3	1:411:A:LEU:HD11	2	0.38	0.01	0.38
(1,1513)	1:410:A:ARG:HB3	1:411:A:LEU:HD12	2	0.38	0.01	0.38
(1,1513)	1:410:A:ARG:HB3	1:411:A:LEU:HD13	2	0.38	0.01	0.38
(1,1513)	1:410:A:ARG:HB3	1:411:A:LEU:HD21	2	0.38	0.01	0.38
(1,1513)	1:410:A:ARG:HB3	1:411:A:LEU:HD22	2	0.38	0.01	0.38
(1,1513)	1:410:A:ARG:HB3	1:411:A:LEU:HD23	2	0.38	0.01	0.38
(1,34)	1:372:A:LEU:H	1:390:A:MET:HE1	2	0.36	0.12	0.36
(1,34)	1:372:A:LEU:H	1:390:A:MET:HE2	2	0.36	0.12	0.36
(1,34)	1:372:A:LEU:H	1:390:A:MET:HE3	2	0.36	0.12	0.36
(1,763)	1:364:A:PHE:HD1	1:413:A:PHE:H	2	0.36	0.04	0.36
(1,73)	1:388:A:GLU:HA	1:388:A:GLU:HG2	2	0.35	0.03	0.35
(1,73)	1:388:A:GLU:HA	1:388:A:GLU:HG3	2	0.35	0.03	0.35
(1,182)	1:383:A:THR:HB	1:384:A:ASN:HA	2	0.35	0.07	0.35
(1,378)	1:337:A:LEU:HG	1:393:A:ALA:HB1	2	0.35	0.07	0.35
(1,378)	1:337:A:LEU:HG	1:393:A:ALA:HB2	2	0.35	0.07	0.35
(1,378)	1:337:A:LEU:HG	1:393:A:ALA:HB3	2	0.35	0.07	0.35
(1,1343)	1:348:A:SER:HA	1:351:A:GLU:HB2	2	0.34	0.18	0.34
(1,1343)	1:348:A:SER:HA	1:351:A:GLU:HB3	2	0.34	0.18	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,715)	1:349:A:ARG:H	1:351:A:GLU:H	2	0.34	0.07	0.34
(1,11)	1:376:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HE1	2	0.32	0.03	0.32
(1,11)	1:376:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HE2	2	0.32	0.03	0.32
(1,11)	1:376:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HE3	2	0.32	0.03	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD11	1:375:A:LEU:HD11	2	0.32	0.01	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD11	1:375:A:LEU:HD12	2	0.32	0.01	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD11	1:375:A:LEU:HD13	2	0.32	0.01	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD11	1:375:A:LEU:HD21	2	0.32	0.01	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD11	1:375:A:LEU:HD22	2	0.32	0.01	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD11	1:375:A:LEU:HD23	2	0.32	0.01	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD12	1:375:A:LEU:HD11	2	0.32	0.01	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD12	1:375:A:LEU:HD12	2	0.32	0.01	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD12	1:375:A:LEU:HD13	2	0.32	0.01	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD12	1:375:A:LEU:HD21	2	0.32	0.01	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD12	1:375:A:LEU:HD22	2	0.32	0.01	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD12	1:375:A:LEU:HD23	2	0.32	0.01	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD13	1:375:A:LEU:HD11	2	0.32	0.01	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD13	1:375:A:LEU:HD12	2	0.32	0.01	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD13	1:375:A:LEU:HD13	2	0.32	0.01	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD13	1:375:A:LEU:HD21	2	0.32	0.01	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD13	1:375:A:LEU:HD22	2	0.32	0.01	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD13	1:375:A:LEU:HD23	2	0.32	0.01	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD21	1:375:A:LEU:HD11	2	0.32	0.01	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD21	1:375:A:LEU:HD12	2	0.32	0.01	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD21	1:375:A:LEU:HD13	2	0.32	0.01	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD21	1:375:A:LEU:HD21	2	0.32	0.01	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD21	1:375:A:LEU:HD22	2	0.32	0.01	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD21	1:375:A:LEU:HD23	2	0.32	0.01	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD22	1:375:A:LEU:HD11	2	0.32	0.01	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD22	1:375:A:LEU:HD12	2	0.32	0.01	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD22	1:375:A:LEU:HD13	2	0.32	0.01	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD22	1:375:A:LEU:HD21	2	0.32	0.01	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD22	1:375:A:LEU:HD22	2	0.32	0.01	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD22	1:375:A:LEU:HD23	2	0.32	0.01	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD23	1:375:A:LEU:HD11	2	0.32	0.01	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD23	1:375:A:LEU:HD12	2	0.32	0.01	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD23	1:375:A:LEU:HD13	2	0.32	0.01	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD23	1:375:A:LEU:HD21	2	0.32	0.01	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD23	1:375:A:LEU:HD22	2	0.32	0.01	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD23	1:375:A:LEU:HD23	2	0.32	0.01	0.32
(1,1265)	1:337:A:LEU:HD11	1:390:A:MET:HA	2	0.31	0.18	0.31
(1,1265)	1:337:A:LEU:HD12	1:390:A:MET:HA	2	0.31	0.18	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,1265)	1:337:A:LEU:HD13	1:390:A:MET:HA	2	0.31	0.18	0.31
(1,1265)	1:337:A:LEU:HD21	1:390:A:MET:HA	2	0.31	0.18	0.31
(1,1265)	1:337:A:LEU:HD22	1:390:A:MET:HA	2	0.31	0.18	0.31
(1,1265)	1:337:A:LEU:HD23	1:390:A:MET:HA	2	0.31	0.18	0.31
(1,1379)	1:362:A:LYS:H	1:362:A:LYS:HE2	2	0.3	0.12	0.3
(1,1379)	1:362:A:LYS:H	1:362:A:LYS:HE3	2	0.3	0.12	0.3
(1,1512)	1:410:A:ARG:HA	1:411:A:LEU:HD11	2	0.3	0.01	0.3
(1,1512)	1:410:A:ARG:HA	1:411:A:LEU:HD12	2	0.3	0.01	0.3
(1,1512)	1:410:A:ARG:HA	1:411:A:LEU:HD13	2	0.3	0.01	0.3
(1,1512)	1:410:A:ARG:HA	1:411:A:LEU:HD21	2	0.3	0.01	0.3
(1,1512)	1:410:A:ARG:HA	1:411:A:LEU:HD22	2	0.3	0.01	0.3
(1,1512)	1:410:A:ARG:HA	1:411:A:LEU:HD23	2	0.3	0.01	0.3
(1,1366)	1:353:A:PHE:HB3	1:375:A:LEU:HD11	2	0.3	0.16	0.3
(1,1366)	1:353:A:PHE:HB3	1:375:A:LEU:HD12	2	0.3	0.16	0.3
(1,1366)	1:353:A:PHE:HB3	1:375:A:LEU:HD13	2	0.3	0.16	0.3
(1,1366)	1:353:A:PHE:HB3	1:375:A:LEU:HD21	2	0.3	0.16	0.3
(1,1366)	1:353:A:PHE:HB3	1:375:A:LEU:HD22	2	0.3	0.16	0.3
(1,1366)	1:353:A:PHE:HB3	1:375:A:LEU:HD23	2	0.3	0.16	0.3
(1,161)	1:409:A:GLN:HG2	1:412:A:LEU:HB3	2	0.3	0.12	0.3
(1,161)	1:409:A:GLN:HG3	1:412:A:LEU:HB3	2	0.3	0.12	0.3
(1,1395)	1:369:A:PRO:HB3	1:411:A:LEU:HD11	2	0.3	0.12	0.3
(1,1395)	1:369:A:PRO:HB3	1:411:A:LEU:HD12	2	0.3	0.12	0.3
(1,1395)	1:369:A:PRO:HB3	1:411:A:LEU:HD13	2	0.3	0.12	0.3
(1,1395)	1:369:A:PRO:HB3	1:411:A:LEU:HD21	2	0.3	0.12	0.3
(1,1395)	1:369:A:PRO:HB3	1:411:A:LEU:HD22	2	0.3	0.12	0.3
(1,1395)	1:369:A:PRO:HB3	1:411:A:LEU:HD23	2	0.3	0.12	0.3
(1,1226)	1:376:A:TRP:HZ2	1:380:A:LYS:HD2	2	0.29	0.08	0.29
(1,1226)	1:376:A:TRP:HZ2	1:380:A:LYS:HD3	2	0.29	0.08	0.29
(1,1537)	1:426:A:ARG:H	1:426:A:ARG:HB2	2	0.29	0.08	0.29
(1,1537)	1:426:A:ARG:H	1:426:A:ARG:HB3	2	0.29	0.08	0.29
(1,920)	1:362:A:LYS:H	1:362:A:LYS:HG2	2	0.26	0.02	0.26
(1,1388)	1:365:A:ARG:HA	1:411:A:LEU:HD11	2	0.26	0.14	0.26
(1,1388)	1:365:A:ARG:HA	1:411:A:LEU:HD12	2	0.26	0.14	0.26
(1,1388)	1:365:A:ARG:HA	1:411:A:LEU:HD13	2	0.26	0.14	0.26
(1,1388)	1:365:A:ARG:HA	1:411:A:LEU:HD21	2	0.26	0.14	0.26
(1,1388)	1:365:A:ARG:HA	1:411:A:LEU:HD22	2	0.26	0.14	0.26
(1,1388)	1:365:A:ARG:HA	1:411:A:LEU:HD23	2	0.26	0.14	0.26
(1,977)	1:402:A:ILE:HG21	1:417:A:LYS:H	2	0.24	0.02	0.24
(1,977)	1:402:A:ILE:HG22	1:417:A:LYS:H	2	0.24	0.02	0.24
(1,977)	1:402:A:ILE:HG23	1:417:A:LYS:H	2	0.24	0.02	0.24
(1,1350)	1:349:A:ARG:HD2	1:350:A:TYR:H	2	0.24	0.14	0.24
(1,1350)	1:349:A:ARG:HD3	1:350:A:TYR:H	2	0.24	0.14	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,1295)	1:343:A:GLN:HA	1:343:A:GLN:HE21	2	0.24	0.14	0.24
(1,1295)	1:343:A:GLN:HA	1:343:A:GLN:HE22	2	0.24	0.14	0.24
(1,1396)	1:369:A:PRO:HG2	1:411:A:LEU:HD11	2	0.24	0.1	0.24
(1,1396)	1:369:A:PRO:HG2	1:411:A:LEU:HD12	2	0.24	0.1	0.24
(1,1396)	1:369:A:PRO:HG2	1:411:A:LEU:HD13	2	0.24	0.1	0.24
(1,1396)	1:369:A:PRO:HG2	1:411:A:LEU:HD21	2	0.24	0.1	0.24
(1,1396)	1:369:A:PRO:HG2	1:411:A:LEU:HD22	2	0.24	0.1	0.24
(1,1396)	1:369:A:PRO:HG2	1:411:A:LEU:HD23	2	0.24	0.1	0.24
(1,1396)	1:369:A:PRO:HG3	1:411:A:LEU:HD11	2	0.24	0.1	0.24
(1,1396)	1:369:A:PRO:HG3	1:411:A:LEU:HD12	2	0.24	0.1	0.24
(1,1396)	1:369:A:PRO:HG3	1:411:A:LEU:HD13	2	0.24	0.1	0.24
(1,1396)	1:369:A:PRO:HG3	1:411:A:LEU:HD21	2	0.24	0.1	0.24
(1,1396)	1:369:A:PRO:HG3	1:411:A:LEU:HD22	2	0.24	0.1	0.24
(1,1396)	1:369:A:PRO:HG3	1:411:A:LEU:HD23	2	0.24	0.1	0.24
(1,291)	1:397:A:TYR:HB2	1:403:A:ILE:HD11	2	0.24	0.0	0.24
(1,291)	1:397:A:TYR:HB2	1:403:A:ILE:HD12	2	0.24	0.0	0.24
(1,291)	1:397:A:TYR:HB2	1:403:A:ILE:HD13	2	0.24	0.0	0.24
(1,291)	1:397:A:TYR:HB3	1:403:A:ILE:HD11	2	0.24	0.0	0.24
(1,291)	1:397:A:TYR:HB3	1:403:A:ILE:HD12	2	0.24	0.0	0.24
(1,291)	1:397:A:TYR:HB3	1:403:A:ILE:HD13	2	0.24	0.0	0.24
(1,604)	1:376:A:TRP:HE1	1:393:A:ALA:HB1	2	0.24	0.08	0.24
(1,604)	1:376:A:TRP:HE1	1:393:A:ALA:HB2	2	0.24	0.08	0.24
(1,604)	1:376:A:TRP:HE1	1:393:A:ALA:HB3	2	0.24	0.08	0.24
(1,200)	1:355:A:ARG:HA	1:355:A:ARG:HD2	2	0.22	0.04	0.22
(1,200)	1:355:A:ARG:HA	1:355:A:ARG:HD3	2	0.22	0.04	0.22
(1,686)	1:424:A:SER:HA	1:426:A:ARG:H	2	0.22	0.02	0.22
(1,1460)	1:392:A:ARG:H	1:392:A:ARG:HG2	2	0.21	0.02	0.21
(1,1460)	1:392:A:ARG:H	1:392:A:ARG:HG3	2	0.21	0.02	0.21
(1,1036)	1:403:A:ILE:HA	1:414:A:ARG:H	2	0.2	0.09	0.2
(1,893)	1:369:A:PRO:HB2	1:370:A:ASN:H	2	0.2	0.06	0.2
(1,594)	1:346:A:SER:HB2	1:356:A:TRP:HE1	2	0.2	0.05	0.2
(1,594)	1:346:A:SER:HB3	1:356:A:TRP:HE1	2	0.2	0.05	0.2
(1,719)	1:349:A:ARG:H	1:350:A:TYR:HB3	2	0.2	0.01	0.2
(1,495)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD11	2	0.19	0.09	0.19
(1,495)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD12	2	0.19	0.09	0.19
(1,495)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD13	2	0.19	0.09	0.19
(1,250)	1:358:A:ASP:H	1:359:A:LYS:HA	2	0.18	0.06	0.18
(1,74)	1:360:A:GLU:HG2	1:361:A:SER:H	2	0.16	0.01	0.16
(1,74)	1:360:A:GLU:HG3	1:361:A:SER:H	2	0.16	0.01	0.16
(1,443)	1:332:A:ALA:HB1	1:333:A:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(1,443)	1:332:A:ALA:HB2	1:333:A:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(1,443)	1:332:A:ALA:HB3	1:333:A:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

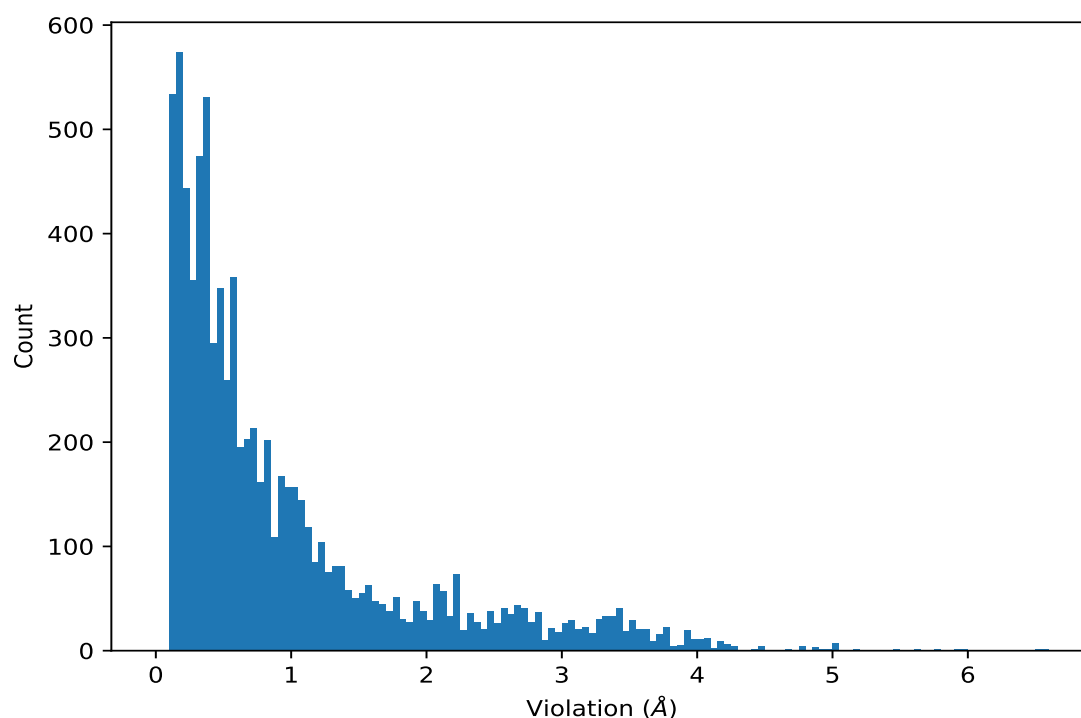
Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,826)	1:378:A:ASN:HB3	1:378:A:ASN:HD22	2	0.16	0.0	0.16
(1,688)	1:425:A:GLY:HA2	1:426:A:ARG:H	2	0.16	0.02	0.16
(1,688)	1:425:A:GLY:HA3	1:426:A:ARG:H	2	0.16	0.02	0.16
(1,473)	1:426:A:ARG:H	1:426:A:ARG:HG2	2	0.16	0.02	0.16
(1,473)	1:426:A:ARG:H	1:426:A:ARG:HG3	2	0.16	0.02	0.16
(1,670)	1:354:A:ILE:HA	1:366:A:ILE:H	2	0.16	0.05	0.16
(1,741)	1:347:A:ASP:H	1:347:A:ASP:HB2	2	0.16	0.05	0.16
(1,303)	1:382:A:ARG:HG2	1:383:A:THR:HA	2	0.15	0.05	0.15
(1,303)	1:382:A:ARG:HG3	1:383:A:THR:HA	2	0.15	0.05	0.15
(1,913)	1:362:A:LYS:H	1:363:A:ILE:HD11	2	0.15	0.05	0.15
(1,913)	1:362:A:LYS:H	1:363:A:ILE:HD12	2	0.15	0.05	0.15
(1,913)	1:362:A:LYS:H	1:363:A:ILE:HD13	2	0.15	0.05	0.15
(1,1072)	1:421:A:GLU:H	1:422:A:ILE:HB	2	0.15	0.02	0.15
(1,621)	1:357:A:GLU:HB2	1:364:A:PHE:H	2	0.12	0.01	0.12
(1,621)	1:357:A:GLU:HB3	1:364:A:PHE:H	2	0.12	0.01	0.12
(1,1033)	1:360:A:GLU:H	1:361:A:SER:HB2	2	0.12	0.02	0.12
(1,5)	1:376:A:TRP:HB3	1:385:A:MET:HE1	2	0.12	0.01	0.12
(1,5)	1:376:A:TRP:HB3	1:385:A:MET:HE2	2	0.12	0.01	0.12
(1,5)	1:376:A:TRP:HB3	1:385:A:MET:HE3	2	0.12	0.01	0.12
(1,592)	1:356:A:TRP:HA	1:356:A:TRP:HE1	2	0.12	0.01	0.12
(1,7)	1:385:A:MET:HA	1:385:A:MET:HE1	2	0.12	0.02	0.12
(1,7)	1:385:A:MET:HA	1:385:A:MET:HE2	2	0.12	0.02	0.12
(1,7)	1:385:A:MET:HA	1:385:A:MET:HE3	2	0.12	0.02	0.12
(1,439)	1:378:A:ASN:HA	1:378:A:ASN:HD21	2	0.12	0.0	0.12
(1,501)	1:336:A:LEU:HA	1:336:A:LEU:HD21	2	0.11	0.01	0.11
(1,501)	1:336:A:LEU:HA	1:336:A:LEU:HD22	2	0.11	0.01	0.11
(1,501)	1:336:A:LEU:HA	1:336:A:LEU:HD23	2	0.11	0.01	0.11

¹Number of violated models, ²Standard deviation

9.5 All violated distance restraints [i](#)

9.5.1 Histogram : Distribution of distance violations [i](#)

The following histogram shows the distribution of the absolute value of the violation for all violated restraints in the ensemble.



9.5.2 Table : All distance violations [i](#)

The following table lists the absolute value of the violation for each restraint in the ensemble sorted by its value. The Key (restraint list ID, restraint ID) is the unique identifier for a given restraint. Rows with same key represent combinatorial or ambiguous restraints and are counted as a single restraint.

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1155)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HG	3	6.56
(1,1155)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HG	7	6.5
(1,1155)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HG	4	5.95
(1,1155)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HG	9	5.92
(1,1155)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HG	6	5.78
(1,1155)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HG	2	5.6
(1,1155)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HG	10	5.48
(1,1155)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HG	1	5.17
(1,1223)	1:372:A:LEU:HB3	1:387:A:TYR:HE2	6	5.04
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD11	1:387:A:TYR:HE2	6	5.01
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD12	1:387:A:TYR:HE2	6	5.01
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD13	1:387:A:TYR:HE2	6	5.01
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD21	1:387:A:TYR:HE2	6	5.01
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD22	1:387:A:TYR:HE2	6	5.01
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD23	1:387:A:TYR:HE2	6	5.01
(1,1055)	1:373:A:ALA:H	1:387:A:TYR:HD2	6	4.99

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1193)	1:342:A:TYR:HE2	1:356:A:TRP:HH2	3	4.91
(1,549)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD21	3	4.88
(1,549)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD22	3	4.88
(1,549)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD23	3	4.88
(1,1155)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HG	8	4.76
(1,549)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD21	7	4.76
(1,549)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD22	7	4.76
(1,549)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD23	7	4.76
(1,1193)	1:342:A:TYR:HE2	1:356:A:TRP:HH2	9	4.66
(1,1151)	1:340:A:TYR:HD2	1:379:A:HIS:HE1	5	4.46
(1,549)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD21	4	4.45
(1,549)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD22	4	4.45
(1,549)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD23	4	4.45
(1,1152)	1:340:A:TYR:HE2	1:379:A:HIS:HE1	2	4.41
(1,1220)	1:369:A:PRO:HA	1:387:A:TYR:HE2	6	4.29
(1,549)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD21	9	4.25
(1,549)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD22	9	4.25
(1,549)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD23	9	4.25
(1,184)	1:365:A:ARG:HA	1:413:A:PHE:HE1	2	4.24
(1,184)	1:365:A:ARG:HA	1:413:A:PHE:HE1	6	4.24
(1,29)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HE1	4	4.23
(1,29)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HE2	4	4.23
(1,29)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HE3	4	4.23
(1,748)	1:347:A:ASP:H	1:350:A:TYR:HE2	6	4.22
(1,31)	1:340:A:TYR:HE1	1:390:A:MET:HE1	6	4.17
(1,31)	1:340:A:TYR:HE1	1:390:A:MET:HE2	6	4.17
(1,31)	1:340:A:TYR:HE1	1:390:A:MET:HE3	6	4.17
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD11	3	4.15
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD12	3	4.15
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD13	3	4.15
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD21	3	4.15
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD22	3	4.15
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD23	3	4.15
(1,1223)	1:372:A:LEU:HB3	1:387:A:TYR:HE2	7	4.12
(1,1089)	1:340:A:TYR:HE1	1:376:A:TRP:H	9	4.12
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD11	7	4.09
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD12	7	4.09
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD13	7	4.09
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD21	7	4.09
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD22	7	4.09
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD23	7	4.09
(1,668)	1:366:A:ILE:H	1:413:A:PHE:HE1	6	4.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,140)	1:347:A:ASP:HB3	1:350:A:TYR:HD2	8	4.09
(1,1219)	1:366:A:ILE:HD11	1:387:A:TYR:HE2	6	4.08
(1,1219)	1:366:A:ILE:HD12	1:387:A:TYR:HE2	6	4.08
(1,1219)	1:366:A:ILE:HD13	1:387:A:TYR:HE2	6	4.08
(1,1223)	1:372:A:LEU:HB3	1:387:A:TYR:HE2	1	4.07
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD11	3	4.04
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD12	3	4.04
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD13	3	4.04
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD21	3	4.04
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD22	3	4.04
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD23	3	4.04
(1,1087)	1:340:A:TYR:HD1	1:376:A:TRP:H	9	4.03
(1,1055)	1:373:A:ALA:H	1:387:A:TYR:HD2	7	4.03
(1,549)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD21	2	4.03
(1,549)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD22	2	4.03
(1,549)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD23	2	4.03
(1,1159)	1:369:A:PRO:HA	1:387:A:TYR:HD2	6	3.99
(1,748)	1:347:A:ASP:H	1:350:A:TYR:HE2	1	3.99
(1,1215)	1:340:A:TYR:HE1	1:376:A:TRP:HB3	9	3.98
(1,1156)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD11	3	3.98
(1,1156)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD12	3	3.98
(1,1156)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD13	3	3.98
(1,1055)	1:373:A:ALA:H	1:387:A:TYR:HD2	2	3.98
(1,549)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD21	10	3.98
(1,549)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD22	10	3.98
(1,549)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD23	10	3.98
(1,1151)	1:340:A:TYR:HD2	1:379:A:HIS:HE1	3	3.96
(1,1223)	1:372:A:LEU:HB3	1:387:A:TYR:HE2	2	3.94
(1,1156)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD11	7	3.94
(1,1156)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD12	7	3.94
(1,1156)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD13	7	3.94
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD11	5	3.93
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD12	5	3.93
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD13	5	3.93
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD21	5	3.93
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD22	5	3.93
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD23	5	3.93
(1,668)	1:366:A:ILE:H	1:413:A:PHE:HE1	2	3.93
(1,31)	1:340:A:TYR:HE1	1:390:A:MET:HE1	8	3.91
(1,31)	1:340:A:TYR:HE1	1:390:A:MET:HE2	8	3.91
(1,31)	1:340:A:TYR:HE1	1:390:A:MET:HE3	8	3.91
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD11	7	3.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD12	7	3.9
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD13	7	3.9
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD21	7	3.9
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD22	7	3.9
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD23	7	3.9
(1,748)	1:347:A:ASP:H	1:350:A:TYR:HE2	8	3.88
(1,1089)	1:340:A:TYR:HE1	1:376:A:TRP:H	8	3.87
(1,748)	1:347:A:ASP:H	1:350:A:TYR:HE2	2	3.87
(1,1215)	1:340:A:TYR:HE1	1:376:A:TRP:HB3	8	3.85
(1,184)	1:365:A:ARG:HA	1:413:A:PHE:HE1	10	3.85
(1,1089)	1:340:A:TYR:HE1	1:376:A:TRP:H	5	3.83
(1,140)	1:347:A:ASP:HB3	1:350:A:TYR:HD2	2	3.83
(1,1193)	1:342:A:TYR:HE2	1:356:A:TRP:HH2	6	3.8
(1,1109)	1:354:A:ILE:H	1:355:A:ARG:HE	9	3.8
(1,140)	1:347:A:ASP:HB3	1:350:A:TYR:HD2	6	3.79
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD11	4	3.78
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD12	4	3.78
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD13	4	3.78
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD21	4	3.78
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD22	4	3.78
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD23	4	3.78
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD11	8	3.78
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD12	8	3.78
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD13	8	3.78
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD21	8	3.78
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD22	8	3.78
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD23	8	3.78
(1,549)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD21	1	3.76
(1,549)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD22	1	3.76
(1,549)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD23	1	3.76
(1,31)	1:340:A:TYR:HE1	1:390:A:MET:HE1	1	3.76
(1,31)	1:340:A:TYR:HE1	1:390:A:MET:HE2	1	3.76
(1,31)	1:340:A:TYR:HE1	1:390:A:MET:HE3	1	3.76
(1,1215)	1:340:A:TYR:HE1	1:376:A:TRP:HB3	6	3.75
(1,28)	1:340:A:TYR:HD1	1:390:A:MET:HE1	8	3.75
(1,28)	1:340:A:TYR:HD1	1:390:A:MET:HE2	8	3.75
(1,28)	1:340:A:TYR:HD1	1:390:A:MET:HE3	8	3.75
(1,1215)	1:340:A:TYR:HE1	1:376:A:TRP:HB3	5	3.73
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD11	9	3.72
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD12	9	3.72
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD13	9	3.72
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD21	9	3.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD22	9	3.72
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD23	9	3.72
(1,1212)	1:342:A:TYR:HE2	1:356:A:TRP:HZ2	3	3.72
(1,28)	1:340:A:TYR:HD1	1:390:A:MET:HE1	9	3.72
(1,28)	1:340:A:TYR:HD1	1:390:A:MET:HE2	9	3.72
(1,28)	1:340:A:TYR:HD1	1:390:A:MET:HE3	9	3.72
(1,748)	1:347:A:ASP:H	1:350:A:TYR:HE2	9	3.71
(1,549)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD21	6	3.71
(1,549)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD22	6	3.71
(1,549)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD23	6	3.71
(1,748)	1:347:A:ASP:H	1:350:A:TYR:HE2	10	3.7
(1,140)	1:347:A:ASP:HB3	1:350:A:TYR:HD2	4	3.68
(1,140)	1:347:A:ASP:HB3	1:350:A:TYR:HD2	10	3.68
(1,1193)	1:342:A:TYR:HE2	1:356:A:TRP:HH2	2	3.67
(1,1193)	1:342:A:TYR:HE2	1:356:A:TRP:HH2	5	3.67
(1,668)	1:366:A:ILE:H	1:413:A:PHE:HE1	10	3.67
(1,703)	1:404:A:ARG:H	1:413:A:PHE:HD2	4	3.66
(1,30)	1:387:A:TYR:HE2	1:390:A:MET:HE1	1	3.66
(1,30)	1:387:A:TYR:HE2	1:390:A:MET:HE2	1	3.66
(1,30)	1:387:A:TYR:HE2	1:390:A:MET:HE3	1	3.66
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD11	1	3.64
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD12	1	3.64
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD13	1	3.64
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD21	1	3.64
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD22	1	3.64
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD23	1	3.64
(1,184)	1:365:A:ARG:HA	1:413:A:PHE:HE1	1	3.63
(1,31)	1:340:A:TYR:HE1	1:390:A:MET:HE1	9	3.62
(1,31)	1:340:A:TYR:HE1	1:390:A:MET:HE2	9	3.62
(1,31)	1:340:A:TYR:HE1	1:390:A:MET:HE3	9	3.62
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD11	9	3.61
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD12	9	3.61
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD13	9	3.61
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD21	9	3.61
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD22	9	3.61
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD23	9	3.61
(1,28)	1:340:A:TYR:HD1	1:390:A:MET:HE1	6	3.61
(1,28)	1:340:A:TYR:HD1	1:390:A:MET:HE2	6	3.61
(1,28)	1:340:A:TYR:HD1	1:390:A:MET:HE3	6	3.61
(1,1151)	1:340:A:TYR:HD2	1:379:A:HIS:HE1	2	3.6
(1,789)	1:355:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HG3	4	3.6
(1,29)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HE1	6	3.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,29)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HE2	6	3.59
(1,29)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HE3	6	3.59
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD21	3	3.57
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD22	3	3.57
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD23	3	3.57
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD11	3	3.57
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD12	3	3.57
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD13	3	3.57
(1,1156)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD11	4	3.57
(1,1156)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD12	4	3.57
(1,1156)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD13	4	3.57
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD11	4	3.56
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD12	4	3.56
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD13	4	3.56
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD21	4	3.56
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD22	4	3.56
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD23	4	3.56
(1,29)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HE1	1	3.55
(1,29)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HE2	1	3.55
(1,29)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HE3	1	3.55
(1,1156)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD11	6	3.54
(1,1156)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD12	6	3.54
(1,1156)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD13	6	3.54
(1,1087)	1:340:A:TYR:HD1	1:376:A:TRP:H	5	3.53
(1,1087)	1:340:A:TYR:HD1	1:376:A:TRP:H	8	3.53
(1,789)	1:355:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HG3	7	3.53
(1,1152)	1:340:A:TYR:HE2	1:379:A:HIS:HE1	3	3.52
(1,1055)	1:373:A:ALA:H	1:387:A:TYR:HD2	1	3.52
(1,789)	1:355:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HG3	1	3.52
(1,184)	1:365:A:ARG:HA	1:413:A:PHE:HE1	4	3.52
(1,30)	1:387:A:TYR:HE2	1:390:A:MET:HE1	4	3.52
(1,30)	1:387:A:TYR:HE2	1:390:A:MET:HE2	4	3.52
(1,30)	1:387:A:TYR:HE2	1:390:A:MET:HE3	4	3.52
(1,668)	1:366:A:ILE:H	1:413:A:PHE:HE1	1	3.51
(1,140)	1:347:A:ASP:HB3	1:350:A:TYR:HD2	9	3.51
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD11	6	3.5
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD12	6	3.5
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD13	6	3.5
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD21	6	3.5
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD22	6	3.5
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD23	6	3.5
(1,1193)	1:342:A:TYR:HE2	1:356:A:TRP:HH2	1	3.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,683)	1:405:A:LYS:H	1:413:A:PHE:HD2	4	3.5
(1,31)	1:340:A:TYR:HE1	1:390:A:MET:HE1	5	3.5
(1,31)	1:340:A:TYR:HE1	1:390:A:MET:HE2	5	3.5
(1,31)	1:340:A:TYR:HE1	1:390:A:MET:HE3	5	3.5
(1,30)	1:387:A:TYR:HE2	1:390:A:MET:HE1	6	3.5
(1,30)	1:387:A:TYR:HE2	1:390:A:MET:HE2	6	3.5
(1,30)	1:387:A:TYR:HE2	1:390:A:MET:HE3	6	3.5
(1,703)	1:404:A:ARG:H	1:413:A:PHE:HD2	6	3.49
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD11	9	3.48
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD12	9	3.48
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD13	9	3.48
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD21	9	3.48
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD22	9	3.48
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD23	9	3.48
(1,1215)	1:340:A:TYR:HE1	1:376:A:TRP:HB3	1	3.48
(1,1151)	1:340:A:TYR:HD2	1:379:A:HIS:HE1	4	3.48
(1,29)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HE1	2	3.48
(1,29)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HE2	2	3.48
(1,29)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HE3	2	3.48
(1,1055)	1:373:A:ALA:H	1:387:A:TYR:HD2	5	3.47
(1,28)	1:340:A:TYR:HD1	1:390:A:MET:HE1	7	3.46
(1,28)	1:340:A:TYR:HD1	1:390:A:MET:HE2	7	3.46
(1,28)	1:340:A:TYR:HD1	1:390:A:MET:HE3	7	3.46
(1,500)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HH2	3	3.45
(1,500)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HH2	3	3.45
(1,500)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HH2	3	3.45
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD11	7	3.44
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD12	7	3.44
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD13	7	3.44
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD21	7	3.44
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD22	7	3.44
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD23	7	3.44
(1,1184)	1:405:A:LYS:HA	1:413:A:PHE:HE2	10	3.44
(1,1089)	1:340:A:TYR:HE1	1:376:A:TRP:H	6	3.44
(1,1055)	1:373:A:ALA:H	1:387:A:TYR:HD2	4	3.44
(1,789)	1:355:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HG3	5	3.44
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD21	7	3.43
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD22	7	3.43
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD23	7	3.43
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD11	7	3.43
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD12	7	3.43
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD13	7	3.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1109)	1:354:A:ILE:H	1:355:A:ARG:HE	8	3.43
(1,668)	1:366:A:ILE:H	1:413:A:PHE:HE1	4	3.43
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD11	9	3.42
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD12	9	3.42
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD13	9	3.42
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD21	9	3.42
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD22	9	3.42
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD23	9	3.42
(1,1223)	1:372:A:LEU:HB3	1:387:A:TYR:HE2	9	3.42
(1,1193)	1:342:A:TYR:HE2	1:356:A:TRP:HH2	4	3.42
(1,1089)	1:340:A:TYR:HE1	1:376:A:TRP:H	1	3.42
(1,591)	1:342:A:TYR:HE2	1:356:A:TRP:HE1	3	3.42
(1,591)	1:342:A:TYR:HE2	1:356:A:TRP:HE1	5	3.41
(1,28)	1:340:A:TYR:HD1	1:390:A:MET:HE1	1	3.41
(1,28)	1:340:A:TYR:HD1	1:390:A:MET:HE2	1	3.41
(1,28)	1:340:A:TYR:HD1	1:390:A:MET:HE3	1	3.41
(1,789)	1:355:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HG3	2	3.4
(1,703)	1:404:A:ARG:H	1:413:A:PHE:HD2	10	3.4
(1,668)	1:366:A:ILE:H	1:413:A:PHE:HE1	9	3.4
(1,29)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HE1	7	3.4
(1,29)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HE2	7	3.4
(1,29)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HE3	7	3.4
(1,28)	1:340:A:TYR:HD1	1:390:A:MET:HE1	5	3.4
(1,28)	1:340:A:TYR:HD1	1:390:A:MET:HE2	5	3.4
(1,28)	1:340:A:TYR:HD1	1:390:A:MET:HE3	5	3.4
(1,1156)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD11	9	3.39
(1,1156)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD12	9	3.39
(1,1156)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD13	9	3.39
(1,1152)	1:340:A:TYR:HE2	1:379:A:HIS:HE1	5	3.39
(1,683)	1:405:A:LYS:H	1:413:A:PHE:HD2	10	3.39
(1,31)	1:340:A:TYR:HE1	1:390:A:MET:HE1	7	3.39
(1,31)	1:340:A:TYR:HE1	1:390:A:MET:HE2	7	3.39
(1,31)	1:340:A:TYR:HE1	1:390:A:MET:HE3	7	3.39
(1,184)	1:365:A:ARG:HA	1:413:A:PHE:HE1	9	3.38
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD11	5	3.37
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD12	5	3.37
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD13	5	3.37
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD21	5	3.37
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD22	5	3.37
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD23	5	3.37
(1,1174)	1:394:A:LEU:HG	1:397:A:TYR:HD2	6	3.37
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD11	2	3.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD12	2	3.36
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD13	2	3.36
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD21	2	3.36
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD22	2	3.36
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD23	2	3.36
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD11	6	3.36
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD12	6	3.36
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD13	6	3.36
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD21	6	3.36
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD22	6	3.36
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD23	6	3.36
(1,1223)	1:372:A:LEU:HB3	1:387:A:TYR:HE2	5	3.35
(1,1219)	1:366:A:ILE:HD11	1:387:A:TYR:HE2	1	3.35
(1,1219)	1:366:A:ILE:HD12	1:387:A:TYR:HE2	1	3.35
(1,1219)	1:366:A:ILE:HD13	1:387:A:TYR:HE2	1	3.35
(1,716)	1:349:A:ARG:H	1:350:A:TYR:HD2	2	3.35
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD11	10	3.34
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD12	10	3.34
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD13	10	3.34
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD21	10	3.34
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD22	10	3.34
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD23	10	3.34
(1,1351)	1:349:A:ARG:HD2	1:350:A:TYR:HE2	8	3.33
(1,1351)	1:349:A:ARG:HD3	1:350:A:TYR:HE2	8	3.33
(1,1223)	1:372:A:LEU:HB3	1:387:A:TYR:HE2	4	3.33
(1,1193)	1:342:A:TYR:HE2	1:356:A:TRP:HH2	8	3.33
(1,30)	1:387:A:TYR:HE2	1:390:A:MET:HE1	7	3.33
(1,30)	1:387:A:TYR:HE2	1:390:A:MET:HE2	7	3.33
(1,30)	1:387:A:TYR:HE2	1:390:A:MET:HE3	7	3.33
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD11	1:387:A:TYR:HE2	1	3.32
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD12	1:387:A:TYR:HE2	1	3.32
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD13	1:387:A:TYR:HE2	1	3.32
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD21	1:387:A:TYR:HE2	1	3.32
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD22	1:387:A:TYR:HE2	1	3.32
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD23	1:387:A:TYR:HE2	1	3.32
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD11	6	3.32
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD12	6	3.32
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD13	6	3.32
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD21	6	3.32
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD22	6	3.32
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD23	6	3.32
(1,1207)	1:347:A:ASP:HB2	1:350:A:TYR:HE2	8	3.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1207)	1:347:A:ASP:HB3	1:350:A:TYR:HE2	8	3.32
(1,789)	1:355:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HG3	6	3.31
(1,29)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HE1	5	3.31
(1,29)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HE2	5	3.31
(1,29)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HE3	5	3.31
(1,1184)	1:405:A:LYS:HA	1:413:A:PHE:HE2	4	3.3
(1,1109)	1:354:A:ILE:H	1:355:A:ARG:HE	4	3.3
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD11	1:387:A:TYR:HE2	2	3.29
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD12	1:387:A:TYR:HE2	2	3.29
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD13	1:387:A:TYR:HE2	2	3.29
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD21	1:387:A:TYR:HE2	2	3.29
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD22	1:387:A:TYR:HE2	2	3.29
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD23	1:387:A:TYR:HE2	2	3.29
(1,1193)	1:342:A:TYR:HE2	1:356:A:TRP:HH2	7	3.29
(1,1055)	1:373:A:ALA:H	1:387:A:TYR:HD2	9	3.29
(1,748)	1:347:A:ASP:H	1:350:A:TYR:HE2	4	3.28
(1,285)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD11	3	3.28
(1,285)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD12	3	3.28
(1,285)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD13	3	3.28
(1,1219)	1:366:A:ILE:HD11	1:387:A:TYR:HE2	7	3.27
(1,1219)	1:366:A:ILE:HD12	1:387:A:TYR:HE2	7	3.27
(1,1219)	1:366:A:ILE:HD13	1:387:A:TYR:HE2	7	3.27
(1,716)	1:349:A:ARG:H	1:350:A:TYR:HD2	1	3.27
(1,668)	1:366:A:ILE:H	1:413:A:PHE:HE1	5	3.27
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD11	4	3.26
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD12	4	3.26
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD13	4	3.26
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD21	4	3.26
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD22	4	3.26
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD23	4	3.26
(1,1201)	1:394:A:LEU:HG	1:397:A:TYR:HE2	6	3.25
(1,540)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD21	4	3.25
(1,540)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD22	4	3.25
(1,540)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD23	4	3.25
(1,29)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HE1	9	3.25
(1,29)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HE2	9	3.25
(1,29)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HE3	9	3.25
(1,1219)	1:366:A:ILE:HD11	1:387:A:TYR:HE2	2	3.24
(1,1219)	1:366:A:ILE:HD12	1:387:A:TYR:HE2	2	3.24
(1,1219)	1:366:A:ILE:HD13	1:387:A:TYR:HE2	2	3.24
(1,184)	1:365:A:ARG:HA	1:413:A:PHE:HE1	5	3.24
(1,717)	1:349:A:ARG:H	1:350:A:TYR:HE2	2	3.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD11	8	3.22
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD12	8	3.22
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD13	8	3.22
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD21	8	3.22
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD22	8	3.22
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD23	8	3.22
(1,1212)	1:342:A:TYR:HE2	1:356:A:TRP:HZ2	9	3.22
(1,683)	1:405:A:LYS:H	1:413:A:PHE:HD2	6	3.22
(1,789)	1:355:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HG3	3	3.21
(1,1184)	1:405:A:LYS:HA	1:413:A:PHE:HE2	6	3.2
(1,1151)	1:340:A:TYR:HD2	1:379:A:HIS:HE1	10	3.2
(1,789)	1:355:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HG3	8	3.2
(1,1151)	1:340:A:TYR:HD2	1:379:A:HIS:HE1	1	3.19
(1,1109)	1:354:A:ILE:H	1:355:A:ARG:HE	1	3.19
(1,21)	1:354:A:ILE:HG21	1:355:A:ARG:HE	9	3.19
(1,21)	1:354:A:ILE:HG22	1:355:A:ARG:HE	9	3.19
(1,21)	1:354:A:ILE:HG23	1:355:A:ARG:HE	9	3.19
(1,1351)	1:349:A:ARG:HD2	1:350:A:TYR:HE2	10	3.18
(1,1351)	1:349:A:ARG:HD3	1:350:A:TYR:HE2	10	3.18
(1,1207)	1:347:A:ASP:HB2	1:350:A:TYR:HE2	6	3.18
(1,1207)	1:347:A:ASP:HB3	1:350:A:TYR:HE2	6	3.18
(1,1151)	1:340:A:TYR:HD2	1:379:A:HIS:HE1	8	3.18
(1,1109)	1:354:A:ILE:H	1:355:A:ARG:HE	5	3.18
(1,546)	1:336:A:LEU:HD11	1:338:A:TRP:HH2	8	3.18
(1,546)	1:336:A:LEU:HD12	1:338:A:TRP:HH2	8	3.18
(1,546)	1:336:A:LEU:HD13	1:338:A:TRP:HH2	8	3.18
(1,21)	1:354:A:ILE:HG21	1:355:A:ARG:HE	3	3.18
(1,21)	1:354:A:ILE:HG22	1:355:A:ARG:HE	3	3.18
(1,21)	1:354:A:ILE:HG23	1:355:A:ARG:HE	3	3.18
(1,717)	1:349:A:ARG:H	1:350:A:TYR:HE2	1	3.17
(1,1351)	1:349:A:ARG:HD2	1:350:A:TYR:HE2	1	3.16
(1,1351)	1:349:A:ARG:HD3	1:350:A:TYR:HE2	1	3.16
(1,30)	1:387:A:TYR:HE2	1:390:A:MET:HE1	9	3.15
(1,30)	1:387:A:TYR:HE2	1:390:A:MET:HE2	9	3.15
(1,30)	1:387:A:TYR:HE2	1:390:A:MET:HE3	9	3.15
(1,1193)	1:342:A:TYR:HE2	1:356:A:TRP:HH2	10	3.13
(1,31)	1:340:A:TYR:HE1	1:390:A:MET:HE1	3	3.13
(1,31)	1:340:A:TYR:HE1	1:390:A:MET:HE2	3	3.13
(1,31)	1:340:A:TYR:HE1	1:390:A:MET:HE3	3	3.13
(1,1109)	1:354:A:ILE:H	1:355:A:ARG:HE	7	3.12
(1,716)	1:349:A:ARG:H	1:350:A:TYR:HD2	10	3.12
(1,21)	1:354:A:ILE:HG21	1:355:A:ARG:HE	8	3.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,21)	1:354:A:ILE:HG22	1:355:A:ARG:HE	8	3.12
(1,21)	1:354:A:ILE:HG23	1:355:A:ARG:HE	8	3.12
(1,540)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD21	1	3.11
(1,540)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD22	1	3.11
(1,540)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD23	1	3.11
(1,30)	1:387:A:TYR:HE2	1:390:A:MET:HE1	2	3.11
(1,30)	1:387:A:TYR:HE2	1:390:A:MET:HE2	2	3.11
(1,30)	1:387:A:TYR:HE2	1:390:A:MET:HE3	2	3.11
(1,1152)	1:340:A:TYR:HE2	1:379:A:HIS:HE1	6	3.1
(1,1055)	1:373:A:ALA:H	1:387:A:TYR:HD2	3	3.1
(1,716)	1:349:A:ARG:H	1:350:A:TYR:HD2	9	3.1
(1,21)	1:354:A:ILE:HG21	1:355:A:ARG:HE	2	3.1
(1,21)	1:354:A:ILE:HG22	1:355:A:ARG:HE	2	3.1
(1,21)	1:354:A:ILE:HG23	1:355:A:ARG:HE	2	3.1
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD11	1	3.09
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD12	1	3.09
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD13	1	3.09
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD21	1	3.09
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD22	1	3.09
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD23	1	3.09
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD21	4	3.09
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD22	4	3.09
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD23	4	3.09
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD11	4	3.09
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD12	4	3.09
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD13	4	3.09
(1,789)	1:355:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HG3	9	3.09
(1,1156)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD11	2	3.08
(1,1156)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD12	2	3.08
(1,1156)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD13	2	3.08
(1,1156)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD11	10	3.08
(1,1156)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD12	10	3.08
(1,1156)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD13	10	3.08
(1,1208)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HB	3	3.07
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD11	7	3.06
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD12	7	3.06
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD13	7	3.06
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD21	7	3.06
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD22	7	3.06
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD23	7	3.06
(1,1109)	1:354:A:ILE:H	1:355:A:ARG:HE	3	3.06
(1,1207)	1:347:A:ASP:HB2	1:350:A:TYR:HE2	4	3.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1207)	1:347:A:ASP:HB3	1:350:A:TYR:HE2	4	3.05
(1,1212)	1:342:A:TYR:HE2	1:356:A:TRP:HZ2	5	3.04
(1,716)	1:349:A:ARG:H	1:350:A:TYR:HD2	6	3.04
(1,683)	1:405:A:LYS:H	1:413:A:PHE:HD2	1	3.04
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD11	2	3.03
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD12	2	3.03
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD13	2	3.03
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD21	2	3.03
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD22	2	3.03
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD23	2	3.03
(1,21)	1:354:A:ILE:HG21	1:355:A:ARG:HE	7	3.03
(1,21)	1:354:A:ILE:HG22	1:355:A:ARG:HE	7	3.03
(1,21)	1:354:A:ILE:HG23	1:355:A:ARG:HE	7	3.03
(1,1174)	1:394:A:LEU:HG	1:397:A:TYR:HD2	2	3.02
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD21	9	3.01
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD22	9	3.01
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD23	9	3.01
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD11	9	3.01
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD12	9	3.01
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD13	9	3.01
(1,748)	1:347:A:ASP:H	1:350:A:TYR:HE2	3	3.01
(1,1223)	1:372:A:LEU:HB3	1:387:A:TYR:HE2	3	3.0
(1,1207)	1:347:A:ASP:HB2	1:350:A:TYR:HE2	2	3.0
(1,1207)	1:347:A:ASP:HB3	1:350:A:TYR:HE2	2	3.0
(1,30)	1:387:A:TYR:HE2	1:390:A:MET:HE1	5	3.0
(1,30)	1:387:A:TYR:HE2	1:390:A:MET:HE2	5	3.0
(1,30)	1:387:A:TYR:HE2	1:390:A:MET:HE3	5	3.0
(1,1167)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HB	3	2.99
(1,1152)	1:340:A:TYR:HE2	1:379:A:HIS:HE1	4	2.99
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD11	1:387:A:TYR:HE2	7	2.98
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD12	1:387:A:TYR:HE2	7	2.98
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD13	1:387:A:TYR:HE2	7	2.98
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD21	1:387:A:TYR:HE2	7	2.98
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD22	1:387:A:TYR:HE2	7	2.98
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD23	1:387:A:TYR:HE2	7	2.98
(1,1207)	1:347:A:ASP:HB2	1:350:A:TYR:HE2	10	2.97
(1,1207)	1:347:A:ASP:HB3	1:350:A:TYR:HE2	10	2.97
(1,500)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HH2	10	2.97
(1,500)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HH2	10	2.97
(1,500)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HH2	10	2.97
(1,1352)	1:349:A:ARG:HD2	1:350:A:TYR:HD2	10	2.96
(1,1352)	1:349:A:ARG:HD3	1:350:A:TYR:HD2	10	2.96

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1220)	1:369:A:PRO:HA	1:387:A:TYR:HE2	7	2.96
(1,1184)	1:405:A:LYS:HA	1:413:A:PHE:HE2	2	2.96
(1,683)	1:405:A:LYS:H	1:413:A:PHE:HD2	9	2.96
(1,1184)	1:405:A:LYS:HA	1:413:A:PHE:HE2	9	2.94
(1,1155)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HG	5	2.94
(1,285)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD11	6	2.94
(1,285)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD12	6	2.94
(1,285)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD13	6	2.94
(1,75)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:HG2	2	2.94
(1,75)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:HG3	2	2.94
(1,28)	1:340:A:TYR:HD1	1:390:A:MET:HE1	3	2.94
(1,28)	1:340:A:TYR:HD1	1:390:A:MET:HE2	3	2.94
(1,28)	1:340:A:TYR:HD1	1:390:A:MET:HE3	3	2.94
(1,1055)	1:373:A:ALA:H	1:387:A:TYR:HD2	10	2.93
(1,683)	1:405:A:LYS:H	1:413:A:PHE:HD2	2	2.93
(1,1352)	1:349:A:ARG:HD2	1:350:A:TYR:HD2	1	2.92
(1,1352)	1:349:A:ARG:HD3	1:350:A:TYR:HD2	1	2.92
(1,1352)	1:349:A:ARG:HD2	1:350:A:TYR:HD2	8	2.9
(1,1352)	1:349:A:ARG:HD3	1:350:A:TYR:HD2	8	2.9
(1,1109)	1:354:A:ILE:H	1:355:A:ARG:HE	2	2.9
(1,717)	1:349:A:ARG:H	1:350:A:TYR:HE2	9	2.9
(1,717)	1:349:A:ARG:H	1:350:A:TYR:HE2	10	2.9
(1,21)	1:354:A:ILE:HG21	1:355:A:ARG:HE	1	2.9
(1,21)	1:354:A:ILE:HG22	1:355:A:ARG:HE	1	2.9
(1,21)	1:354:A:ILE:HG23	1:355:A:ARG:HE	1	2.9
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD21	6	2.85
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD22	6	2.85
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD23	6	2.85
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD11	6	2.85
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD12	6	2.85
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD13	6	2.85
(1,703)	1:404:A:ARG:H	1:413:A:PHE:HD2	5	2.85
(1,285)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD11	1	2.85
(1,285)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD12	1	2.85
(1,285)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD13	1	2.85
(1,178)	1:412:A:LEU:HA	1:413:A:PHE:HE1	2	2.84
(1,1220)	1:369:A:PRO:HA	1:387:A:TYR:HE2	2	2.83
(1,1159)	1:369:A:PRO:HA	1:387:A:TYR:HD2	2	2.83
(1,1055)	1:373:A:ALA:H	1:387:A:TYR:HD2	8	2.83
(1,789)	1:355:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HG3	10	2.83
(1,1351)	1:349:A:ARG:HD2	1:350:A:TYR:HE2	2	2.81
(1,1351)	1:349:A:ARG:HD3	1:350:A:TYR:HE2	2	2.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD11	1	2.81
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD12	1	2.81
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD13	1	2.81
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD21	1	2.81
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD22	1	2.81
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD23	1	2.81
(1,1219)	1:366:A:ILE:HD11	1:387:A:TYR:HE2	3	2.81
(1,1219)	1:366:A:ILE:HD12	1:387:A:TYR:HE2	3	2.81
(1,1219)	1:366:A:ILE:HD13	1:387:A:TYR:HE2	3	2.81
(1,1087)	1:340:A:TYR:HD1	1:376:A:TRP:H	1	2.81
(1,591)	1:342:A:TYR:HE2	1:356:A:TRP:HE1	10	2.81
(1,549)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD21	8	2.81
(1,549)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD22	8	2.81
(1,549)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD23	8	2.81
(1,29)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HE1	10	2.81
(1,29)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HE2	10	2.81
(1,29)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HE3	10	2.81
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD11	10	2.8
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD12	10	2.8
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD13	10	2.8
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD21	10	2.8
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD22	10	2.8
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD23	10	2.8
(1,285)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD11	8	2.8
(1,285)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD12	8	2.8
(1,285)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD13	8	2.8
(1,285)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD11	10	2.8
(1,285)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD12	10	2.8
(1,285)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD13	10	2.8
(1,178)	1:412:A:LEU:HA	1:413:A:PHE:HE1	1	2.8
(1,75)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:HG2	3	2.79
(1,75)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:HG3	3	2.79
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD11	1:340:A:TYR:HD1	6	2.78
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD12	1:340:A:TYR:HD1	6	2.78
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD13	1:340:A:TYR:HD1	6	2.78
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD21	1:340:A:TYR:HD1	6	2.78
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD22	1:340:A:TYR:HD1	6	2.78
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD23	1:340:A:TYR:HD1	6	2.78
(1,140)	1:347:A:ASP:HB3	1:350:A:TYR:HD2	1	2.78
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD11	4	2.77
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD12	4	2.77
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD13	4	2.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD21	4	2.77
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD22	4	2.77
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD23	4	2.77
(1,1156)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD11	1	2.77
(1,1156)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD12	1	2.77
(1,1156)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD13	1	2.77
(1,716)	1:349:A:ARG:H	1:350:A:TYR:HD2	4	2.77
(1,717)	1:349:A:ARG:H	1:350:A:TYR:HE2	6	2.76
(1,716)	1:349:A:ARG:H	1:350:A:TYR:HD2	8	2.76
(1,474)	1:354:A:ILE:HG12	1:355:A:ARG:HE	8	2.76
(1,1184)	1:405:A:LYS:HA	1:413:A:PHE:HE2	1	2.75
(1,1152)	1:340:A:TYR:HE2	1:379:A:HIS:HE1	7	2.75
(1,578)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG11	2	2.75
(1,578)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG12	2	2.75
(1,578)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG13	2	2.75
(1,716)	1:349:A:ARG:H	1:350:A:TYR:HD2	7	2.74
(1,591)	1:342:A:TYR:HE2	1:356:A:TRP:HE1	7	2.74
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD11	1:387:A:TYR:HE2	9	2.73
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD12	1:387:A:TYR:HE2	9	2.73
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD13	1:387:A:TYR:HE2	9	2.73
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD21	1:387:A:TYR:HE2	9	2.73
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD22	1:387:A:TYR:HE2	9	2.73
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD23	1:387:A:TYR:HE2	9	2.73
(1,1152)	1:340:A:TYR:HE2	1:379:A:HIS:HE1	1	2.73
(1,703)	1:404:A:ARG:H	1:413:A:PHE:HD2	9	2.73
(1,1219)	1:366:A:ILE:HD11	1:387:A:TYR:HE2	10	2.72
(1,1219)	1:366:A:ILE:HD12	1:387:A:TYR:HE2	10	2.72
(1,1219)	1:366:A:ILE:HD13	1:387:A:TYR:HE2	10	2.72
(1,397)	1:366:A:ILE:HG21	1:387:A:TYR:HE2	6	2.72
(1,397)	1:366:A:ILE:HG22	1:387:A:TYR:HE2	6	2.72
(1,397)	1:366:A:ILE:HG23	1:387:A:TYR:HE2	6	2.72
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HE	6	2.71
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HE	6	2.71
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HE	6	2.71
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HE	6	2.71
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HE	6	2.71
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HE	6	2.71
(1,1223)	1:372:A:LEU:HB3	1:387:A:TYR:HE2	10	2.71
(1,1151)	1:340:A:TYR:HD2	1:379:A:HIS:HE1	9	2.71
(1,178)	1:412:A:LEU:HA	1:413:A:PHE:HE1	10	2.71
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD11	8	2.7
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD12	8	2.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD13	8	2.7
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD21	8	2.7
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD22	8	2.7
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD23	8	2.7
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD11	10	2.7
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD12	10	2.7
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD13	10	2.7
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD21	10	2.7
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD22	10	2.7
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD23	10	2.7
(1,578)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG11	1	2.7
(1,578)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG12	1	2.7
(1,578)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG13	1	2.7
(1,231)	1:340:A:TYR:HE1	1:376:A:TRP:HA	9	2.7
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD11	1:350:A:TYR:HE1	3	2.68
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD12	1:350:A:TYR:HE1	3	2.68
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD13	1:350:A:TYR:HE1	3	2.68
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD21	1:350:A:TYR:HE1	3	2.68
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD22	1:350:A:TYR:HE1	3	2.68
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD23	1:350:A:TYR:HE1	3	2.68
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD11	1:387:A:TYR:HE2	4	2.67
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD12	1:387:A:TYR:HE2	4	2.67
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD13	1:387:A:TYR:HE2	4	2.67
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD21	1:387:A:TYR:HE2	4	2.67
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD22	1:387:A:TYR:HE2	4	2.67
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD23	1:387:A:TYR:HE2	4	2.67
(1,638)	1:406:A:GLU:H	1:413:A:PHE:HD2	4	2.67
(1,578)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG11	6	2.67
(1,578)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG12	6	2.67
(1,578)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG13	6	2.67
(1,285)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD11	5	2.67
(1,285)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD12	5	2.67
(1,285)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD13	5	2.67
(1,31)	1:340:A:TYR:HE1	1:390:A:MET:HE1	10	2.67
(1,31)	1:340:A:TYR:HE1	1:390:A:MET:HE2	10	2.67
(1,31)	1:340:A:TYR:HE1	1:390:A:MET:HE3	10	2.67
(1,21)	1:354:A:ILE:HG21	1:355:A:ARG:HE	4	2.67
(1,21)	1:354:A:ILE:HG22	1:355:A:ARG:HE	4	2.67
(1,21)	1:354:A:ILE:HG23	1:355:A:ARG:HE	4	2.67
(1,1352)	1:349:A:ARG:HD2	1:350:A:TYR:HD2	6	2.66
(1,1352)	1:349:A:ARG:HD3	1:350:A:TYR:HD2	6	2.66
(1,1352)	1:349:A:ARG:HD2	1:350:A:TYR:HD2	7	2.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1352)	1:349:A:ARG:HD3	1:350:A:TYR:HD2	7	2.66
(1,1220)	1:369:A:PRO:HA	1:387:A:TYR:HE2	1	2.66
(1,1219)	1:366:A:ILE:HD11	1:387:A:TYR:HE2	8	2.66
(1,1219)	1:366:A:ILE:HD12	1:387:A:TYR:HE2	8	2.66
(1,1219)	1:366:A:ILE:HD13	1:387:A:TYR:HE2	8	2.66
(1,578)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG11	5	2.66
(1,578)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG12	5	2.66
(1,578)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG13	5	2.66
(1,178)	1:412:A:LEU:HA	1:413:A:PHE:HE1	5	2.66
(1,1156)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD11	8	2.65
(1,1156)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD12	8	2.65
(1,1156)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD13	8	2.65
(1,638)	1:406:A:GLU:H	1:413:A:PHE:HD2	10	2.65
(1,578)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG11	8	2.65
(1,578)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG12	8	2.65
(1,578)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG13	8	2.65
(1,748)	1:347:A:ASP:H	1:350:A:TYR:HE2	7	2.64
(1,578)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG11	10	2.64
(1,578)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG12	10	2.64
(1,578)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG13	10	2.64
(1,396)	1:366:A:ILE:HG21	1:387:A:TYR:HD2	6	2.64
(1,396)	1:366:A:ILE:HG22	1:387:A:TYR:HD2	6	2.64
(1,396)	1:366:A:ILE:HG23	1:387:A:TYR:HD2	6	2.64
(1,285)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD11	7	2.64
(1,285)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD12	7	2.64
(1,285)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD13	7	2.64
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD11	6	2.63
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD12	6	2.63
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD13	6	2.63
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD21	6	2.63
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD22	6	2.63
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD23	6	2.63
(1,31)	1:340:A:TYR:HE1	1:390:A:MET:HE1	4	2.63
(1,31)	1:340:A:TYR:HE1	1:390:A:MET:HE2	4	2.63
(1,31)	1:340:A:TYR:HE1	1:390:A:MET:HE3	4	2.63
(1,703)	1:404:A:ARG:H	1:413:A:PHE:HD2	2	2.62
(1,1207)	1:347:A:ASP:HB2	1:350:A:TYR:HE2	9	2.61
(1,1207)	1:347:A:ASP:HB3	1:350:A:TYR:HE2	9	2.61
(1,31)	1:340:A:TYR:HE1	1:390:A:MET:HE1	2	2.61
(1,31)	1:340:A:TYR:HE1	1:390:A:MET:HE2	2	2.61
(1,31)	1:340:A:TYR:HE1	1:390:A:MET:HE3	2	2.61
(1,30)	1:387:A:TYR:HE2	1:390:A:MET:HE1	10	2.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,30)	1:387:A:TYR:HE2	1:390:A:MET:HE2	10	2.61
(1,30)	1:387:A:TYR:HE2	1:390:A:MET:HE3	10	2.61
(1,500)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HH2	9	2.6
(1,500)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HH2	9	2.6
(1,500)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HH2	9	2.6
(1,178)	1:412:A:LEU:HA	1:413:A:PHE:HE1	6	2.6
(1,28)	1:340:A:TYR:HD1	1:390:A:MET:HE1	10	2.6
(1,28)	1:340:A:TYR:HD1	1:390:A:MET:HE2	10	2.6
(1,28)	1:340:A:TYR:HD1	1:390:A:MET:HE3	10	2.6
(1,21)	1:354:A:ILE:HG21	1:355:A:ARG:HE	5	2.59
(1,21)	1:354:A:ILE:HG22	1:355:A:ARG:HE	5	2.59
(1,21)	1:354:A:ILE:HG23	1:355:A:ARG:HE	5	2.59
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD11	1	2.58
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD12	1	2.58
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD13	1	2.58
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD21	1	2.58
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD22	1	2.58
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD23	1	2.58
(1,1208)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HB	6	2.58
(1,1200)	1:393:A:ALA:HB1	1:397:A:TYR:HE2	2	2.58
(1,1200)	1:393:A:ALA:HB2	1:397:A:TYR:HE2	2	2.58
(1,1200)	1:393:A:ALA:HB3	1:397:A:TYR:HE2	2	2.58
(1,703)	1:404:A:ARG:H	1:413:A:PHE:HD2	1	2.58
(1,683)	1:405:A:LYS:H	1:413:A:PHE:HD2	5	2.58
(1,665)	1:366:A:ILE:H	1:413:A:PHE:HD1	6	2.58
(1,578)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG11	3	2.58
(1,578)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG12	3	2.58
(1,578)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG13	3	2.58
(1,1352)	1:349:A:ARG:HD2	1:350:A:TYR:HD2	2	2.57
(1,1352)	1:349:A:ARG:HD3	1:350:A:TYR:HD2	2	2.57
(1,1215)	1:340:A:TYR:HE1	1:376:A:TRP:HB3	4	2.57
(1,1167)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HB	6	2.57
(1,88)	1:370:A:ASN:HA	1:387:A:TYR:HB3	6	2.57
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD21	2	2.56
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD22	2	2.56
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD23	2	2.56
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD11	2	2.56
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD12	2	2.56
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD13	2	2.56
(1,578)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG11	4	2.56
(1,578)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG12	4	2.56
(1,578)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG13	4	2.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,500)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HH2	7	2.56
(1,500)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HH2	7	2.56
(1,500)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HH2	7	2.56
(1,474)	1:354:A:ILE:HG12	1:355:A:ARG:HE	3	2.56
(1,1212)	1:342:A:TYR:HE2	1:356:A:TRP:HZ2	6	2.55
(1,578)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG11	7	2.55
(1,578)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG12	7	2.55
(1,578)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG13	7	2.55
(1,542)	1:369:A:PRO:HA	1:411:A:LEU:HD21	6	2.54
(1,542)	1:369:A:PRO:HA	1:411:A:LEU:HD22	6	2.54
(1,542)	1:369:A:PRO:HA	1:411:A:LEU:HD23	6	2.54
(1,75)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:HG2	7	2.54
(1,75)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:HG3	7	2.54
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD11	2	2.53
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD12	2	2.53
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD13	2	2.53
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD21	2	2.53
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD22	2	2.53
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD23	2	2.53
(1,1208)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HB	1	2.53
(1,1170)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HA	2	2.53
(1,505)	1:412:A:LEU:HD11	1:413:A:PHE:HE1	1	2.53
(1,505)	1:412:A:LEU:HD12	1:413:A:PHE:HE1	1	2.53
(1,505)	1:412:A:LEU:HD13	1:413:A:PHE:HE1	1	2.53
(1,1215)	1:340:A:TYR:HE1	1:376:A:TRP:HB3	7	2.52
(1,1212)	1:342:A:TYR:HE2	1:356:A:TRP:HZ2	7	2.52
(1,1089)	1:340:A:TYR:HE1	1:376:A:TRP:H	4	2.52
(1,716)	1:349:A:ARG:H	1:350:A:TYR:HD2	3	2.52
(1,231)	1:340:A:TYR:HE1	1:376:A:TRP:HA	8	2.52
(1,75)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:HG2	4	2.52
(1,75)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:HG3	4	2.52
(1,665)	1:366:A:ILE:H	1:413:A:PHE:HD1	2	2.51
(1,1223)	1:372:A:LEU:HB3	1:387:A:TYR:HE2	8	2.5
(1,717)	1:349:A:ARG:H	1:350:A:TYR:HE2	8	2.5
(1,1215)	1:340:A:TYR:HE1	1:376:A:TRP:HB3	2	2.49
(1,717)	1:349:A:ARG:H	1:350:A:TYR:HE2	4	2.49
(1,474)	1:354:A:ILE:HG12	1:355:A:ARG:HE	2	2.49
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD11	3	2.48
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD12	3	2.48
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD13	3	2.48
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD21	3	2.48
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD22	3	2.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1279)	1:340:A:TYR:HE1	1:372:A:LEU:HD23	3	2.48
(1,1211)	1:349:A:ARG:HG2	1:350:A:TYR:HE2	9	2.48
(1,1211)	1:349:A:ARG:HG3	1:350:A:TYR:HE2	9	2.48
(1,1087)	1:340:A:TYR:HD1	1:376:A:TRP:H	4	2.48
(1,372)	1:373:A:ALA:HB1	1:387:A:TYR:HD2	6	2.48
(1,372)	1:373:A:ALA:HB2	1:387:A:TYR:HD2	6	2.48
(1,372)	1:373:A:ALA:HB3	1:387:A:TYR:HD2	6	2.48
(1,363)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HG21	3	2.48
(1,363)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HG22	3	2.48
(1,363)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HG23	3	2.48
(1,28)	1:340:A:TYR:HD1	1:390:A:MET:HE1	4	2.48
(1,28)	1:340:A:TYR:HD1	1:390:A:MET:HE2	4	2.48
(1,28)	1:340:A:TYR:HD1	1:390:A:MET:HE3	4	2.48
(1,1170)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HA	1	2.47
(1,1351)	1:349:A:ARG:HD2	1:350:A:TYR:HE2	6	2.46
(1,1351)	1:349:A:ARG:HD3	1:350:A:TYR:HE2	6	2.46
(1,1167)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HB	1	2.46
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD11	1:387:A:TYR:HE2	5	2.45
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD12	1:387:A:TYR:HE2	5	2.45
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD13	1:387:A:TYR:HE2	5	2.45
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD21	1:387:A:TYR:HE2	5	2.45
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD22	1:387:A:TYR:HE2	5	2.45
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD23	1:387:A:TYR:HE2	5	2.45
(1,1351)	1:349:A:ARG:HD2	1:350:A:TYR:HE2	7	2.45
(1,1351)	1:349:A:ARG:HD3	1:350:A:TYR:HE2	7	2.45
(1,1220)	1:369:A:PRO:HA	1:387:A:TYR:HE2	5	2.45
(1,1087)	1:340:A:TYR:HD1	1:376:A:TRP:H	6	2.45
(1,28)	1:340:A:TYR:HD1	1:390:A:MET:HE1	2	2.45
(1,28)	1:340:A:TYR:HD1	1:390:A:MET:HE2	2	2.45
(1,28)	1:340:A:TYR:HD1	1:390:A:MET:HE3	2	2.45
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD11	1:340:A:TYR:HD1	5	2.44
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD12	1:340:A:TYR:HD1	5	2.44
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD13	1:340:A:TYR:HD1	5	2.44
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD21	1:340:A:TYR:HD1	5	2.44
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD22	1:340:A:TYR:HD1	5	2.44
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD23	1:340:A:TYR:HD1	5	2.44
(1,1170)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HA	6	2.44
(1,591)	1:342:A:TYR:HE2	1:356:A:TRP:HE1	9	2.44
(1,1212)	1:342:A:TYR:HE2	1:356:A:TRP:HZ2	10	2.43
(1,1167)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HB	8	2.43
(1,717)	1:349:A:ARG:H	1:350:A:TYR:HE2	7	2.42
(1,1208)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HB	8	2.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1208)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HB	10	2.41
(1,638)	1:406:A:GLU:H	1:413:A:PHE:HD2	1	2.41
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HE	3	2.4
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HE	3	2.4
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HE	3	2.4
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HE	3	2.4
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HE	3	2.4
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HE	3	2.4
(1,1167)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HB	10	2.4
(1,1219)	1:366:A:ILE:HD11	1:387:A:TYR:HE2	4	2.39
(1,1219)	1:366:A:ILE:HD12	1:387:A:TYR:HE2	4	2.39
(1,1219)	1:366:A:ILE:HD13	1:387:A:TYR:HE2	4	2.39
(1,1201)	1:394:A:LEU:HG	1:397:A:TYR:HE2	2	2.39
(1,1215)	1:340:A:TYR:HE1	1:376:A:TRP:HB3	3	2.38
(1,578)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG11	9	2.38
(1,578)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG12	9	2.38
(1,578)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG13	9	2.38
(1,474)	1:354:A:ILE:HG12	1:355:A:ARG:HE	7	2.38
(1,29)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HE1	8	2.38
(1,29)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HE2	8	2.38
(1,29)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HE3	8	2.38
(1,1170)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HA	8	2.37
(1,1170)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HA	10	2.37
(1,1170)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HA	5	2.36
(1,1089)	1:340:A:TYR:HE1	1:376:A:TRP:H	7	2.36
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD11	8	2.35
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD12	8	2.35
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD13	8	2.35
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD21	8	2.35
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD22	8	2.35
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD23	8	2.35
(1,1352)	1:349:A:ARG:HD2	1:350:A:TYR:HD2	3	2.35
(1,1352)	1:349:A:ARG:HD3	1:350:A:TYR:HD2	3	2.35
(1,1159)	1:369:A:PRO:HA	1:387:A:TYR:HD2	7	2.35
(1,231)	1:340:A:TYR:HE1	1:376:A:TRP:HA	5	2.35
(1,178)	1:412:A:LEU:HA	1:413:A:PHE:HE1	9	2.35
(1,1208)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HB	7	2.34
(1,231)	1:340:A:TYR:HE1	1:376:A:TRP:HA	6	2.34
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD21	10	2.33
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD22	10	2.33
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD23	10	2.33
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD11	10	2.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD12	10	2.33
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD13	10	2.33
(1,1170)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HA	3	2.33
(1,1167)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HB	5	2.33
(1,1089)	1:340:A:TYR:HE1	1:376:A:TRP:H	10	2.33
(1,1167)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HB	7	2.32
(1,500)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HH2	6	2.32
(1,500)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HH2	6	2.32
(1,500)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HH2	6	2.32
(1,474)	1:354:A:ILE:HG12	1:355:A:ARG:HE	9	2.32
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG11	1	2.31
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG12	1	2.31
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG13	1	2.31
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG21	1	2.31
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG22	1	2.31
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG23	1	2.31
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG11	6	2.31
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG12	6	2.31
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG13	6	2.31
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG21	6	2.31
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG22	6	2.31
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG23	6	2.31
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG11	8	2.31
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG12	8	2.31
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG13	8	2.31
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG21	8	2.31
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG22	8	2.31
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG23	8	2.31
(1,1212)	1:342:A:TYR:HE2	1:356:A:TRP:HZ2	1	2.31
(1,1215)	1:340:A:TYR:HE1	1:376:A:TRP:HB3	10	2.3
(1,505)	1:412:A:LEU:HD11	1:413:A:PHE:HE1	5	2.29
(1,505)	1:412:A:LEU:HD12	1:413:A:PHE:HE1	5	2.29
(1,505)	1:412:A:LEU:HD13	1:413:A:PHE:HE1	5	2.29
(1,474)	1:354:A:ILE:HG12	1:355:A:ARG:HE	6	2.29
(1,424)	1:405:A:LYS:HA	1:413:A:PHE:HD2	4	2.28
(1,364)	1:403:A:ILE:HG21	1:413:A:PHE:HE2	4	2.27
(1,364)	1:403:A:ILE:HG22	1:413:A:PHE:HE2	4	2.27
(1,364)	1:403:A:ILE:HG23	1:413:A:PHE:HE2	4	2.27
(1,29)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HE1	3	2.27
(1,29)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HE2	3	2.27
(1,29)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HE3	3	2.27
(1,1208)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HB	5	2.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1159)	1:369:A:PRO:HA	1:387:A:TYR:HD2	5	2.26
(1,1211)	1:349:A:ARG:HG2	1:350:A:TYR:HE2	4	2.25
(1,1211)	1:349:A:ARG:HG3	1:350:A:TYR:HE2	4	2.25
(1,1200)	1:393:A:ALA:HB1	1:397:A:TYR:HE2	6	2.25
(1,1200)	1:393:A:ALA:HB2	1:397:A:TYR:HE2	6	2.25
(1,1200)	1:393:A:ALA:HB3	1:397:A:TYR:HE2	6	2.25
(1,1184)	1:405:A:LYS:HA	1:413:A:PHE:HE2	5	2.25
(1,424)	1:405:A:LYS:HA	1:413:A:PHE:HD2	10	2.25
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD11	1:387:A:TYR:HE2	10	2.24
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD12	1:387:A:TYR:HE2	10	2.24
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD13	1:387:A:TYR:HE2	10	2.24
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD21	1:387:A:TYR:HE2	10	2.24
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD22	1:387:A:TYR:HE2	10	2.24
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD23	1:387:A:TYR:HE2	10	2.24
(1,363)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HG21	6	2.24
(1,363)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HG22	6	2.24
(1,363)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HG23	6	2.24
(1,140)	1:347:A:ASP:HB3	1:350:A:TYR:HD2	3	2.24
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD11	4	2.23
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD12	4	2.23
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD13	4	2.23
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD21	4	2.23
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD22	4	2.23
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD23	4	2.23
(1,1219)	1:366:A:ILE:HD11	1:387:A:TYR:HE2	9	2.23
(1,1219)	1:366:A:ILE:HD12	1:387:A:TYR:HE2	9	2.23
(1,1219)	1:366:A:ILE:HD13	1:387:A:TYR:HE2	9	2.23
(1,1212)	1:342:A:TYR:HE2	1:356:A:TRP:HZ2	2	2.23
(1,1170)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HA	4	2.23
(1,591)	1:342:A:TYR:HE2	1:356:A:TRP:HE1	6	2.23
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG11	3	2.22
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG12	3	2.22
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG13	3	2.22
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG21	3	2.22
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG22	3	2.22
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG23	3	2.22
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD11	1:340:A:TYR:HD1	9	2.22
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD12	1:340:A:TYR:HD1	9	2.22
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD13	1:340:A:TYR:HD1	9	2.22
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD21	1:340:A:TYR:HD1	9	2.22
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD22	1:340:A:TYR:HD1	9	2.22
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD23	1:340:A:TYR:HD1	9	2.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1089)	1:340:A:TYR:HE1	1:376:A:TRP:H	2	2.22
(1,1087)	1:340:A:TYR:HD1	1:376:A:TRP:H	10	2.22
(1,665)	1:366:A:ILE:H	1:413:A:PHE:HD1	9	2.22
(1,638)	1:406:A:GLU:H	1:413:A:PHE:HD2	6	2.22
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HE	7	2.21
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HE	7	2.21
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HE	7	2.21
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HE	7	2.21
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HE	7	2.21
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HE	7	2.21
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG11	10	2.21
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG12	10	2.21
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG13	10	2.21
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG21	10	2.21
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG22	10	2.21
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG23	10	2.21
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD11	1:340:A:TYR:HD1	7	2.21
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD12	1:340:A:TYR:HD1	7	2.21
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD13	1:340:A:TYR:HD1	7	2.21
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD21	1:340:A:TYR:HD1	7	2.21
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD22	1:340:A:TYR:HD1	7	2.21
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD23	1:340:A:TYR:HD1	7	2.21
(1,1222)	1:366:A:ILE:HG12	1:387:A:TYR:HE2	6	2.21
(1,1222)	1:366:A:ILE:HG13	1:387:A:TYR:HE2	6	2.21
(1,1207)	1:347:A:ASP:HB2	1:350:A:TYR:HE2	1	2.21
(1,1207)	1:347:A:ASP:HB3	1:350:A:TYR:HE2	1	2.21
(1,1177)	1:397:A:TYR:HD1	1:402:A:ILE:HD11	6	2.21
(1,1177)	1:397:A:TYR:HD1	1:402:A:ILE:HD12	6	2.21
(1,1177)	1:397:A:TYR:HD1	1:402:A:ILE:HD13	6	2.21
(1,396)	1:366:A:ILE:HG21	1:387:A:TYR:HD2	2	2.21
(1,396)	1:366:A:ILE:HG22	1:387:A:TYR:HD2	2	2.21
(1,396)	1:366:A:ILE:HG23	1:387:A:TYR:HD2	2	2.21
(1,1170)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HA	7	2.2
(1,505)	1:412:A:LEU:HD11	1:413:A:PHE:HE1	9	2.2
(1,505)	1:412:A:LEU:HD12	1:413:A:PHE:HE1	9	2.2
(1,505)	1:412:A:LEU:HD13	1:413:A:PHE:HE1	9	2.2
(1,285)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD11	4	2.2
(1,285)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD12	4	2.2
(1,285)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD13	4	2.2
(1,1212)	1:342:A:TYR:HE2	1:356:A:TRP:HZ2	8	2.19
(1,178)	1:412:A:LEU:HA	1:413:A:PHE:HE1	4	2.19
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD11	1:387:A:TYR:HE2	3	2.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD12	1:387:A:TYR:HE2	3	2.18
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD13	1:387:A:TYR:HE2	3	2.18
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD21	1:387:A:TYR:HE2	3	2.18
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD22	1:387:A:TYR:HE2	3	2.18
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD23	1:387:A:TYR:HE2	3	2.18
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG11	2	2.18
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG12	2	2.18
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG13	2	2.18
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG21	2	2.18
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG22	2	2.18
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG23	2	2.18
(1,1087)	1:340:A:TYR:HD1	1:376:A:TRP:H	7	2.18
(1,75)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:HG2	10	2.18
(1,75)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:HG3	10	2.18
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD11	1:340:A:TYR:HD1	3	2.16
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD12	1:340:A:TYR:HD1	3	2.16
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD13	1:340:A:TYR:HD1	3	2.16
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD21	1:340:A:TYR:HD1	3	2.16
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD22	1:340:A:TYR:HD1	3	2.16
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD23	1:340:A:TYR:HD1	3	2.16
(1,1089)	1:340:A:TYR:HE1	1:376:A:TRP:H	3	2.16
(1,591)	1:342:A:TYR:HE2	1:356:A:TRP:HE1	1	2.16
(1,363)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HG21	10	2.16
(1,363)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HG22	10	2.16
(1,363)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HG23	10	2.16
(1,259)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:HA	8	2.16
(1,638)	1:406:A:GLU:H	1:413:A:PHE:HD2	9	2.15
(1,500)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HH2	1	2.15
(1,500)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HH2	1	2.15
(1,500)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HH2	1	2.15
(1,665)	1:366:A:ILE:H	1:413:A:PHE:HD1	10	2.14
(1,285)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD11	9	2.14
(1,285)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD12	9	2.14
(1,285)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD13	9	2.14
(1,1349)	1:349:A:ARG:HB2	1:350:A:TYR:HD2	1	2.13
(1,1349)	1:349:A:ARG:HB3	1:350:A:TYR:HD2	1	2.13
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HE	8	2.13
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HE	8	2.13
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HE	8	2.13
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HE	8	2.13
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HE	8	2.13
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HE	8	2.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1211)	1:349:A:ARG:HG2	1:350:A:TYR:HE2	1	2.13
(1,1211)	1:349:A:ARG:HG3	1:350:A:TYR:HE2	1	2.13
(1,1151)	1:340:A:TYR:HD2	1:379:A:HIS:HE1	7	2.13
(1,435)	1:370:A:ASN:HA	1:387:A:TYR:HB2	6	2.13
(1,1211)	1:349:A:ARG:HG2	1:350:A:TYR:HE2	8	2.12
(1,1211)	1:349:A:ARG:HG3	1:350:A:TYR:HE2	8	2.12
(1,1168)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG21	3	2.12
(1,1168)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG22	3	2.12
(1,1168)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG23	3	2.12
(1,665)	1:366:A:ILE:H	1:413:A:PHE:HD1	4	2.12
(1,75)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:HG2	1	2.12
(1,75)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:HG3	1	2.12
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD11	10	2.11
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD12	10	2.11
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD13	10	2.11
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD21	10	2.11
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD22	10	2.11
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD23	10	2.11
(1,1220)	1:369:A:PRO:HA	1:387:A:TYR:HE2	3	2.11
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD21	1	2.11
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD22	1	2.11
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD23	1	2.11
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD11	1	2.11
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD12	1	2.11
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD13	1	2.11
(1,542)	1:369:A:PRO:HA	1:411:A:LEU:HD21	4	2.11
(1,542)	1:369:A:PRO:HA	1:411:A:LEU:HD22	4	2.11
(1,542)	1:369:A:PRO:HA	1:411:A:LEU:HD23	4	2.11
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG11	5	2.1
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG12	5	2.1
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG13	5	2.1
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG21	5	2.1
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG22	5	2.1
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG23	5	2.1
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD11	1:340:A:TYR:HD1	1	2.1
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD12	1:340:A:TYR:HD1	1	2.1
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD13	1:340:A:TYR:HD1	1	2.1
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD21	1:340:A:TYR:HD1	1	2.1
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD22	1:340:A:TYR:HD1	1	2.1
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD23	1:340:A:TYR:HD1	1	2.1
(1,665)	1:366:A:ILE:H	1:413:A:PHE:HD1	1	2.1
(1,75)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:HG2	5	2.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,75)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:HG3	5	2.1
(1,75)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:HG2	6	2.1
(1,75)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:HG3	6	2.1
(1,1352)	1:349:A:ARG:HD2	1:350:A:TYR:HD2	4	2.09
(1,1352)	1:349:A:ARG:HD3	1:350:A:TYR:HD2	4	2.09
(1,1351)	1:349:A:ARG:HD2	1:350:A:TYR:HE2	3	2.09
(1,1351)	1:349:A:ARG:HD3	1:350:A:TYR:HE2	3	2.09
(1,1349)	1:349:A:ARG:HB2	1:350:A:TYR:HD2	9	2.09
(1,1349)	1:349:A:ARG:HB3	1:350:A:TYR:HD2	9	2.09
(1,1211)	1:349:A:ARG:HG2	1:350:A:TYR:HE2	10	2.09
(1,1211)	1:349:A:ARG:HG3	1:350:A:TYR:HE2	10	2.09
(1,504)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD21	5	2.09
(1,504)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD22	5	2.09
(1,504)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD23	5	2.09
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG11	7	2.08
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG12	7	2.08
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG13	7	2.08
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG21	7	2.08
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG22	7	2.08
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG23	7	2.08
(1,1157)	1:349:A:ARG:HG2	1:350:A:TYR:HD2	9	2.08
(1,1157)	1:349:A:ARG:HG3	1:350:A:TYR:HD2	9	2.08
(1,1349)	1:349:A:ARG:HB2	1:350:A:TYR:HD2	4	2.07
(1,1349)	1:349:A:ARG:HB3	1:350:A:TYR:HD2	4	2.07
(1,1349)	1:349:A:ARG:HB2	1:350:A:TYR:HD2	8	2.07
(1,1349)	1:349:A:ARG:HB3	1:350:A:TYR:HD2	8	2.07
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HE	2	2.07
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HE	2	2.07
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HE	2	2.07
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HE	2	2.07
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HE	2	2.07
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HE	2	2.07
(1,717)	1:349:A:ARG:H	1:350:A:TYR:HE2	3	2.07
(1,506)	1:365:A:ARG:HD3	1:412:A:LEU:HD21	7	2.07
(1,506)	1:365:A:ARG:HD3	1:412:A:LEU:HD22	7	2.07
(1,506)	1:365:A:ARG:HD3	1:412:A:LEU:HD23	7	2.07
(1,504)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD21	8	2.07
(1,504)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD22	8	2.07
(1,504)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD23	8	2.07
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD11	6	2.06
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD12	6	2.06
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD13	6	2.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD21	6	2.06
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD22	6	2.06
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD23	6	2.06
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG11	4	2.06
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG12	4	2.06
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG13	4	2.06
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG21	4	2.06
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG22	4	2.06
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG23	4	2.06
(1,424)	1:405:A:LYS:HA	1:413:A:PHE:HD2	6	2.06
(1,1219)	1:366:A:ILE:HD11	1:387:A:TYR:HE2	5	2.05
(1,1219)	1:366:A:ILE:HD12	1:387:A:TYR:HE2	5	2.05
(1,1219)	1:366:A:ILE:HD13	1:387:A:TYR:HE2	5	2.05
(1,549)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD21	5	2.05
(1,549)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD22	5	2.05
(1,549)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD23	5	2.05
(1,496)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD11	8	2.05
(1,496)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD12	8	2.05
(1,496)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD13	8	2.05
(1,363)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HG21	5	2.05
(1,363)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HG22	5	2.05
(1,363)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HG23	5	2.05
(1,30)	1:387:A:TYR:HE2	1:390:A:MET:HE1	8	2.05
(1,30)	1:387:A:TYR:HE2	1:390:A:MET:HE2	8	2.05
(1,30)	1:387:A:TYR:HE2	1:390:A:MET:HE3	8	2.05
(1,363)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HG21	1	2.04
(1,363)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HG22	1	2.04
(1,363)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HG23	1	2.04
(1,259)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:HA	5	2.04
(1,231)	1:340:A:TYR:HE1	1:376:A:TRP:HA	1	2.04
(1,30)	1:387:A:TYR:HE2	1:390:A:MET:HE1	3	2.04
(1,30)	1:387:A:TYR:HE2	1:390:A:MET:HE2	3	2.04
(1,30)	1:387:A:TYR:HE2	1:390:A:MET:HE3	3	2.04
(1,1206)	1:397:A:TYR:HB2	1:398:A:TYR:HE2	1	2.03
(1,1168)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG21	6	2.03
(1,1168)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG22	6	2.03
(1,1168)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG23	6	2.03
(1,354)	1:341:A:VAL:HA	1:344:A:LEU:HG	3	2.03
(1,259)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:HA	6	2.03
(1,1349)	1:349:A:ARG:HB2	1:350:A:TYR:HD2	10	2.02
(1,1349)	1:349:A:ARG:HB3	1:350:A:TYR:HD2	10	2.02
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD11	3	2.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD12	3	2.02
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD13	3	2.02
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD21	3	2.02
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD22	3	2.02
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD23	3	2.02
(1,397)	1:366:A:ILE:HG21	1:387:A:TYR:HE2	2	2.01
(1,397)	1:366:A:ILE:HG22	1:387:A:TYR:HE2	2	2.01
(1,397)	1:366:A:ILE:HG23	1:387:A:TYR:HE2	2	2.01
(1,75)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:HG2	8	2.01
(1,75)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:HG3	8	2.01
(1,1087)	1:340:A:TYR:HD1	1:376:A:TRP:H	3	2.0
(1,665)	1:366:A:ILE:H	1:413:A:PHE:HD1	5	2.0
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HE	9	1.99
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HE	9	1.99
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HE	9	1.99
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HE	9	1.99
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HE	9	1.99
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HE	9	1.99
(1,1206)	1:397:A:TYR:HB2	1:398:A:TYR:HE2	3	1.99
(1,1170)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HA	9	1.99
(1,638)	1:406:A:GLU:H	1:413:A:PHE:HD2	2	1.98
(1,1206)	1:397:A:TYR:HB2	1:398:A:TYR:HE2	7	1.97
(1,1168)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG21	5	1.97
(1,1168)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG22	5	1.97
(1,1168)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG23	5	1.97
(1,259)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:HA	10	1.97
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD11	2	1.96
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD12	2	1.96
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD13	2	1.96
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD21	2	1.96
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD22	2	1.96
(1,1277)	1:340:A:TYR:HD1	1:372:A:LEU:HD23	2	1.96
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG11	9	1.96
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG12	9	1.96
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG13	9	1.96
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG21	9	1.96
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG22	9	1.96
(1,1275)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG23	9	1.96
(1,1220)	1:369:A:PRO:HA	1:387:A:TYR:HE2	9	1.96
(1,546)	1:336:A:LEU:HD11	1:338:A:TRP:HH2	5	1.96
(1,546)	1:336:A:LEU:HD12	1:338:A:TRP:HH2	5	1.96
(1,546)	1:336:A:LEU:HD13	1:338:A:TRP:HH2	5	1.96

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,270)	1:366:A:ILE:HD11	1:413:A:PHE:HZ	10	1.96
(1,270)	1:366:A:ILE:HD12	1:413:A:PHE:HZ	10	1.96
(1,270)	1:366:A:ILE:HD13	1:413:A:PHE:HZ	10	1.96
(1,146)	1:355:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HD2	5	1.96
(1,1206)	1:397:A:TYR:HB2	1:398:A:TYR:HE2	5	1.95
(1,1203)	1:394:A:LEU:HA	1:397:A:TYR:HE2	6	1.95
(1,591)	1:342:A:TYR:HE2	1:356:A:TRP:HE1	8	1.95
(1,424)	1:405:A:LYS:HA	1:413:A:PHE:HD2	9	1.95
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD11	1:338:A:TRP:HH2	8	1.94
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD12	1:338:A:TRP:HH2	8	1.94
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD13	1:338:A:TRP:HH2	8	1.94
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HH2	8	1.94
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HH2	8	1.94
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HH2	8	1.94
(1,1349)	1:349:A:ARG:HB2	1:350:A:TYR:HD2	2	1.93
(1,1349)	1:349:A:ARG:HB3	1:350:A:TYR:HD2	2	1.93
(1,1152)	1:340:A:TYR:HE2	1:379:A:HIS:HE1	10	1.93
(1,363)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HG21	8	1.93
(1,363)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HG22	8	1.93
(1,363)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HG23	8	1.93
(1,75)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:HG2	9	1.93
(1,75)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:HG3	9	1.93
(1,1477)	1:397:A:TYR:HD1	1:400:A:LEU:HD11	6	1.91
(1,1477)	1:397:A:TYR:HD1	1:400:A:LEU:HD12	6	1.91
(1,1477)	1:397:A:TYR:HD1	1:400:A:LEU:HD13	6	1.91
(1,1477)	1:397:A:TYR:HD1	1:400:A:LEU:HD21	6	1.91
(1,1477)	1:397:A:TYR:HD1	1:400:A:LEU:HD22	6	1.91
(1,1477)	1:397:A:TYR:HD1	1:400:A:LEU:HD23	6	1.91
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HE	10	1.91
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HE	10	1.91
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HE	10	1.91
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HE	10	1.91
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HE	10	1.91
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HE	10	1.91
(1,1220)	1:369:A:PRO:HA	1:387:A:TYR:HE2	4	1.91
(1,1211)	1:349:A:ARG:HG2	1:350:A:TYR:HE2	2	1.91
(1,1211)	1:349:A:ARG:HG3	1:350:A:TYR:HE2	2	1.91
(1,1151)	1:340:A:TYR:HD2	1:379:A:HIS:HE1	6	1.91
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD11	1	1.9
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD12	1	1.9
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD13	1	1.9
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD21	1	1.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD22	1	1.9
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD23	1	1.9
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD11	1	1.9
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD12	1	1.9
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD13	1	1.9
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD21	1	1.9
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD22	1	1.9
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD23	1	1.9
(1,1206)	1:397:A:TYR:HB2	1:398:A:TYR:HE2	10	1.9
(1,1168)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG21	10	1.9
(1,1168)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG22	10	1.9
(1,1168)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG23	10	1.9
(1,1159)	1:369:A:PRO:HA	1:387:A:TYR:HD2	3	1.9
(1,1159)	1:369:A:PRO:HA	1:387:A:TYR:HD2	1	1.89
(1,364)	1:403:A:ILE:HG21	1:413:A:PHE:HE2	10	1.89
(1,364)	1:403:A:ILE:HG22	1:413:A:PHE:HE2	10	1.89
(1,364)	1:403:A:ILE:HG23	1:413:A:PHE:HE2	10	1.89
(1,121)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HB2	9	1.89
(1,121)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HB3	9	1.89
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD21	8	1.88
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD22	8	1.88
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD23	8	1.88
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD11	8	1.88
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD12	8	1.88
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD13	8	1.88
(1,372)	1:373:A:ALA:HB1	1:387:A:TYR:HD2	7	1.88
(1,372)	1:373:A:ALA:HB2	1:387:A:TYR:HD2	7	1.88
(1,372)	1:373:A:ALA:HB3	1:387:A:TYR:HD2	7	1.88
(1,146)	1:355:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HD2	3	1.88
(1,424)	1:405:A:LYS:HA	1:413:A:PHE:HD2	1	1.86
(1,259)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:HA	4	1.86
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD11	1:338:A:TRP:HH2	2	1.85
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD12	1:338:A:TRP:HH2	2	1.85
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD13	1:338:A:TRP:HH2	2	1.85
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HH2	2	1.85
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HH2	2	1.85
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HH2	2	1.85
(1,1206)	1:397:A:TYR:HB2	1:398:A:TYR:HE2	6	1.85
(1,1173)	1:394:A:LEU:HA	1:397:A:TYR:HD2	6	1.85
(1,259)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:HA	3	1.85
(1,363)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HG21	7	1.84
(1,363)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HG22	7	1.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,363)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HG23	7	1.84
(1,259)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:HA	7	1.84
(1,546)	1:336:A:LEU:HD11	1:338:A:TRP:HH2	2	1.83
(1,546)	1:336:A:LEU:HD12	1:338:A:TRP:HH2	2	1.83
(1,546)	1:336:A:LEU:HD13	1:338:A:TRP:HH2	2	1.83
(1,1212)	1:342:A:TYR:HE2	1:356:A:TRP:HZ2	4	1.82
(1,406)	1:397:A:TYR:HD1	1:402:A:ILE:HG21	6	1.82
(1,406)	1:397:A:TYR:HD1	1:402:A:ILE:HG22	6	1.82
(1,406)	1:397:A:TYR:HD1	1:402:A:ILE:HG23	6	1.82
(1,1351)	1:349:A:ARG:HD2	1:350:A:TYR:HE2	4	1.81
(1,1351)	1:349:A:ARG:HD3	1:350:A:TYR:HE2	4	1.81
(1,1168)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG21	8	1.81
(1,1168)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG22	8	1.81
(1,1168)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG23	8	1.81
(1,1167)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HB	4	1.81
(1,1087)	1:340:A:TYR:HD1	1:376:A:TRP:H	2	1.81
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD11	1:340:A:TYR:HD1	4	1.8
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD12	1:340:A:TYR:HD1	4	1.8
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD13	1:340:A:TYR:HD1	4	1.8
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD21	1:340:A:TYR:HD1	4	1.8
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD22	1:340:A:TYR:HD1	4	1.8
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD23	1:340:A:TYR:HD1	4	1.8
(1,1168)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG21	1	1.8
(1,1168)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG22	1	1.8
(1,1168)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG23	1	1.8
(1,21)	1:354:A:ILE:HG21	1:355:A:ARG:HE	6	1.8
(1,21)	1:354:A:ILE:HG22	1:355:A:ARG:HE	6	1.8
(1,21)	1:354:A:ILE:HG23	1:355:A:ARG:HE	6	1.8
(1,496)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD11	5	1.79
(1,496)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD12	5	1.79
(1,496)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD13	5	1.79
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD11	10	1.78
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD12	10	1.78
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD13	10	1.78
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD21	10	1.78
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD22	10	1.78
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD23	10	1.78
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HE	1	1.78
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HE	1	1.78
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HE	1	1.78
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HE	1	1.78
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HE	1	1.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HE	1	1.78
(1,1198)	1:396:A:HIS:HD2	1:397:A:TYR:HA	6	1.78
(1,1208)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HB	9	1.77
(1,633)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:H	10	1.77
(1,633)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:H	10	1.77
(1,424)	1:405:A:LYS:HA	1:413:A:PHE:HD2	2	1.77
(1,140)	1:347:A:ASP:HB3	1:350:A:TYR:HD2	7	1.77
(1,633)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:H	7	1.76
(1,633)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:H	7	1.76
(1,504)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD21	9	1.76
(1,504)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD22	9	1.76
(1,504)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD23	9	1.76
(1,500)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HH2	2	1.76
(1,500)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HH2	2	1.76
(1,500)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HH2	2	1.76
(1,270)	1:366:A:ILE:HD11	1:413:A:PHE:HZ	1	1.76
(1,270)	1:366:A:ILE:HD12	1:413:A:PHE:HZ	1	1.76
(1,270)	1:366:A:ILE:HD13	1:413:A:PHE:HZ	1	1.76
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD11	8	1.75
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD12	8	1.75
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD13	8	1.75
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD21	8	1.75
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD22	8	1.75
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD23	8	1.75
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD11	1:387:A:TYR:HE2	8	1.75
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD12	1:387:A:TYR:HE2	8	1.75
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD13	1:387:A:TYR:HE2	8	1.75
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD21	1:387:A:TYR:HE2	8	1.75
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD22	1:387:A:TYR:HE2	8	1.75
(1,1415)	1:372:A:LEU:HD23	1:387:A:TYR:HE2	8	1.75
(1,1177)	1:397:A:TYR:HD1	1:402:A:ILE:HD11	2	1.75
(1,1177)	1:397:A:TYR:HD1	1:402:A:ILE:HD12	2	1.75
(1,1177)	1:397:A:TYR:HD1	1:402:A:ILE:HD13	2	1.75
(1,1167)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HB	9	1.75
(1,504)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD21	1	1.75
(1,504)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD22	1	1.75
(1,504)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD23	1	1.75
(1,1349)	1:349:A:ARG:HB2	1:350:A:TYR:HD2	6	1.74
(1,1349)	1:349:A:ARG:HB3	1:350:A:TYR:HD2	6	1.74
(1,1168)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG21	7	1.73
(1,1168)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG22	7	1.73
(1,1168)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG23	7	1.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,935)	1:350:A:TYR:H	1:350:A:TYR:HD2	1	1.73
(1,935)	1:350:A:TYR:H	1:350:A:TYR:HD2	2	1.73
(1,324)	1:346:A:SER:H	1:354:A:ILE:HD11	4	1.72
(1,324)	1:346:A:SER:H	1:354:A:ILE:HD12	4	1.72
(1,324)	1:346:A:SER:H	1:354:A:ILE:HD13	4	1.72
(1,324)	1:346:A:SER:H	1:354:A:ILE:HD11	5	1.72
(1,324)	1:346:A:SER:H	1:354:A:ILE:HD12	5	1.72
(1,324)	1:346:A:SER:H	1:354:A:ILE:HD13	5	1.72
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD11	3	1.71
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD12	3	1.71
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD13	3	1.71
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD21	3	1.71
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD22	3	1.71
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD23	3	1.71
(1,869)	1:391:A:SER:H	1:394:A:LEU:HG	4	1.71
(1,542)	1:369:A:PRO:HA	1:411:A:LEU:HD21	1	1.71
(1,542)	1:369:A:PRO:HA	1:411:A:LEU:HD22	1	1.71
(1,542)	1:369:A:PRO:HA	1:411:A:LEU:HD23	1	1.71
(1,360)	1:403:A:ILE:HG21	1:413:A:PHE:HD2	4	1.71
(1,360)	1:403:A:ILE:HG22	1:413:A:PHE:HD2	4	1.71
(1,360)	1:403:A:ILE:HG23	1:413:A:PHE:HD2	4	1.71
(1,287)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD11	3	1.71
(1,287)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD12	3	1.71
(1,287)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD13	3	1.71
(1,277)	1:365:A:ARG:HD3	1:366:A:ILE:HD11	3	1.71
(1,277)	1:365:A:ARG:HD3	1:366:A:ILE:HD12	3	1.71
(1,277)	1:365:A:ARG:HD3	1:366:A:ILE:HD13	3	1.71
(1,259)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:HA	9	1.71
(1,1349)	1:349:A:ARG:HB2	1:350:A:TYR:HD2	3	1.7
(1,1349)	1:349:A:ARG:HB3	1:350:A:TYR:HD2	3	1.7
(1,1152)	1:340:A:TYR:HE2	1:379:A:HIS:HE1	8	1.7
(1,591)	1:342:A:TYR:HE2	1:356:A:TRP:HE1	2	1.7
(1,259)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:HA	2	1.7
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD11	9	1.69
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD12	9	1.69
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD13	9	1.69
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD21	9	1.69
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD22	9	1.69
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD23	9	1.69
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD11	1:350:A:TYR:HE1	7	1.69
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD12	1:350:A:TYR:HE1	7	1.69
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD13	1:350:A:TYR:HE1	7	1.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD21	1:350:A:TYR:HE1	7	1.69
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD22	1:350:A:TYR:HE1	7	1.69
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD23	1:350:A:TYR:HE1	7	1.69
(1,1208)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HB	4	1.69
(1,1173)	1:394:A:LEU:HA	1:397:A:TYR:HD2	2	1.69
(1,1206)	1:397:A:TYR:HB2	1:398:A:TYR:HE2	8	1.68
(1,935)	1:350:A:TYR:H	1:350:A:TYR:HD2	9	1.68
(1,270)	1:366:A:ILE:HD11	1:413:A:PHE:HZ	4	1.68
(1,270)	1:366:A:ILE:HD12	1:413:A:PHE:HZ	4	1.68
(1,270)	1:366:A:ILE:HD13	1:413:A:PHE:HZ	4	1.68
(1,259)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:HA	1	1.68
(1,1349)	1:349:A:ARG:HB2	1:350:A:TYR:HD2	7	1.67
(1,1349)	1:349:A:ARG:HB3	1:350:A:TYR:HD2	7	1.67
(1,1198)	1:396:A:HIS:HD2	1:397:A:TYR:HA	2	1.67
(1,397)	1:366:A:ILE:HG21	1:387:A:TYR:HE2	1	1.67
(1,397)	1:366:A:ILE:HG22	1:387:A:TYR:HE2	1	1.67
(1,397)	1:366:A:ILE:HG23	1:387:A:TYR:HE2	1	1.67
(1,146)	1:355:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HD2	7	1.67
(1,1468)	1:394:A:LEU:HD11	1:397:A:TYR:HE2	6	1.66
(1,1468)	1:394:A:LEU:HD12	1:397:A:TYR:HE2	6	1.66
(1,1468)	1:394:A:LEU:HD13	1:397:A:TYR:HE2	6	1.66
(1,1468)	1:394:A:LEU:HD21	1:397:A:TYR:HE2	6	1.66
(1,1468)	1:394:A:LEU:HD22	1:397:A:TYR:HE2	6	1.66
(1,1468)	1:394:A:LEU:HD23	1:397:A:TYR:HE2	6	1.66
(1,1186)	1:356:A:TRP:HD1	1:359:A:LYS:HE2	10	1.66
(1,1186)	1:356:A:TRP:HD1	1:359:A:LYS:HE3	10	1.66
(1,270)	1:366:A:ILE:HD11	1:413:A:PHE:HZ	6	1.66
(1,270)	1:366:A:ILE:HD12	1:413:A:PHE:HZ	6	1.66
(1,270)	1:366:A:ILE:HD13	1:413:A:PHE:HZ	6	1.66
(1,1435)	1:376:A:TRP:HH2	1:380:A:LYS:HE2	5	1.65
(1,1435)	1:376:A:TRP:HH2	1:380:A:LYS:HE3	5	1.65
(1,1159)	1:369:A:PRO:HA	1:387:A:TYR:HD2	4	1.65
(1,1152)	1:340:A:TYR:HE2	1:379:A:HIS:HE1	9	1.65
(1,633)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:H	1	1.65
(1,633)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:H	1	1.65
(1,474)	1:354:A:ILE:HG12	1:355:A:ARG:HE	1	1.65
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HD2	8	1.62
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HD3	8	1.62
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HD2	8	1.62
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HD3	8	1.62
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HD2	8	1.62
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HD3	8	1.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HD2	8	1.62
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HD3	8	1.62
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HD2	8	1.62
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HD3	8	1.62
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HD2	8	1.62
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HD3	8	1.62
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD11	1:350:A:TYR:HE1	6	1.62
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD12	1:350:A:TYR:HE1	6	1.62
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD13	1:350:A:TYR:HE1	6	1.62
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD21	1:350:A:TYR:HE1	6	1.62
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD22	1:350:A:TYR:HE1	6	1.62
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD23	1:350:A:TYR:HE1	6	1.62
(1,1192)	1:376:A:TRP:HH2	1:380:A:LYS:HD2	7	1.62
(1,1192)	1:376:A:TRP:HH2	1:380:A:LYS:HD3	7	1.62
(1,496)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD11	9	1.62
(1,496)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD12	9	1.62
(1,496)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD13	9	1.62
(1,372)	1:373:A:ALA:HB1	1:387:A:TYR:HD2	1	1.62
(1,372)	1:373:A:ALA:HB2	1:387:A:TYR:HD2	1	1.62
(1,372)	1:373:A:ALA:HB3	1:387:A:TYR:HD2	1	1.62
(1,270)	1:366:A:ILE:HD11	1:413:A:PHE:HZ	9	1.62
(1,270)	1:366:A:ILE:HD12	1:413:A:PHE:HZ	9	1.62
(1,270)	1:366:A:ILE:HD13	1:413:A:PHE:HZ	9	1.62
(1,935)	1:350:A:TYR:H	1:350:A:TYR:HD2	10	1.61
(1,663)	1:357:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD21	1	1.61
(1,663)	1:357:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD22	1	1.61
(1,663)	1:357:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD23	1	1.61
(1,663)	1:357:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD21	8	1.61
(1,663)	1:357:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD22	8	1.61
(1,663)	1:357:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD23	8	1.61
(1,277)	1:365:A:ARG:HD3	1:366:A:ILE:HD11	10	1.61
(1,277)	1:365:A:ARG:HD3	1:366:A:ILE:HD12	10	1.61
(1,277)	1:365:A:ARG:HD3	1:366:A:ILE:HD13	10	1.61
(1,1220)	1:369:A:PRO:HA	1:387:A:TYR:HE2	8	1.6
(1,1201)	1:394:A:LEU:HG	1:397:A:TYR:HE2	1	1.6
(1,633)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:H	2	1.6
(1,633)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:H	2	1.6
(1,633)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:H	4	1.6
(1,633)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:H	4	1.6
(1,633)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:H	5	1.6
(1,633)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:H	5	1.6
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD11	1:340:A:TYR:HD1	8	1.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD12	1:340:A:TYR:HD1	8	1.59
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD13	1:340:A:TYR:HD1	8	1.59
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD21	1:340:A:TYR:HD1	8	1.59
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD22	1:340:A:TYR:HD1	8	1.59
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD23	1:340:A:TYR:HD1	8	1.59
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD11	5	1.58
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD12	5	1.58
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD13	5	1.58
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD21	5	1.58
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD22	5	1.58
(1,1353)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD23	5	1.58
(1,1198)	1:396:A:HIS:HD2	1:397:A:TYR:HA	9	1.58
(1,1157)	1:349:A:ARG:HG2	1:350:A:TYR:HD2	4	1.58
(1,1157)	1:349:A:ARG:HG3	1:350:A:TYR:HD2	4	1.58
(1,933)	1:350:A:TYR:H	1:350:A:TYR:HE2	1	1.58
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HD2	9	1.57
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HD3	9	1.57
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HD2	9	1.57
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HD3	9	1.57
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HD2	9	1.57
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HD3	9	1.57
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HD2	9	1.57
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HD3	9	1.57
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HD2	9	1.57
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HD3	9	1.57
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HD2	9	1.57
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HD3	9	1.57
(1,1211)	1:349:A:ARG:HG2	1:350:A:TYR:HE2	6	1.57
(1,1211)	1:349:A:ARG:HG3	1:350:A:TYR:HE2	6	1.57
(1,1201)	1:394:A:LEU:HG	1:397:A:TYR:HE2	9	1.57
(1,933)	1:350:A:TYR:H	1:350:A:TYR:HE2	2	1.57
(1,505)	1:412:A:LEU:HD11	1:413:A:PHE:HE1	2	1.57
(1,505)	1:412:A:LEU:HD12	1:413:A:PHE:HE1	2	1.57
(1,505)	1:412:A:LEU:HD13	1:413:A:PHE:HE1	2	1.57
(1,279)	1:363:A:ILE:HD11	1:412:A:LEU:HD11	7	1.57
(1,279)	1:363:A:ILE:HD11	1:412:A:LEU:HD12	7	1.57
(1,279)	1:363:A:ILE:HD11	1:412:A:LEU:HD13	7	1.57
(1,279)	1:363:A:ILE:HD12	1:412:A:LEU:HD11	7	1.57
(1,279)	1:363:A:ILE:HD12	1:412:A:LEU:HD12	7	1.57
(1,279)	1:363:A:ILE:HD12	1:412:A:LEU:HD13	7	1.57
(1,279)	1:363:A:ILE:HD13	1:412:A:LEU:HD11	7	1.57
(1,279)	1:363:A:ILE:HD13	1:412:A:LEU:HD12	7	1.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,279)	1:363:A:ILE:HD13	1:412:A:LEU:HD13	7	1.57
(1,152)	1:354:A:ILE:H	1:355:A:ARG:HD2	3	1.57
(1,152)	1:354:A:ILE:H	1:355:A:ARG:HD3	3	1.57
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD11	1:338:A:TRP:HH2	3	1.56
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD12	1:338:A:TRP:HH2	3	1.56
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD13	1:338:A:TRP:HH2	3	1.56
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HH2	3	1.56
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HH2	3	1.56
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HH2	3	1.56
(1,605)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HG2	4	1.56
(1,605)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HG3	4	1.56
(1,505)	1:412:A:LEU:HD11	1:413:A:PHE:HE1	10	1.55
(1,505)	1:412:A:LEU:HD12	1:413:A:PHE:HE1	10	1.55
(1,505)	1:412:A:LEU:HD13	1:413:A:PHE:HE1	10	1.55
(1,396)	1:366:A:ILE:HG21	1:387:A:TYR:HD2	10	1.55
(1,396)	1:366:A:ILE:HG22	1:387:A:TYR:HD2	10	1.55
(1,396)	1:366:A:ILE:HG23	1:387:A:TYR:HD2	10	1.55
(1,364)	1:403:A:ILE:HG21	1:413:A:PHE:HE2	6	1.55
(1,364)	1:403:A:ILE:HG22	1:413:A:PHE:HE2	6	1.55
(1,364)	1:403:A:ILE:HG23	1:413:A:PHE:HE2	6	1.55
(1,1220)	1:369:A:PRO:HA	1:387:A:TYR:HE2	10	1.54
(1,605)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HG2	7	1.54
(1,605)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HG3	7	1.54
(1,539)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD21	6	1.54
(1,539)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD22	6	1.54
(1,539)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD23	6	1.54
(1,277)	1:365:A:ARG:HD3	1:366:A:ILE:HD11	7	1.54
(1,277)	1:365:A:ARG:HD3	1:366:A:ILE:HD12	7	1.54
(1,277)	1:365:A:ARG:HD3	1:366:A:ILE:HD13	7	1.54
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD11	10	1.53
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD12	10	1.53
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD13	10	1.53
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD21	10	1.53
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD22	10	1.53
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD23	10	1.53
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD11	1:340:A:TYR:HD1	10	1.53
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD12	1:340:A:TYR:HD1	10	1.53
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD13	1:340:A:TYR:HD1	10	1.53
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD21	1:340:A:TYR:HD1	10	1.53
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD22	1:340:A:TYR:HD1	10	1.53
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD23	1:340:A:TYR:HD1	10	1.53
(1,1222)	1:366:A:ILE:HG12	1:387:A:TYR:HE2	2	1.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1222)	1:366:A:ILE:HG13	1:387:A:TYR:HE2	2	1.53
(1,372)	1:373:A:ALA:HB1	1:387:A:TYR:HD2	2	1.53
(1,372)	1:373:A:ALA:HB2	1:387:A:TYR:HD2	2	1.53
(1,372)	1:373:A:ALA:HB3	1:387:A:TYR:HD2	2	1.53
(1,605)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HG2	6	1.52
(1,605)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HG3	6	1.52
(1,605)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HG2	8	1.52
(1,605)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HG3	8	1.52
(1,277)	1:365:A:ARG:HD3	1:366:A:ILE:HD11	5	1.52
(1,277)	1:365:A:ARG:HD3	1:366:A:ILE:HD12	5	1.52
(1,277)	1:365:A:ARG:HD3	1:366:A:ILE:HD13	5	1.52
(1,277)	1:365:A:ARG:HD3	1:366:A:ILE:HD11	9	1.52
(1,277)	1:365:A:ARG:HD3	1:366:A:ILE:HD12	9	1.52
(1,277)	1:365:A:ARG:HD3	1:366:A:ILE:HD13	9	1.52
(1,270)	1:366:A:ILE:HD11	1:413:A:PHE:HZ	8	1.52
(1,270)	1:366:A:ILE:HD12	1:413:A:PHE:HZ	8	1.52
(1,270)	1:366:A:ILE:HD13	1:413:A:PHE:HZ	8	1.52
(1,121)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HB2	8	1.51
(1,121)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HB3	8	1.51
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD11	5	1.5
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD12	5	1.5
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD13	5	1.5
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD21	5	1.5
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD22	5	1.5
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD23	5	1.5
(1,597)	1:356:A:TRP:HE1	1:359:A:LYS:HE2	10	1.5
(1,597)	1:356:A:TRP:HE1	1:359:A:LYS:HE3	10	1.5
(1,372)	1:373:A:ALA:HB1	1:387:A:TYR:HD2	4	1.5
(1,372)	1:373:A:ALA:HB2	1:387:A:TYR:HD2	4	1.5
(1,372)	1:373:A:ALA:HB3	1:387:A:TYR:HD2	4	1.5
(1,270)	1:366:A:ILE:HD11	1:413:A:PHE:HZ	3	1.5
(1,270)	1:366:A:ILE:HD12	1:413:A:PHE:HZ	3	1.5
(1,270)	1:366:A:ILE:HD13	1:413:A:PHE:HZ	3	1.5
(1,1196)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD21	5	1.49
(1,1196)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD22	5	1.49
(1,1196)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD23	5	1.49
(1,1184)	1:405:A:LYS:HA	1:413:A:PHE:HE2	7	1.49
(1,572)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG11	10	1.49
(1,572)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG12	10	1.49
(1,572)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG13	10	1.49
(1,397)	1:366:A:ILE:HG21	1:387:A:TYR:HE2	7	1.49
(1,397)	1:366:A:ILE:HG22	1:387:A:TYR:HE2	7	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,397)	1:366:A:ILE:HG23	1:387:A:TYR:HE2	7	1.49
(1,396)	1:366:A:ILE:HG21	1:387:A:TYR:HD2	8	1.49
(1,396)	1:366:A:ILE:HG22	1:387:A:TYR:HD2	8	1.49
(1,396)	1:366:A:ILE:HG23	1:387:A:TYR:HD2	8	1.49
(1,364)	1:403:A:ILE:HG21	1:413:A:PHE:HE2	1	1.49
(1,364)	1:403:A:ILE:HG22	1:413:A:PHE:HE2	1	1.49
(1,364)	1:403:A:ILE:HG23	1:413:A:PHE:HE2	1	1.49
(1,361)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG21	6	1.49
(1,361)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG22	6	1.49
(1,361)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG23	6	1.49
(1,933)	1:350:A:TYR:H	1:350:A:TYR:HE2	9	1.48
(1,360)	1:403:A:ILE:HG21	1:413:A:PHE:HD2	10	1.48
(1,360)	1:403:A:ILE:HG22	1:413:A:PHE:HD2	10	1.48
(1,360)	1:403:A:ILE:HG23	1:413:A:PHE:HD2	10	1.48
(1,277)	1:365:A:ARG:HD3	1:366:A:ILE:HD11	4	1.48
(1,277)	1:365:A:ARG:HD3	1:366:A:ILE:HD12	4	1.48
(1,277)	1:365:A:ARG:HD3	1:366:A:ILE:HD13	4	1.48
(1,203)	1:345:A:LEU:HG	1:355:A:ARG:HA	10	1.48
(1,1211)	1:349:A:ARG:HG2	1:350:A:TYR:HE2	7	1.47
(1,1211)	1:349:A:ARG:HG3	1:350:A:TYR:HE2	7	1.47
(1,1159)	1:369:A:PRO:HA	1:387:A:TYR:HD2	8	1.47
(1,572)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG11	6	1.47
(1,572)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG12	6	1.47
(1,572)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG13	6	1.47
(1,510)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD11	1	1.47
(1,510)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD12	1	1.47
(1,510)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD13	1	1.47
(1,116)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HG	3	1.47
(1,1470)	1:394:A:LEU:HD11	1:413:A:PHE:HZ	9	1.46
(1,1470)	1:394:A:LEU:HD12	1:413:A:PHE:HZ	9	1.46
(1,1470)	1:394:A:LEU:HD13	1:413:A:PHE:HZ	9	1.46
(1,1470)	1:394:A:LEU:HD21	1:413:A:PHE:HZ	9	1.46
(1,1470)	1:394:A:LEU:HD22	1:413:A:PHE:HZ	9	1.46
(1,1470)	1:394:A:LEU:HD23	1:413:A:PHE:HZ	9	1.46
(1,1157)	1:349:A:ARG:HG2	1:350:A:TYR:HD2	1	1.45
(1,1157)	1:349:A:ARG:HG3	1:350:A:TYR:HD2	1	1.45
(1,1081)	1:372:A:LEU:HG	1:376:A:TRP:H	6	1.45
(1,922)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HD11	10	1.45
(1,922)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HD12	10	1.45
(1,922)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HD13	10	1.45
(1,146)	1:355:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HD2	8	1.45
(1,1435)	1:376:A:TRP:HH2	1:380:A:LYS:HE2	2	1.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1435)	1:376:A:TRP:HH2	1:380:A:LYS:HE3	2	1.44
(1,1157)	1:349:A:ARG:HG2	1:350:A:TYR:HD2	8	1.44
(1,1157)	1:349:A:ARG:HG3	1:350:A:TYR:HD2	8	1.44
(1,995)	1:359:A:LYS:HD2	1:363:A:ILE:H	3	1.44
(1,995)	1:359:A:LYS:HD3	1:363:A:ILE:H	3	1.44
(1,396)	1:366:A:ILE:HG21	1:387:A:TYR:HD2	7	1.44
(1,396)	1:366:A:ILE:HG22	1:387:A:TYR:HD2	7	1.44
(1,396)	1:366:A:ILE:HG23	1:387:A:TYR:HD2	7	1.44
(1,116)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HG	2	1.44
(1,1168)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG21	4	1.43
(1,1168)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG22	4	1.43
(1,1168)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG23	4	1.43
(1,1159)	1:369:A:PRO:HA	1:387:A:TYR:HD2	10	1.43
(1,1157)	1:349:A:ARG:HG2	1:350:A:TYR:HD2	10	1.43
(1,1157)	1:349:A:ARG:HG3	1:350:A:TYR:HD2	10	1.43
(1,633)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:H	3	1.43
(1,633)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:H	3	1.43
(1,567)	1:386:A:THR:HG21	1:387:A:TYR:HB3	6	1.43
(1,567)	1:386:A:THR:HG22	1:387:A:TYR:HB3	6	1.43
(1,567)	1:386:A:THR:HG23	1:387:A:TYR:HB3	6	1.43
(1,474)	1:354:A:ILE:HG12	1:355:A:ARG:HE	5	1.43
(1,364)	1:403:A:ILE:HG21	1:413:A:PHE:HE2	2	1.43
(1,364)	1:403:A:ILE:HG22	1:413:A:PHE:HE2	2	1.43
(1,364)	1:403:A:ILE:HG23	1:413:A:PHE:HE2	2	1.43
(1,363)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HG21	9	1.43
(1,363)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HG22	9	1.43
(1,363)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HG23	9	1.43
(1,324)	1:346:A:SER:H	1:354:A:ILE:HD11	1	1.43
(1,324)	1:346:A:SER:H	1:354:A:ILE:HD12	1	1.43
(1,324)	1:346:A:SER:H	1:354:A:ILE:HD13	1	1.43
(1,1159)	1:369:A:PRO:HA	1:387:A:TYR:HD2	9	1.42
(1,1140)	1:375:A:LEU:HA	1:378:A:ASN:HD22	5	1.42
(1,933)	1:350:A:TYR:H	1:350:A:TYR:HE2	10	1.42
(1,270)	1:366:A:ILE:HD11	1:413:A:PHE:HZ	7	1.42
(1,270)	1:366:A:ILE:HD12	1:413:A:PHE:HZ	7	1.42
(1,270)	1:366:A:ILE:HD13	1:413:A:PHE:HZ	7	1.42
(1,1477)	1:397:A:TYR:HD1	1:400:A:LEU:HD11	2	1.41
(1,1477)	1:397:A:TYR:HD1	1:400:A:LEU:HD12	2	1.41
(1,1477)	1:397:A:TYR:HD1	1:400:A:LEU:HD13	2	1.41
(1,1477)	1:397:A:TYR:HD1	1:400:A:LEU:HD21	2	1.41
(1,1477)	1:397:A:TYR:HD1	1:400:A:LEU:HD22	2	1.41
(1,1477)	1:397:A:TYR:HD1	1:400:A:LEU:HD23	2	1.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD11	1:338:A:TRP:HD1	3	1.41
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD12	1:338:A:TRP:HD1	3	1.41
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD13	1:338:A:TRP:HD1	3	1.41
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HD1	3	1.41
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HD1	3	1.41
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HD1	3	1.41
(1,935)	1:350:A:TYR:H	1:350:A:TYR:HD2	6	1.41
(1,496)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD11	3	1.41
(1,496)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD12	3	1.41
(1,496)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD13	3	1.41
(1,663)	1:357:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD21	9	1.4
(1,663)	1:357:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD22	9	1.4
(1,663)	1:357:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD23	9	1.4
(1,121)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HB2	5	1.4
(1,121)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HB3	5	1.4
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD11	5	1.39
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD12	5	1.39
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD13	5	1.39
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD21	5	1.39
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD22	5	1.39
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD23	5	1.39
(1,1186)	1:356:A:TRP:HD1	1:359:A:LYS:HE2	8	1.39
(1,1186)	1:356:A:TRP:HD1	1:359:A:LYS:HE3	8	1.39
(1,922)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HD11	3	1.39
(1,922)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HD12	3	1.39
(1,922)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HD13	3	1.39
(1,633)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:H	6	1.39
(1,633)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:H	6	1.39
(1,540)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD21	10	1.39
(1,540)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD22	10	1.39
(1,540)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD23	10	1.39
(1,510)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD11	9	1.39
(1,510)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD12	9	1.39
(1,510)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD13	9	1.39
(1,396)	1:366:A:ILE:HG21	1:387:A:TYR:HD2	3	1.39
(1,396)	1:366:A:ILE:HG22	1:387:A:TYR:HD2	3	1.39
(1,396)	1:366:A:ILE:HG23	1:387:A:TYR:HD2	3	1.39
(1,324)	1:346:A:SER:H	1:354:A:ILE:HD11	2	1.39
(1,324)	1:346:A:SER:H	1:354:A:ILE:HD12	2	1.39
(1,324)	1:346:A:SER:H	1:354:A:ILE:HD13	2	1.39
(1,1470)	1:394:A:LEU:HD11	1:413:A:PHE:HZ	5	1.38
(1,1470)	1:394:A:LEU:HD12	1:413:A:PHE:HZ	5	1.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1470)	1:394:A:LEU:HD13	1:413:A:PHE:HZ	5	1.38
(1,1470)	1:394:A:LEU:HD21	1:413:A:PHE:HZ	5	1.38
(1,1470)	1:394:A:LEU:HD22	1:413:A:PHE:HZ	5	1.38
(1,1470)	1:394:A:LEU:HD23	1:413:A:PHE:HZ	5	1.38
(1,505)	1:412:A:LEU:HD11	1:413:A:PHE:HE1	6	1.38
(1,505)	1:412:A:LEU:HD12	1:413:A:PHE:HE1	6	1.38
(1,505)	1:412:A:LEU:HD13	1:413:A:PHE:HE1	6	1.38
(1,399)	1:353:A:PHE:HA	1:366:A:ILE:HG21	6	1.38
(1,399)	1:353:A:PHE:HA	1:366:A:ILE:HG22	6	1.38
(1,399)	1:353:A:PHE:HA	1:366:A:ILE:HG23	6	1.38
(1,363)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HG21	4	1.38
(1,363)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HG22	4	1.38
(1,363)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HG23	4	1.38
(1,146)	1:355:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HD2	9	1.38
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD11	4	1.37
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD12	4	1.37
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD13	4	1.37
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD21	4	1.37
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD22	4	1.37
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD23	4	1.37
(1,1222)	1:366:A:ILE:HG12	1:387:A:TYR:HE2	1	1.37
(1,1222)	1:366:A:ILE:HG13	1:387:A:TYR:HE2	1	1.37
(1,361)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG21	9	1.37
(1,361)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG22	9	1.37
(1,361)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG23	9	1.37
(1,1203)	1:394:A:LEU:HA	1:397:A:TYR:HE2	2	1.36
(1,572)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG11	8	1.36
(1,572)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG12	8	1.36
(1,572)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG13	8	1.36
(1,481)	1:355:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HG2	2	1.36
(1,372)	1:373:A:ALA:HB1	1:387:A:TYR:HD2	5	1.36
(1,372)	1:373:A:ALA:HB2	1:387:A:TYR:HD2	5	1.36
(1,372)	1:373:A:ALA:HB3	1:387:A:TYR:HD2	5	1.36
(1,361)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG21	10	1.36
(1,361)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG22	10	1.36
(1,361)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG23	10	1.36
(1,285)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD11	2	1.36
(1,285)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD12	2	1.36
(1,285)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD13	2	1.36
(1,1209)	1:398:A:TYR:HE1	1:405:A:LYS:HB2	10	1.35
(1,1209)	1:398:A:TYR:HE1	1:405:A:LYS:HB3	10	1.35
(1,1168)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG21	9	1.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1168)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG22	9	1.35
(1,1168)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG23	9	1.35
(1,666)	1:366:A:ILE:H	1:413:A:PHE:HZ	6	1.35
(1,510)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD11	7	1.35
(1,510)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD12	7	1.35
(1,510)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD13	7	1.35
(1,397)	1:366:A:ILE:HG21	1:387:A:TYR:HE2	8	1.35
(1,397)	1:366:A:ILE:HG22	1:387:A:TYR:HE2	8	1.35
(1,397)	1:366:A:ILE:HG23	1:387:A:TYR:HE2	8	1.35
(1,270)	1:366:A:ILE:HD11	1:413:A:PHE:HZ	2	1.35
(1,270)	1:366:A:ILE:HD12	1:413:A:PHE:HZ	2	1.35
(1,270)	1:366:A:ILE:HD13	1:413:A:PHE:HZ	2	1.35
(1,1363)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HD11	10	1.34
(1,1363)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HD12	10	1.34
(1,1363)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HD13	10	1.34
(1,1363)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HD21	10	1.34
(1,1363)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HD22	10	1.34
(1,1363)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HD23	10	1.34
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD11	1:350:A:TYR:HE1	4	1.34
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD12	1:350:A:TYR:HE1	4	1.34
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD13	1:350:A:TYR:HE1	4	1.34
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD21	1:350:A:TYR:HE1	4	1.34
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD22	1:350:A:TYR:HE1	4	1.34
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD23	1:350:A:TYR:HE1	4	1.34
(1,1206)	1:397:A:TYR:HB2	1:398:A:TYR:HE2	9	1.34
(1,935)	1:350:A:TYR:H	1:350:A:TYR:HD2	8	1.34
(1,500)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HH2	8	1.34
(1,500)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HH2	8	1.34
(1,500)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HH2	8	1.34
(1,270)	1:366:A:ILE:HD11	1:413:A:PHE:HZ	5	1.34
(1,270)	1:366:A:ILE:HD12	1:413:A:PHE:HZ	5	1.34
(1,270)	1:366:A:ILE:HD13	1:413:A:PHE:HZ	5	1.34
(1,606)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HA	8	1.33
(1,411)	1:365:A:ARG:HD3	1:367:A:VAL:HA	10	1.33
(1,411)	1:365:A:ARG:HD2	1:367:A:VAL:HA	10	1.33
(1,345)	1:365:A:ARG:HD2	1:367:A:VAL:HG21	3	1.33
(1,345)	1:365:A:ARG:HD2	1:367:A:VAL:HG22	3	1.33
(1,345)	1:365:A:ARG:HD2	1:367:A:VAL:HG23	3	1.33
(1,345)	1:365:A:ARG:HD2	1:367:A:VAL:HG21	7	1.33
(1,345)	1:365:A:ARG:HD2	1:367:A:VAL:HG22	7	1.33
(1,345)	1:365:A:ARG:HD2	1:367:A:VAL:HG23	7	1.33
(1,88)	1:370:A:ASN:HA	1:387:A:TYR:HB3	2	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD11	10	1.32
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD12	10	1.32
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD13	10	1.32
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD21	10	1.32
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD22	10	1.32
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD23	10	1.32
(1,935)	1:350:A:TYR:H	1:350:A:TYR:HD2	4	1.32
(1,866)	1:352:A:ASN:H	1:352:A:ASN:HD21	10	1.32
(1,406)	1:397:A:TYR:HD1	1:402:A:ILE:HG21	2	1.32
(1,406)	1:397:A:TYR:HD1	1:402:A:ILE:HG22	2	1.32
(1,406)	1:397:A:TYR:HD1	1:402:A:ILE:HG23	2	1.32
(1,146)	1:355:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HD2	4	1.32
(1,1305)	1:344:A:LEU:HD11	1:347:A:ASP:HB2	10	1.31
(1,1305)	1:344:A:LEU:HD12	1:347:A:ASP:HB2	10	1.31
(1,1305)	1:344:A:LEU:HD13	1:347:A:ASP:HB2	10	1.31
(1,1305)	1:344:A:LEU:HD21	1:347:A:ASP:HB2	10	1.31
(1,1305)	1:344:A:LEU:HD22	1:347:A:ASP:HB2	10	1.31
(1,1305)	1:344:A:LEU:HD23	1:347:A:ASP:HB2	10	1.31
(1,1161)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HB2	6	1.31
(1,1161)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HB3	6	1.31
(1,638)	1:406:A:GLU:H	1:413:A:PHE:HD2	5	1.31
(1,605)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HG2	1	1.31
(1,605)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HG3	1	1.31
(1,605)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HG2	10	1.31
(1,605)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HG3	10	1.31
(1,510)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD11	8	1.31
(1,510)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD12	8	1.31
(1,510)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD13	8	1.31
(1,500)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HH2	4	1.31
(1,500)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HH2	4	1.31
(1,500)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HH2	4	1.31
(1,397)	1:366:A:ILE:HG21	1:387:A:TYR:HE2	3	1.31
(1,397)	1:366:A:ILE:HG22	1:387:A:TYR:HE2	3	1.31
(1,397)	1:366:A:ILE:HG23	1:387:A:TYR:HE2	3	1.31
(1,372)	1:373:A:ALA:HB1	1:387:A:TYR:HD2	9	1.31
(1,372)	1:373:A:ALA:HB2	1:387:A:TYR:HD2	9	1.31
(1,372)	1:373:A:ALA:HB3	1:387:A:TYR:HD2	9	1.31
(1,286)	1:403:A:ILE:HD11	1:413:A:PHE:HD2	4	1.31
(1,286)	1:403:A:ILE:HD12	1:413:A:PHE:HD2	4	1.31
(1,286)	1:403:A:ILE:HD13	1:413:A:PHE:HD2	4	1.31
(1,1469)	1:394:A:LEU:HD11	1:397:A:TYR:HD2	6	1.3
(1,1469)	1:394:A:LEU:HD12	1:397:A:TYR:HD2	6	1.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1469)	1:394:A:LEU:HD13	1:397:A:TYR:HD2	6	1.3
(1,1469)	1:394:A:LEU:HD21	1:397:A:TYR:HD2	6	1.3
(1,1469)	1:394:A:LEU:HD22	1:397:A:TYR:HD2	6	1.3
(1,1469)	1:394:A:LEU:HD23	1:397:A:TYR:HD2	6	1.3
(1,1198)	1:396:A:HIS:HD2	1:397:A:TYR:HA	5	1.3
(1,1196)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD21	7	1.3
(1,1196)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD22	7	1.3
(1,1196)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD23	7	1.3
(1,191)	1:406:A:GLU:HA	1:412:A:LEU:HB3	1	1.3
(1,1184)	1:405:A:LYS:HA	1:413:A:PHE:HE2	3	1.29
(1,1058)	1:373:A:ALA:H	1:387:A:TYR:HB2	6	1.29
(1,505)	1:412:A:LEU:HD11	1:413:A:PHE:HE1	4	1.29
(1,505)	1:412:A:LEU:HD12	1:413:A:PHE:HE1	4	1.29
(1,505)	1:412:A:LEU:HD13	1:413:A:PHE:HE1	4	1.29
(1,191)	1:406:A:GLU:HA	1:412:A:LEU:HB3	10	1.29
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD11	6	1.28
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD12	6	1.28
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD13	6	1.28
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD21	6	1.28
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD22	6	1.28
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD23	6	1.28
(1,1244)	1:336:A:LEU:HD11	1:338:A:TRP:HE1	3	1.28
(1,1244)	1:336:A:LEU:HD12	1:338:A:TRP:HE1	3	1.28
(1,1244)	1:336:A:LEU:HD13	1:338:A:TRP:HE1	3	1.28
(1,1244)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HE1	3	1.28
(1,1244)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HE1	3	1.28
(1,1244)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HE1	3	1.28
(1,1186)	1:356:A:TRP:HD1	1:359:A:LYS:HE2	2	1.28
(1,1186)	1:356:A:TRP:HD1	1:359:A:LYS:HE3	2	1.28
(1,663)	1:357:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD21	5	1.28
(1,663)	1:357:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD22	5	1.28
(1,663)	1:357:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD23	5	1.28
(1,203)	1:345:A:LEU:HG	1:355:A:ARG:HA	6	1.28
(1,1211)	1:349:A:ARG:HG2	1:350:A:TYR:HE2	3	1.27
(1,1211)	1:349:A:ARG:HG3	1:350:A:TYR:HE2	3	1.27
(1,1161)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HB2	1	1.27
(1,1161)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HB3	1	1.27
(1,887)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:H	2	1.27
(1,887)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:H	4	1.27
(1,887)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:H	5	1.27
(1,424)	1:405:A:LYS:HA	1:413:A:PHE:HD2	5	1.27
(1,287)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD11	9	1.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,287)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD12	9	1.27
(1,287)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD13	9	1.27
(1,1171)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG21	8	1.26
(1,1171)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG22	8	1.26
(1,1171)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG23	8	1.26
(1,995)	1:359:A:LYS:HD2	1:363:A:ILE:H	4	1.26
(1,995)	1:359:A:LYS:HD3	1:363:A:ILE:H	4	1.26
(1,559)	1:417:A:LYS:HE2	1:418:A:THR:HG21	1	1.26
(1,559)	1:417:A:LYS:HE2	1:418:A:THR:HG22	1	1.26
(1,559)	1:417:A:LYS:HE2	1:418:A:THR:HG23	1	1.26
(1,559)	1:417:A:LYS:HE3	1:418:A:THR:HG21	1	1.26
(1,559)	1:417:A:LYS:HE3	1:418:A:THR:HG22	1	1.26
(1,559)	1:417:A:LYS:HE3	1:418:A:THR:HG23	1	1.26
(1,401)	1:353:A:PHE:HB3	1:366:A:ILE:HG21	6	1.26
(1,401)	1:353:A:PHE:HB3	1:366:A:ILE:HG22	6	1.26
(1,401)	1:353:A:PHE:HB3	1:366:A:ILE:HG23	6	1.26
(1,88)	1:370:A:ASN:HA	1:387:A:TYR:HB3	7	1.26
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD11	1:340:A:TYR:HD1	2	1.25
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD12	1:340:A:TYR:HD1	2	1.25
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD13	1:340:A:TYR:HD1	2	1.25
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD21	1:340:A:TYR:HD1	2	1.25
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD22	1:340:A:TYR:HD1	2	1.25
(1,1254)	1:337:A:LEU:HD23	1:340:A:TYR:HD1	2	1.25
(1,1171)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG21	1	1.25
(1,1171)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG22	1	1.25
(1,1171)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG23	1	1.25
(1,1171)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG21	6	1.25
(1,1171)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG22	6	1.25
(1,1171)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG23	6	1.25
(1,1163)	1:398:A:TYR:HA	1:398:A:TYR:HD2	3	1.25
(1,824)	1:375:A:LEU:HB2	1:378:A:ASN:HD21	5	1.25
(1,824)	1:375:A:LEU:HB3	1:378:A:ASN:HD21	5	1.25
(1,396)	1:366:A:ILE:HG21	1:387:A:TYR:HD2	1	1.25
(1,396)	1:366:A:ILE:HG22	1:387:A:TYR:HD2	1	1.25
(1,396)	1:366:A:ILE:HG23	1:387:A:TYR:HD2	1	1.25
(1,360)	1:403:A:ILE:HG21	1:413:A:PHE:HD2	2	1.25
(1,360)	1:403:A:ILE:HG22	1:413:A:PHE:HD2	2	1.25
(1,360)	1:403:A:ILE:HG23	1:413:A:PHE:HD2	2	1.25
(1,65)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:HB	1	1.25
(1,65)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:HB	1	1.25
(1,65)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:HB	10	1.25
(1,65)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:HB	10	1.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD11	1:338:A:TRP:HZ2	3	1.24
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD12	1:338:A:TRP:HZ2	3	1.24
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD13	1:338:A:TRP:HZ2	3	1.24
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HZ2	3	1.24
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HZ2	3	1.24
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HZ2	3	1.24
(1,1222)	1:366:A:ILE:HG12	1:387:A:TYR:HE2	7	1.24
(1,1222)	1:366:A:ILE:HG13	1:387:A:TYR:HE2	7	1.24
(1,1192)	1:376:A:TRP:HH2	1:380:A:LYS:HD2	9	1.24
(1,1192)	1:376:A:TRP:HH2	1:380:A:LYS:HD3	9	1.24
(1,1163)	1:398:A:TYR:HA	1:398:A:TYR:HD2	8	1.24
(1,1139)	1:374:A:ARG:HD2	1:378:A:ASN:HD22	5	1.24
(1,1139)	1:374:A:ARG:HD3	1:378:A:ASN:HD22	5	1.24
(1,1114)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG21	5	1.24
(1,1114)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG22	5	1.24
(1,1114)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG23	5	1.24
(1,806)	1:365:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HG3	1	1.24
(1,287)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD11	10	1.24
(1,287)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD12	10	1.24
(1,287)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD13	10	1.24
(1,118)	1:353:A:PHE:HB3	1:372:A:LEU:HG	3	1.24
(1,65)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:HB	3	1.24
(1,65)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:HB	3	1.24
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD11	5	1.23
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD12	5	1.23
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD13	5	1.23
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD21	5	1.23
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD22	5	1.23
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD23	5	1.23
(1,1207)	1:347:A:ASP:HB2	1:350:A:TYR:HE2	3	1.23
(1,1207)	1:347:A:ASP:HB3	1:350:A:TYR:HE2	3	1.23
(1,1198)	1:396:A:HIS:HD2	1:397:A:TYR:HA	10	1.23
(1,572)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG11	3	1.23
(1,572)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG12	3	1.23
(1,572)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG13	3	1.23
(1,397)	1:366:A:ILE:HG21	1:387:A:TYR:HE2	10	1.23
(1,397)	1:366:A:ILE:HG22	1:387:A:TYR:HE2	10	1.23
(1,397)	1:366:A:ILE:HG23	1:387:A:TYR:HE2	10	1.23
(1,1494)	1:405:A:LYS:HG2	1:413:A:PHE:HE2	6	1.22
(1,1494)	1:405:A:LYS:HG3	1:413:A:PHE:HE2	6	1.22
(1,1199)	1:393:A:ALA:HA	1:396:A:HIS:HD2	3	1.22
(1,1199)	1:393:A:ALA:HA	1:396:A:HIS:HD2	4	1.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1186)	1:356:A:TRP:HD1	1:359:A:LYS:HE2	1	1.22
(1,1186)	1:356:A:TRP:HD1	1:359:A:LYS:HE3	1	1.22
(1,1163)	1:398:A:TYR:HA	1:398:A:TYR:HD2	1	1.22
(1,1163)	1:398:A:TYR:HA	1:398:A:TYR:HD2	6	1.22
(1,1163)	1:398:A:TYR:HA	1:398:A:TYR:HD2	10	1.22
(1,1157)	1:349:A:ARG:HG2	1:350:A:TYR:HD2	2	1.22
(1,1157)	1:349:A:ARG:HG3	1:350:A:TYR:HD2	2	1.22
(1,633)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:H	9	1.22
(1,633)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:H	9	1.22
(1,1494)	1:405:A:LYS:HG2	1:413:A:PHE:HE2	4	1.21
(1,1494)	1:405:A:LYS:HG3	1:413:A:PHE:HE2	4	1.21
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD11	7	1.21
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD12	7	1.21
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD13	7	1.21
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD21	7	1.21
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD22	7	1.21
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD23	7	1.21
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HE	4	1.21
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HE	4	1.21
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HE	4	1.21
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HE	4	1.21
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HE	4	1.21
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HE	4	1.21
(1,1157)	1:349:A:ARG:HG2	1:350:A:TYR:HD2	6	1.21
(1,1157)	1:349:A:ARG:HG3	1:350:A:TYR:HD2	6	1.21
(1,567)	1:386:A:THR:HG21	1:387:A:TYR:HB3	3	1.21
(1,567)	1:386:A:THR:HG22	1:387:A:TYR:HB3	3	1.21
(1,567)	1:386:A:THR:HG23	1:387:A:TYR:HB3	3	1.21
(1,345)	1:365:A:ARG:HD2	1:367:A:VAL:HG21	8	1.21
(1,345)	1:365:A:ARG:HD2	1:367:A:VAL:HG22	8	1.21
(1,345)	1:365:A:ARG:HD2	1:367:A:VAL:HG23	8	1.21
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD11	1:367:A:VAL:HG21	10	1.2
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD11	1:367:A:VAL:HG22	10	1.2
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD11	1:367:A:VAL:HG23	10	1.2
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD12	1:367:A:VAL:HG21	10	1.2
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD12	1:367:A:VAL:HG22	10	1.2
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD12	1:367:A:VAL:HG23	10	1.2
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD13	1:367:A:VAL:HG21	10	1.2
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD13	1:367:A:VAL:HG22	10	1.2
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD13	1:367:A:VAL:HG23	10	1.2
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD21	1:367:A:VAL:HG21	10	1.2
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD21	1:367:A:VAL:HG22	10	1.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD21	1:367:A:VAL:HG23	10	1.2
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD22	1:367:A:VAL:HG21	10	1.2
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD22	1:367:A:VAL:HG22	10	1.2
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD22	1:367:A:VAL:HG23	10	1.2
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD23	1:367:A:VAL:HG21	10	1.2
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD23	1:367:A:VAL:HG22	10	1.2
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD23	1:367:A:VAL:HG23	10	1.2
(1,1161)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HB2	2	1.2
(1,1161)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HB3	2	1.2
(1,922)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HD11	6	1.2
(1,922)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HD12	6	1.2
(1,922)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HD13	6	1.2
(1,887)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:H	8	1.2
(1,887)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:H	10	1.2
(1,401)	1:353:A:PHE:HB3	1:366:A:ILE:HG21	2	1.2
(1,401)	1:353:A:PHE:HB3	1:366:A:ILE:HG22	2	1.2
(1,401)	1:353:A:PHE:HB3	1:366:A:ILE:HG23	2	1.2
(1,287)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD11	4	1.2
(1,287)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD12	4	1.2
(1,287)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD13	4	1.2
(1,1435)	1:376:A:TRP:HH2	1:380:A:LYS:HE2	6	1.19
(1,1435)	1:376:A:TRP:HH2	1:380:A:LYS:HE3	6	1.19
(1,1433)	1:376:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HG2	2	1.19
(1,1433)	1:376:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HG3	2	1.19
(1,1199)	1:393:A:ALA:HA	1:396:A:HIS:HD2	1	1.19
(1,1161)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HB2	7	1.19
(1,1161)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HB3	7	1.19
(1,935)	1:350:A:TYR:H	1:350:A:TYR:HD2	3	1.19
(1,887)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:H	1	1.19
(1,887)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:H	7	1.19
(1,806)	1:365:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HG3	2	1.19
(1,569)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG11	5	1.19
(1,569)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG12	5	1.19
(1,569)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG13	5	1.19
(1,231)	1:340:A:TYR:HE1	1:376:A:TRP:HA	4	1.19
(1,231)	1:340:A:TYR:HE1	1:376:A:TRP:HA	7	1.19
(1,84)	1:358:A:ASP:HA	1:360:A:GLU:HG2	1	1.19
(1,84)	1:358:A:ASP:HA	1:360:A:GLU:HG3	1	1.19
(1,1141)	1:352:A:ASN:H	1:352:A:ASN:HD22	10	1.18
(1,995)	1:359:A:LYS:HD2	1:363:A:ILE:H	9	1.18
(1,995)	1:359:A:LYS:HD3	1:363:A:ILE:H	9	1.18
(1,933)	1:350:A:TYR:H	1:350:A:TYR:HE2	6	1.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,401)	1:353:A:PHE:HB3	1:366:A:ILE:HG21	7	1.18
(1,401)	1:353:A:PHE:HB3	1:366:A:ILE:HG22	7	1.18
(1,401)	1:353:A:PHE:HB3	1:366:A:ILE:HG23	7	1.18
(1,372)	1:373:A:ALA:HB1	1:387:A:TYR:HD2	10	1.18
(1,372)	1:373:A:ALA:HB2	1:387:A:TYR:HD2	10	1.18
(1,372)	1:373:A:ALA:HB3	1:387:A:TYR:HD2	10	1.18
(1,360)	1:403:A:ILE:HG21	1:413:A:PHE:HD2	1	1.18
(1,360)	1:403:A:ILE:HG22	1:413:A:PHE:HD2	1	1.18
(1,360)	1:403:A:ILE:HG23	1:413:A:PHE:HD2	1	1.18
(1,277)	1:365:A:ARG:HD3	1:366:A:ILE:HD11	8	1.18
(1,277)	1:365:A:ARG:HD3	1:366:A:ILE:HD12	8	1.18
(1,277)	1:365:A:ARG:HD3	1:366:A:ILE:HD13	8	1.18
(1,187)	1:365:A:ARG:HA	1:412:A:LEU:HD21	7	1.18
(1,187)	1:365:A:ARG:HA	1:412:A:LEU:HD22	7	1.18
(1,187)	1:365:A:ARG:HA	1:412:A:LEU:HD23	7	1.18
(1,1351)	1:349:A:ARG:HD2	1:350:A:TYR:HE2	9	1.17
(1,1351)	1:349:A:ARG:HD3	1:350:A:TYR:HE2	9	1.17
(1,1161)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HB2	9	1.17
(1,1161)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HB3	9	1.17
(1,605)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HG2	9	1.17
(1,605)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HG3	9	1.17
(1,167)	1:425:A:GLY:HA2	1:426:A:ARG:HG2	8	1.17
(1,167)	1:425:A:GLY:HA2	1:426:A:ARG:HG3	8	1.17
(1,167)	1:425:A:GLY:HA3	1:426:A:ARG:HG2	8	1.17
(1,167)	1:425:A:GLY:HA3	1:426:A:ARG:HG3	8	1.17
(1,26)	1:387:A:TYR:HA	1:390:A:MET:HE1	4	1.17
(1,26)	1:387:A:TYR:HA	1:390:A:MET:HE2	4	1.17
(1,26)	1:387:A:TYR:HA	1:390:A:MET:HE3	4	1.17
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD11	9	1.16
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD12	9	1.16
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD13	9	1.16
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD21	9	1.16
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD22	9	1.16
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD23	9	1.16
(1,606)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HA	1	1.16
(1,364)	1:403:A:ILE:HG21	1:413:A:PHE:HE2	5	1.16
(1,364)	1:403:A:ILE:HG22	1:413:A:PHE:HE2	5	1.16
(1,364)	1:403:A:ILE:HG23	1:413:A:PHE:HE2	5	1.16
(1,116)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HG	1	1.16
(1,65)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:HB	7	1.16
(1,65)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:HB	7	1.16
(1,1376)	1:359:A:LYS:HA	1:362:A:LYS:HG2	10	1.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1376)	1:359:A:LYS:HA	1:362:A:LYS:HG3	10	1.15
(1,1171)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG21	3	1.15
(1,1171)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG22	3	1.15
(1,1171)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG23	3	1.15
(1,1163)	1:398:A:TYR:HA	1:398:A:TYR:HD2	5	1.15
(1,887)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:H	6	1.15
(1,597)	1:356:A:TRP:HE1	1:359:A:LYS:HE2	1	1.15
(1,597)	1:356:A:TRP:HE1	1:359:A:LYS:HE3	1	1.15
(1,559)	1:417:A:LYS:HE2	1:418:A:THR:HG21	9	1.15
(1,559)	1:417:A:LYS:HE2	1:418:A:THR:HG22	9	1.15
(1,559)	1:417:A:LYS:HE2	1:418:A:THR:HG23	9	1.15
(1,559)	1:417:A:LYS:HE3	1:418:A:THR:HG21	9	1.15
(1,559)	1:417:A:LYS:HE3	1:418:A:THR:HG22	9	1.15
(1,559)	1:417:A:LYS:HE3	1:418:A:THR:HG23	9	1.15
(1,360)	1:403:A:ILE:HG21	1:413:A:PHE:HD2	6	1.15
(1,360)	1:403:A:ILE:HG22	1:413:A:PHE:HD2	6	1.15
(1,360)	1:403:A:ILE:HG23	1:413:A:PHE:HD2	6	1.15
(1,324)	1:346:A:SER:H	1:354:A:ILE:HD11	9	1.15
(1,324)	1:346:A:SER:H	1:354:A:ILE:HD12	9	1.15
(1,324)	1:346:A:SER:H	1:354:A:ILE:HD13	9	1.15
(1,116)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HG	7	1.15
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD11	3	1.14
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD12	3	1.14
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD13	3	1.14
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD21	3	1.14
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD22	3	1.14
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD23	3	1.14
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD11	1:338:A:TRP:HH2	10	1.14
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD12	1:338:A:TRP:HH2	10	1.14
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD13	1:338:A:TRP:HH2	10	1.14
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HH2	10	1.14
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HH2	10	1.14
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HH2	10	1.14
(1,1218)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HG	5	1.14
(1,1186)	1:356:A:TRP:HD1	1:359:A:LYS:HE2	4	1.14
(1,1186)	1:356:A:TRP:HD1	1:359:A:LYS:HE3	4	1.14
(1,935)	1:350:A:TYR:H	1:350:A:TYR:HD2	7	1.14
(1,887)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:H	3	1.14
(1,887)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:H	9	1.14
(1,401)	1:353:A:PHE:HB3	1:366:A:ILE:HG21	9	1.14
(1,401)	1:353:A:PHE:HB3	1:366:A:ILE:HG22	9	1.14
(1,401)	1:353:A:PHE:HB3	1:366:A:ILE:HG23	9	1.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,263)	1:348:A:SER:HA	1:351:A:GLU:HG2	6	1.14
(1,263)	1:348:A:SER:HA	1:351:A:GLU:HG3	6	1.14
(1,214)	1:373:A:ALA:HB1	1:385:A:MET:HA	2	1.14
(1,214)	1:373:A:ALA:HB2	1:385:A:MET:HA	2	1.14
(1,214)	1:373:A:ALA:HB3	1:385:A:MET:HA	2	1.14
(1,84)	1:358:A:ASP:HA	1:360:A:GLU:HG2	3	1.14
(1,84)	1:358:A:ASP:HA	1:360:A:GLU:HG3	3	1.14
(1,1172)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HG	3	1.13
(1,1110)	1:327:A:HIS:HE1	1:328:A:MET:H	3	1.13
(1,638)	1:406:A:GLU:H	1:413:A:PHE:HD2	7	1.13
(1,606)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HA	7	1.13
(1,597)	1:356:A:TRP:HE1	1:359:A:LYS:HE2	4	1.13
(1,597)	1:356:A:TRP:HE1	1:359:A:LYS:HE3	4	1.13
(1,572)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG11	1	1.13
(1,572)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG12	1	1.13
(1,572)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG13	1	1.13
(1,372)	1:373:A:ALA:HB1	1:387:A:TYR:HD2	3	1.13
(1,372)	1:373:A:ALA:HB2	1:387:A:TYR:HD2	3	1.13
(1,372)	1:373:A:ALA:HB3	1:387:A:TYR:HD2	3	1.13
(1,361)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG21	7	1.13
(1,361)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG22	7	1.13
(1,361)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG23	7	1.13
(1,345)	1:365:A:ARG:HD2	1:367:A:VAL:HG21	10	1.13
(1,345)	1:365:A:ARG:HD2	1:367:A:VAL:HG22	10	1.13
(1,345)	1:365:A:ARG:HD2	1:367:A:VAL:HG23	10	1.13
(1,287)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD11	1	1.13
(1,287)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD12	1	1.13
(1,287)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD13	1	1.13
(1,65)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:HB	2	1.13
(1,65)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:HB	2	1.13
(1,1180)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HA	10	1.12
(1,1171)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG21	10	1.12
(1,1171)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG22	10	1.12
(1,1171)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG23	10	1.12
(1,1156)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD11	5	1.12
(1,1156)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD12	5	1.12
(1,1156)	1:350:A:TYR:HD1	1:375:A:LEU:HD13	5	1.12
(1,933)	1:350:A:TYR:H	1:350:A:TYR:HE2	4	1.12
(1,933)	1:350:A:TYR:H	1:350:A:TYR:HE2	8	1.12
(1,286)	1:403:A:ILE:HD11	1:413:A:PHE:HD2	10	1.12
(1,286)	1:403:A:ILE:HD12	1:413:A:PHE:HD2	10	1.12
(1,286)	1:403:A:ILE:HD13	1:413:A:PHE:HD2	10	1.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,231)	1:340:A:TYR:HE1	1:376:A:TRP:HA	3	1.12
(1,1)	1:373:A:ALA:HB1	1:385:A:MET:HE1	2	1.12
(1,1)	1:373:A:ALA:HB1	1:385:A:MET:HE2	2	1.12
(1,1)	1:373:A:ALA:HB1	1:385:A:MET:HE3	2	1.12
(1,1)	1:373:A:ALA:HB2	1:385:A:MET:HE1	2	1.12
(1,1)	1:373:A:ALA:HB2	1:385:A:MET:HE2	2	1.12
(1,1)	1:373:A:ALA:HB2	1:385:A:MET:HE3	2	1.12
(1,1)	1:373:A:ALA:HB3	1:385:A:MET:HE1	2	1.12
(1,1)	1:373:A:ALA:HB3	1:385:A:MET:HE2	2	1.12
(1,1)	1:373:A:ALA:HB3	1:385:A:MET:HE3	2	1.12
(1,1209)	1:398:A:TYR:HE1	1:405:A:LYS:HB2	6	1.11
(1,1209)	1:398:A:TYR:HE1	1:405:A:LYS:HB3	6	1.11
(1,1199)	1:393:A:ALA:HA	1:396:A:HIS:HD2	10	1.11
(1,1157)	1:349:A:ARG:HG2	1:350:A:TYR:HD2	7	1.11
(1,1157)	1:349:A:ARG:HG3	1:350:A:TYR:HD2	7	1.11
(1,922)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HD11	7	1.11
(1,922)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HD12	7	1.11
(1,922)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HD13	7	1.11
(1,806)	1:365:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HG3	8	1.11
(1,606)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HA	9	1.11
(1,477)	1:425:A:GLY:H	1:426:A:ARG:HG2	7	1.11
(1,477)	1:425:A:GLY:H	1:426:A:ARG:HG3	7	1.11
(1,116)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HG	8	1.11
(1,52)	1:357:A:GLU:HB2	1:412:A:LEU:HD21	5	1.11
(1,52)	1:357:A:GLU:HB2	1:412:A:LEU:HD22	5	1.11
(1,52)	1:357:A:GLU:HB2	1:412:A:LEU:HD23	5	1.11
(1,52)	1:357:A:GLU:HB3	1:412:A:LEU:HD21	5	1.11
(1,52)	1:357:A:GLU:HB3	1:412:A:LEU:HD22	5	1.11
(1,52)	1:357:A:GLU:HB3	1:412:A:LEU:HD23	5	1.11
(1,52)	1:357:A:GLU:HB2	1:412:A:LEU:HD21	8	1.11
(1,52)	1:357:A:GLU:HB2	1:412:A:LEU:HD22	8	1.11
(1,52)	1:357:A:GLU:HB2	1:412:A:LEU:HD23	8	1.11
(1,52)	1:357:A:GLU:HB3	1:412:A:LEU:HD21	8	1.11
(1,52)	1:357:A:GLU:HB3	1:412:A:LEU:HD22	8	1.11
(1,52)	1:357:A:GLU:HB3	1:412:A:LEU:HD23	8	1.11
(1,1470)	1:394:A:LEU:HD11	1:413:A:PHE:HZ	1	1.1
(1,1470)	1:394:A:LEU:HD12	1:413:A:PHE:HZ	1	1.1
(1,1470)	1:394:A:LEU:HD13	1:413:A:PHE:HZ	1	1.1
(1,1470)	1:394:A:LEU:HD21	1:413:A:PHE:HZ	1	1.1
(1,1470)	1:394:A:LEU:HD22	1:413:A:PHE:HZ	1	1.1
(1,1470)	1:394:A:LEU:HD23	1:413:A:PHE:HZ	1	1.1
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD11	1:338:A:TRP:HD1	6	1.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD12	1:338:A:TRP:HD1	6	1.1
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD13	1:338:A:TRP:HD1	6	1.1
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HD1	6	1.1
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HD1	6	1.1
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HD1	6	1.1
(1,1198)	1:396:A:HIS:HD2	1:397:A:TYR:HA	8	1.1
(1,396)	1:366:A:ILE:HG21	1:387:A:TYR:HD2	5	1.1
(1,396)	1:366:A:ILE:HG22	1:387:A:TYR:HD2	5	1.1
(1,396)	1:366:A:ILE:HG23	1:387:A:TYR:HD2	5	1.1
(1,167)	1:425:A:GLY:HA2	1:426:A:ARG:HG2	7	1.1
(1,167)	1:425:A:GLY:HA2	1:426:A:ARG:HG3	7	1.1
(1,167)	1:425:A:GLY:HA3	1:426:A:ARG:HG2	7	1.1
(1,167)	1:425:A:GLY:HA3	1:426:A:ARG:HG3	7	1.1
(1,1280)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD11	9	1.09
(1,1280)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD12	9	1.09
(1,1280)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD13	9	1.09
(1,1280)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD21	9	1.09
(1,1280)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD22	9	1.09
(1,1280)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD23	9	1.09
(1,1163)	1:398:A:TYR:HA	1:398:A:TYR:HD2	7	1.09
(1,1116)	1:354:A:ILE:H	1:368:A:ASP:HB2	1	1.09
(1,1116)	1:354:A:ILE:H	1:368:A:ASP:HB2	7	1.09
(1,832)	1:418:A:THR:H	1:422:A:ILE:H	9	1.09
(1,505)	1:412:A:LEU:HD11	1:413:A:PHE:HE1	7	1.09
(1,505)	1:412:A:LEU:HD12	1:413:A:PHE:HE1	7	1.09
(1,505)	1:412:A:LEU:HD13	1:413:A:PHE:HE1	7	1.09
(1,474)	1:354:A:ILE:HG12	1:355:A:ARG:HE	4	1.09
(1,329)	1:348:A:SER:HB2	1:351:A:GLU:HG2	7	1.09
(1,329)	1:348:A:SER:HB2	1:351:A:GLU:HG3	7	1.09
(1,329)	1:348:A:SER:HB3	1:351:A:GLU:HG2	7	1.09
(1,329)	1:348:A:SER:HB3	1:351:A:GLU:HG3	7	1.09
(1,277)	1:365:A:ARG:HD3	1:366:A:ILE:HD11	6	1.09
(1,277)	1:365:A:ARG:HD3	1:366:A:ILE:HD12	6	1.09
(1,277)	1:365:A:ARG:HD3	1:366:A:ILE:HD13	6	1.09
(1,231)	1:340:A:TYR:HE1	1:376:A:TRP:HA	2	1.09
(1,65)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:HB	6	1.09
(1,65)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:HB	6	1.09
(1,1494)	1:405:A:LYS:HG2	1:413:A:PHE:HE2	9	1.08
(1,1494)	1:405:A:LYS:HG3	1:413:A:PHE:HE2	9	1.08
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD11	3	1.08
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD12	3	1.08
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD13	3	1.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD21	3	1.08
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD22	3	1.08
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD23	3	1.08
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD11	3	1.08
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD12	3	1.08
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD13	3	1.08
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD21	3	1.08
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD22	3	1.08
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD23	3	1.08
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD11	3	1.08
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD12	3	1.08
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD13	3	1.08
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD21	3	1.08
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD22	3	1.08
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD23	3	1.08
(1,1116)	1:354:A:ILE:H	1:368:A:ASP:HB2	5	1.08
(1,1116)	1:354:A:ILE:H	1:368:A:ASP:HB2	6	1.08
(1,1070)	1:417:A:LYS:HE2	1:421:A:GLU:H	4	1.08
(1,1070)	1:417:A:LYS:HE3	1:421:A:GLU:H	4	1.08
(1,806)	1:365:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HG3	4	1.08
(1,806)	1:365:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HG3	5	1.08
(1,666)	1:366:A:ILE:H	1:413:A:PHE:HZ	2	1.08
(1,643)	1:406:A:GLU:H	1:413:A:PHE:HB3	10	1.08
(1,435)	1:370:A:ASN:HA	1:387:A:TYR:HB2	7	1.08
(1,279)	1:363:A:ILE:HD11	1:412:A:LEU:HD11	9	1.08
(1,279)	1:363:A:ILE:HD11	1:412:A:LEU:HD12	9	1.08
(1,279)	1:363:A:ILE:HD11	1:412:A:LEU:HD13	9	1.08
(1,279)	1:363:A:ILE:HD12	1:412:A:LEU:HD11	9	1.08
(1,279)	1:363:A:ILE:HD12	1:412:A:LEU:HD12	9	1.08
(1,279)	1:363:A:ILE:HD12	1:412:A:LEU:HD13	9	1.08
(1,279)	1:363:A:ILE:HD13	1:412:A:LEU:HD11	9	1.08
(1,279)	1:363:A:ILE:HD13	1:412:A:LEU:HD12	9	1.08
(1,279)	1:363:A:ILE:HD13	1:412:A:LEU:HD13	9	1.08
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD11	8	1.07
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD12	8	1.07
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD13	8	1.07
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD21	8	1.07
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD22	8	1.07
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD23	8	1.07
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD11	8	1.07
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD12	8	1.07
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD13	8	1.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD21	8	1.07
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD22	8	1.07
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD23	8	1.07
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD11	8	1.07
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD12	8	1.07
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD13	8	1.07
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD21	8	1.07
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD22	8	1.07
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD23	8	1.07
(1,1171)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG21	2	1.07
(1,1171)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG22	2	1.07
(1,1171)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG23	2	1.07
(1,1140)	1:375:A:LEU:HA	1:378:A:ASN:HD22	10	1.07
(1,1116)	1:354:A:ILE:H	1:368:A:ASP:HB2	8	1.07
(1,806)	1:365:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HG3	7	1.07
(1,806)	1:365:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HG3	10	1.07
(1,385)	1:358:A:ASP:HA	1:363:A:ILE:HG21	7	1.07
(1,385)	1:358:A:ASP:HA	1:363:A:ILE:HG22	7	1.07
(1,385)	1:358:A:ASP:HA	1:363:A:ILE:HG23	7	1.07
(1,146)	1:355:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HD2	10	1.07
(1,82)	1:352:A:ASN:HB2	1:367:A:VAL:HG11	10	1.07
(1,82)	1:352:A:ASN:HB2	1:367:A:VAL:HG12	10	1.07
(1,82)	1:352:A:ASN:HB2	1:367:A:VAL:HG13	10	1.07
(1,21)	1:354:A:ILE:HG21	1:355:A:ARG:HE	10	1.07
(1,21)	1:354:A:ILE:HG22	1:355:A:ARG:HE	10	1.07
(1,21)	1:354:A:ILE:HG23	1:355:A:ARG:HE	10	1.07
(1,1451)	1:387:A:TYR:HD2	1:394:A:LEU:HD11	1	1.06
(1,1451)	1:387:A:TYR:HD2	1:394:A:LEU:HD12	1	1.06
(1,1451)	1:387:A:TYR:HD2	1:394:A:LEU:HD13	1	1.06
(1,1451)	1:387:A:TYR:HD2	1:394:A:LEU:HD21	1	1.06
(1,1451)	1:387:A:TYR:HD2	1:394:A:LEU:HD22	1	1.06
(1,1451)	1:387:A:TYR:HD2	1:394:A:LEU:HD23	1	1.06
(1,1163)	1:398:A:TYR:HA	1:398:A:TYR:HD2	9	1.06
(1,806)	1:365:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HG3	9	1.06
(1,279)	1:363:A:ILE:HD11	1:412:A:LEU:HD11	8	1.06
(1,279)	1:363:A:ILE:HD11	1:412:A:LEU:HD12	8	1.06
(1,279)	1:363:A:ILE:HD11	1:412:A:LEU:HD13	8	1.06
(1,279)	1:363:A:ILE:HD12	1:412:A:LEU:HD11	8	1.06
(1,279)	1:363:A:ILE:HD12	1:412:A:LEU:HD12	8	1.06
(1,279)	1:363:A:ILE:HD12	1:412:A:LEU:HD13	8	1.06
(1,279)	1:363:A:ILE:HD13	1:412:A:LEU:HD11	8	1.06
(1,279)	1:363:A:ILE:HD13	1:412:A:LEU:HD12	8	1.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,279)	1:363:A:ILE:HD13	1:412:A:LEU:HD13	8	1.06
(1,88)	1:370:A:ASN:HA	1:387:A:TYR:HB3	5	1.06
(1,84)	1:358:A:ASP:HA	1:360:A:GLU:HG2	7	1.06
(1,84)	1:358:A:ASP:HA	1:360:A:GLU:HG3	7	1.06
(1,84)	1:358:A:ASP:HA	1:360:A:GLU:HG2	9	1.06
(1,84)	1:358:A:ASP:HA	1:360:A:GLU:HG3	9	1.06
(1,65)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:HB	5	1.06
(1,65)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:HB	5	1.06
(1,1451)	1:387:A:TYR:HD2	1:394:A:LEU:HD11	9	1.05
(1,1451)	1:387:A:TYR:HD2	1:394:A:LEU:HD12	9	1.05
(1,1451)	1:387:A:TYR:HD2	1:394:A:LEU:HD13	9	1.05
(1,1451)	1:387:A:TYR:HD2	1:394:A:LEU:HD21	9	1.05
(1,1451)	1:387:A:TYR:HD2	1:394:A:LEU:HD22	9	1.05
(1,1451)	1:387:A:TYR:HD2	1:394:A:LEU:HD23	9	1.05
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HE	5	1.05
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HE	5	1.05
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HE	5	1.05
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HE	5	1.05
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HE	5	1.05
(1,1330)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HE	5	1.05
(1,1218)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HG	4	1.05
(1,1196)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD21	2	1.05
(1,1196)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD22	2	1.05
(1,1196)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD23	2	1.05
(1,806)	1:365:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HG3	6	1.05
(1,399)	1:353:A:PHE:HA	1:366:A:ILE:HG21	2	1.05
(1,399)	1:353:A:PHE:HA	1:366:A:ILE:HG22	2	1.05
(1,399)	1:353:A:PHE:HA	1:366:A:ILE:HG23	2	1.05
(1,385)	1:358:A:ASP:HA	1:363:A:ILE:HG21	5	1.05
(1,385)	1:358:A:ASP:HA	1:363:A:ILE:HG22	5	1.05
(1,385)	1:358:A:ASP:HA	1:363:A:ILE:HG23	5	1.05
(1,1494)	1:405:A:LYS:HG2	1:413:A:PHE:HE2	10	1.04
(1,1494)	1:405:A:LYS:HG3	1:413:A:PHE:HE2	10	1.04
(1,866)	1:352:A:ASN:H	1:352:A:ASN:HD21	1	1.04
(1,806)	1:365:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HG3	3	1.04
(1,496)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD11	4	1.04
(1,496)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD12	4	1.04
(1,496)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD13	4	1.04
(1,345)	1:365:A:ARG:HD2	1:367:A:VAL:HG21	9	1.04
(1,345)	1:365:A:ARG:HD2	1:367:A:VAL:HG22	9	1.04
(1,345)	1:365:A:ARG:HD2	1:367:A:VAL:HG23	9	1.04
(1,327)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD11	5	1.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,327)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD12	5	1.04
(1,327)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD13	5	1.04
(1,287)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD11	7	1.04
(1,287)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD12	7	1.04
(1,287)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD13	7	1.04
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HD2	6	1.03
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HD3	6	1.03
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HD2	6	1.03
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HD3	6	1.03
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HD2	6	1.03
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HD3	6	1.03
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HD2	6	1.03
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HD3	6	1.03
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HD2	6	1.03
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HD3	6	1.03
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HD2	6	1.03
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HD3	6	1.03
(1,1199)	1:393:A:ALA:HA	1:396:A:HIS:HD2	9	1.03
(1,1198)	1:396:A:HIS:HD2	1:397:A:TYR:HA	1	1.03
(1,1180)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HA	2	1.03
(1,1163)	1:398:A:TYR:HA	1:398:A:TYR:HD2	4	1.03
(1,1116)	1:354:A:ILE:H	1:368:A:ASP:HB2	2	1.03
(1,1110)	1:327:A:HIS:HE1	1:328:A:MET:H	7	1.03
(1,643)	1:406:A:GLU:H	1:413:A:PHE:HB3	1	1.03
(1,572)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG11	7	1.03
(1,572)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG12	7	1.03
(1,572)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG13	7	1.03
(1,265)	1:391:A:SER:HA	1:394:A:LEU:HG	4	1.03
(1,203)	1:345:A:LEU:HG	1:355:A:ARG:HA	9	1.03
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD11	1	1.02
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD12	1	1.02
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD13	1	1.02
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD21	1	1.02
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD22	1	1.02
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD23	1	1.02
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD11	1	1.02
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD12	1	1.02
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD13	1	1.02
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD21	1	1.02
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD22	1	1.02
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD23	1	1.02
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD11	1	1.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD12	1	1.02
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD13	1	1.02
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD21	1	1.02
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD22	1	1.02
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD23	1	1.02
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD11	10	1.02
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD12	10	1.02
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD13	10	1.02
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD21	10	1.02
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD22	10	1.02
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD23	10	1.02
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD11	10	1.02
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD12	10	1.02
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD13	10	1.02
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD21	10	1.02
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD22	10	1.02
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD23	10	1.02
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD11	10	1.02
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD12	10	1.02
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD13	10	1.02
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD21	10	1.02
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD22	10	1.02
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD23	10	1.02
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD11	6	1.02
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD12	6	1.02
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD13	6	1.02
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD21	6	1.02
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD22	6	1.02
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD23	6	1.02
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD11	9	1.02
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD12	9	1.02
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD13	9	1.02
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD21	9	1.02
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD22	9	1.02
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD23	9	1.02
(1,1199)	1:393:A:ALA:HA	1:396:A:HIS:HD2	8	1.02
(1,1191)	1:336:A:LEU:HB2	1:338:A:TRP:HD1	3	1.02
(1,1191)	1:336:A:LEU:HB3	1:338:A:TRP:HD1	3	1.02
(1,1116)	1:354:A:ILE:H	1:368:A:ASP:HB2	3	1.02
(1,1116)	1:354:A:ILE:H	1:368:A:ASP:HB2	9	1.02
(1,1109)	1:354:A:ILE:H	1:355:A:ARG:HE	6	1.02
(1,540)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD21	6	1.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,540)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD22	6	1.02
(1,540)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD23	6	1.02
(1,385)	1:358:A:ASP:HA	1:363:A:ILE:HG21	8	1.02
(1,385)	1:358:A:ASP:HA	1:363:A:ILE:HG22	8	1.02
(1,385)	1:358:A:ASP:HA	1:363:A:ILE:HG23	8	1.02
(1,364)	1:403:A:ILE:HG21	1:413:A:PHE:HE2	9	1.02
(1,364)	1:403:A:ILE:HG22	1:413:A:PHE:HE2	9	1.02
(1,364)	1:403:A:ILE:HG23	1:413:A:PHE:HE2	9	1.02
(1,360)	1:403:A:ILE:HG21	1:413:A:PHE:HD2	5	1.02
(1,360)	1:403:A:ILE:HG22	1:413:A:PHE:HD2	5	1.02
(1,360)	1:403:A:ILE:HG23	1:413:A:PHE:HD2	5	1.02
(1,327)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD11	4	1.02
(1,327)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD12	4	1.02
(1,327)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD13	4	1.02
(1,324)	1:346:A:SER:H	1:354:A:ILE:HD11	10	1.02
(1,324)	1:346:A:SER:H	1:354:A:ILE:HD12	10	1.02
(1,324)	1:346:A:SER:H	1:354:A:ILE:HD13	10	1.02
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD11	2	1.01
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD12	2	1.01
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD13	2	1.01
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD21	2	1.01
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD22	2	1.01
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD23	2	1.01
(1,1201)	1:394:A:LEU:HG	1:397:A:TYR:HE2	5	1.01
(1,1116)	1:354:A:ILE:H	1:368:A:ASP:HB2	4	1.01
(1,1116)	1:354:A:ILE:H	1:368:A:ASP:HB2	10	1.01
(1,780)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:H	3	1.01
(1,712)	1:404:A:ARG:H	1:416:A:MET:HG2	1	1.01
(1,712)	1:404:A:ARG:H	1:416:A:MET:HG3	1	1.01
(1,572)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG11	5	1.01
(1,572)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG12	5	1.01
(1,572)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG13	5	1.01
(1,567)	1:386:A:THR:HG21	1:387:A:TYR:HB3	10	1.01
(1,567)	1:386:A:THR:HG22	1:387:A:TYR:HB3	10	1.01
(1,567)	1:386:A:THR:HG23	1:387:A:TYR:HB3	10	1.01
(1,401)	1:353:A:PHE:HB3	1:366:A:ILE:HG21	5	1.01
(1,401)	1:353:A:PHE:HB3	1:366:A:ILE:HG22	5	1.01
(1,401)	1:353:A:PHE:HB3	1:366:A:ILE:HG23	5	1.01
(1,231)	1:340:A:TYR:HE1	1:376:A:TRP:HA	10	1.01
(1,203)	1:345:A:LEU:HG	1:355:A:ARG:HA	7	1.01
(1,203)	1:345:A:LEU:HG	1:355:A:ARG:HA	8	1.01
(1,118)	1:353:A:PHE:HB3	1:372:A:LEU:HG	2	1.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD11	1:338:A:TRP:HZ2	8	1.0
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD12	1:338:A:TRP:HZ2	8	1.0
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD13	1:338:A:TRP:HZ2	8	1.0
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HZ2	8	1.0
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HZ2	8	1.0
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HZ2	8	1.0
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD11	1:338:A:TRP:HD1	7	1.0
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD12	1:338:A:TRP:HD1	7	1.0
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD13	1:338:A:TRP:HD1	7	1.0
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HD1	7	1.0
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HD1	7	1.0
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HD1	7	1.0
(1,1157)	1:349:A:ARG:HG2	1:350:A:TYR:HD2	3	1.0
(1,1157)	1:349:A:ARG:HG3	1:350:A:TYR:HD2	3	1.0
(1,832)	1:418:A:THR:H	1:422:A:ILE:H	5	1.0
(1,385)	1:358:A:ASP:HA	1:363:A:ILE:HG21	6	1.0
(1,385)	1:358:A:ASP:HA	1:363:A:ILE:HG22	6	1.0
(1,385)	1:358:A:ASP:HA	1:363:A:ILE:HG23	6	1.0
(1,335)	1:361:A:SER:HB3	1:363:A:ILE:HB	9	1.0
(1,151)	1:365:A:ARG:HD3	1:366:A:ILE:H	10	1.0
(1,1180)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HA	3	0.99
(1,1161)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HB2	5	0.99
(1,1161)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HB3	5	0.99
(1,995)	1:359:A:LYS:HD2	1:363:A:ILE:H	7	0.99
(1,995)	1:359:A:LYS:HD3	1:363:A:ILE:H	7	0.99
(1,477)	1:425:A:GLY:H	1:426:A:ARG:HG2	8	0.99
(1,477)	1:425:A:GLY:H	1:426:A:ARG:HG3	8	0.99
(1,462)	1:417:A:LYS:HD2	1:418:A:THR:H	7	0.99
(1,462)	1:417:A:LYS:HD3	1:418:A:THR:H	7	0.99
(1,372)	1:373:A:ALA:HB1	1:387:A:TYR:HD2	8	0.99
(1,372)	1:373:A:ALA:HB2	1:387:A:TYR:HD2	8	0.99
(1,372)	1:373:A:ALA:HB3	1:387:A:TYR:HD2	8	0.99
(1,324)	1:346:A:SER:H	1:354:A:ILE:HD11	3	0.99
(1,324)	1:346:A:SER:H	1:354:A:ILE:HD12	3	0.99
(1,324)	1:346:A:SER:H	1:354:A:ILE:HD13	3	0.99
(1,1375)	1:357:A:GLU:HG2	1:412:A:LEU:HA	3	0.98
(1,1375)	1:357:A:GLU:HG3	1:412:A:LEU:HA	3	0.98
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD11	1:357:A:GLU:H	5	0.98
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD12	1:357:A:GLU:H	5	0.98
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD13	1:357:A:GLU:H	5	0.98
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD21	1:357:A:GLU:H	5	0.98
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD22	1:357:A:GLU:H	5	0.98

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD23	1:357:A:GLU:H	5	0.98
(1,1171)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG21	5	0.98
(1,1171)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG22	5	0.98
(1,1171)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG23	5	0.98
(1,1158)	1:387:A:TYR:HA	1:387:A:TYR:HD2	1	0.98
(1,1110)	1:327:A:HIS:HE1	1:328:A:MET:H	4	0.98
(1,1081)	1:372:A:LEU:HG	1:376:A:TRP:H	10	0.98
(1,904)	1:366:A:ILE:H	1:368:A:ASP:H	7	0.98
(1,780)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:H	8	0.98
(1,633)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:H	8	0.98
(1,633)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:H	8	0.98
(1,597)	1:356:A:TRP:HE1	1:359:A:LYS:HE2	2	0.98
(1,597)	1:356:A:TRP:HE1	1:359:A:LYS:HE3	2	0.98
(1,65)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:HB	4	0.98
(1,65)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:HB	4	0.98
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD11	1:367:A:VAL:HG21	5	0.97
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD11	1:367:A:VAL:HG22	5	0.97
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD11	1:367:A:VAL:HG23	5	0.97
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD12	1:367:A:VAL:HG21	5	0.97
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD12	1:367:A:VAL:HG22	5	0.97
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD12	1:367:A:VAL:HG23	5	0.97
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD13	1:367:A:VAL:HG21	5	0.97
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD13	1:367:A:VAL:HG22	5	0.97
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD13	1:367:A:VAL:HG23	5	0.97
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD21	1:367:A:VAL:HG21	5	0.97
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD21	1:367:A:VAL:HG22	5	0.97
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD21	1:367:A:VAL:HG23	5	0.97
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD22	1:367:A:VAL:HG21	5	0.97
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD22	1:367:A:VAL:HG22	5	0.97
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD22	1:367:A:VAL:HG23	5	0.97
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD23	1:367:A:VAL:HG21	5	0.97
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD23	1:367:A:VAL:HG22	5	0.97
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD23	1:367:A:VAL:HG23	5	0.97
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HD2	10	0.97
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HD3	10	0.97
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HD2	10	0.97
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HD3	10	0.97
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HD2	10	0.97
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HD3	10	0.97
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HD2	10	0.97
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HD3	10	0.97
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HD2	10	0.97

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HD3	10	0.97
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HD2	10	0.97
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HD3	10	0.97
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD11	1:338:A:TRP:HZ2	2	0.97
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD12	1:338:A:TRP:HZ2	2	0.97
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD13	1:338:A:TRP:HZ2	2	0.97
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HZ2	2	0.97
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HZ2	2	0.97
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HZ2	2	0.97
(1,1204)	1:398:A:TYR:HE1	1:404:A:ARG:HA	3	0.97
(1,1199)	1:393:A:ALA:HA	1:396:A:HIS:HD2	7	0.97
(1,1171)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG21	7	0.97
(1,1171)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG22	7	0.97
(1,1171)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG23	7	0.97
(1,995)	1:359:A:LYS:HD2	1:363:A:ILE:H	5	0.97
(1,995)	1:359:A:LYS:HD3	1:363:A:ILE:H	5	0.97
(1,943)	1:400:A:LEU:H	1:400:A:LEU:HG	10	0.97
(1,329)	1:348:A:SER:HB2	1:351:A:GLU:HG2	6	0.97
(1,329)	1:348:A:SER:HB2	1:351:A:GLU:HG3	6	0.97
(1,329)	1:348:A:SER:HB3	1:351:A:GLU:HG2	6	0.97
(1,329)	1:348:A:SER:HB3	1:351:A:GLU:HG3	6	0.97
(1,324)	1:346:A:SER:H	1:354:A:ILE:HD11	7	0.97
(1,324)	1:346:A:SER:H	1:354:A:ILE:HD12	7	0.97
(1,324)	1:346:A:SER:H	1:354:A:ILE:HD13	7	0.97
(1,121)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HB2	1	0.97
(1,121)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HB3	1	0.97
(1,118)	1:353:A:PHE:HB3	1:372:A:LEU:HG	8	0.97
(1,116)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HG	4	0.97
(1,1199)	1:393:A:ALA:HA	1:396:A:HIS:HD2	6	0.96
(1,1129)	1:398:A:TYR:H	1:402:A:ILE:HD11	4	0.96
(1,1129)	1:398:A:TYR:H	1:402:A:ILE:HD12	4	0.96
(1,1129)	1:398:A:TYR:H	1:402:A:ILE:HD13	4	0.96
(1,922)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HD11	8	0.96
(1,922)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HD12	8	0.96
(1,922)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HD13	8	0.96
(1,861)	1:386:A:THR:H	1:389:A:LYS:HD2	1	0.96
(1,861)	1:386:A:THR:H	1:389:A:LYS:HD3	1	0.96
(1,496)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD11	7	0.96
(1,496)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD12	7	0.96
(1,496)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD13	7	0.96
(1,214)	1:373:A:ALA:HB1	1:385:A:MET:HA	3	0.96
(1,214)	1:373:A:ALA:HB2	1:385:A:MET:HA	3	0.96

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,214)	1:373:A:ALA:HB3	1:385:A:MET:HA	3	0.96
(1,151)	1:365:A:ARG:HD3	1:366:A:ILE:H	3	0.96
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD11	3	0.95
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD12	3	0.95
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD13	3	0.95
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD21	3	0.95
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD22	3	0.95
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD23	3	0.95
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD2	1:411:A:LEU:HD11	4	0.95
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD2	1:411:A:LEU:HD12	4	0.95
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD2	1:411:A:LEU:HD13	4	0.95
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD2	1:411:A:LEU:HD21	4	0.95
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD2	1:411:A:LEU:HD22	4	0.95
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD2	1:411:A:LEU:HD23	4	0.95
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD3	1:411:A:LEU:HD11	4	0.95
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD3	1:411:A:LEU:HD12	4	0.95
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD3	1:411:A:LEU:HD13	4	0.95
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD3	1:411:A:LEU:HD21	4	0.95
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD3	1:411:A:LEU:HD22	4	0.95
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD3	1:411:A:LEU:HD23	4	0.95
(1,1362)	1:353:A:PHE:H	1:372:A:LEU:HD11	10	0.95
(1,1362)	1:353:A:PHE:H	1:372:A:LEU:HD12	10	0.95
(1,1362)	1:353:A:PHE:H	1:372:A:LEU:HD13	10	0.95
(1,1362)	1:353:A:PHE:H	1:372:A:LEU:HD21	10	0.95
(1,1362)	1:353:A:PHE:H	1:372:A:LEU:HD22	10	0.95
(1,1362)	1:353:A:PHE:H	1:372:A:LEU:HD23	10	0.95
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD11	5	0.95
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD12	5	0.95
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD13	5	0.95
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD21	5	0.95
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD22	5	0.95
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD23	5	0.95
(1,933)	1:350:A:TYR:H	1:350:A:TYR:HE2	7	0.95
(1,904)	1:366:A:ILE:H	1:368:A:ASP:H	9	0.95
(1,780)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:H	10	0.95
(1,591)	1:342:A:TYR:HE2	1:356:A:TRP:HE1	4	0.95
(1,505)	1:412:A:LEU:HD11	1:413:A:PHE:HE1	3	0.95
(1,505)	1:412:A:LEU:HD12	1:413:A:PHE:HE1	3	0.95
(1,505)	1:412:A:LEU:HD13	1:413:A:PHE:HE1	3	0.95
(1,396)	1:366:A:ILE:HG21	1:387:A:TYR:HD2	4	0.95
(1,396)	1:366:A:ILE:HG22	1:387:A:TYR:HD2	4	0.95
(1,396)	1:366:A:ILE:HG23	1:387:A:TYR:HD2	4	0.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,329)	1:348:A:SER:HB2	1:351:A:GLU:HG2	3	0.95
(1,329)	1:348:A:SER:HB2	1:351:A:GLU:HG3	3	0.95
(1,329)	1:348:A:SER:HB3	1:351:A:GLU:HG2	3	0.95
(1,329)	1:348:A:SER:HB3	1:351:A:GLU:HG3	3	0.95
(1,136)	1:356:A:TRP:HZ2	1:359:A:LYS:HE2	9	0.95
(1,136)	1:356:A:TRP:HZ2	1:359:A:LYS:HE3	9	0.95
(1,10)	1:376:A:TRP:HZ2	1:385:A:MET:HE1	4	0.95
(1,10)	1:376:A:TRP:HZ2	1:385:A:MET:HE2	4	0.95
(1,10)	1:376:A:TRP:HZ2	1:385:A:MET:HE3	4	0.95
(1,1175)	1:397:A:TYR:HD1	1:402:A:ILE:HB	6	0.94
(1,1171)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG21	4	0.94
(1,1171)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG22	4	0.94
(1,1171)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG23	4	0.94
(1,922)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HD11	1	0.94
(1,922)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HD12	1	0.94
(1,922)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HD13	1	0.94
(1,702)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:H	2	0.94
(1,702)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:H	10	0.94
(1,666)	1:366:A:ILE:H	1:413:A:PHE:HZ	3	0.94
(1,638)	1:406:A:GLU:H	1:413:A:PHE:HD2	8	0.94
(1,399)	1:353:A:PHE:HA	1:366:A:ILE:HG21	7	0.94
(1,399)	1:353:A:PHE:HA	1:366:A:ILE:HG22	7	0.94
(1,399)	1:353:A:PHE:HA	1:366:A:ILE:HG23	7	0.94
(1,397)	1:366:A:ILE:HG21	1:387:A:TYR:HE2	5	0.94
(1,397)	1:366:A:ILE:HG22	1:387:A:TYR:HE2	5	0.94
(1,397)	1:366:A:ILE:HG23	1:387:A:TYR:HE2	5	0.94
(1,172)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE1	6	0.94
(1,172)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE2	6	0.94
(1,172)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE3	6	0.94
(1,84)	1:358:A:ASP:HA	1:360:A:GLU:HG2	6	0.94
(1,84)	1:358:A:ASP:HA	1:360:A:GLU:HG3	6	0.94
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD11	2	0.93
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD12	2	0.93
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD13	2	0.93
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD21	2	0.93
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD22	2	0.93
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD23	2	0.93
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD11	5	0.93
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD12	5	0.93
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD13	5	0.93
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD21	5	0.93
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD22	5	0.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD23	5	0.93
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD11	5	0.93
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD12	5	0.93
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD13	5	0.93
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD21	5	0.93
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD22	5	0.93
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD23	5	0.93
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD11	5	0.93
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD12	5	0.93
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD13	5	0.93
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD21	5	0.93
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD22	5	0.93
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD23	5	0.93
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD11	1:367:A:VAL:HG21	3	0.93
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD11	1:367:A:VAL:HG22	3	0.93
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD11	1:367:A:VAL:HG23	3	0.93
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD12	1:367:A:VAL:HG21	3	0.93
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD12	1:367:A:VAL:HG22	3	0.93
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD12	1:367:A:VAL:HG23	3	0.93
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD13	1:367:A:VAL:HG21	3	0.93
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD13	1:367:A:VAL:HG22	3	0.93
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD13	1:367:A:VAL:HG23	3	0.93
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD21	1:367:A:VAL:HG21	3	0.93
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD21	1:367:A:VAL:HG22	3	0.93
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD21	1:367:A:VAL:HG23	3	0.93
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD22	1:367:A:VAL:HG21	3	0.93
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD22	1:367:A:VAL:HG22	3	0.93
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD22	1:367:A:VAL:HG23	3	0.93
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD23	1:367:A:VAL:HG21	3	0.93
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD23	1:367:A:VAL:HG22	3	0.93
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD23	1:367:A:VAL:HG23	3	0.93
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD11	7	0.93
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD12	7	0.93
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD13	7	0.93
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD21	7	0.93
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD22	7	0.93
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD23	7	0.93
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD21	5	0.93
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD22	5	0.93
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD23	5	0.93
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD11	5	0.93
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD12	5	0.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD13	5	0.93
(1,1202)	1:397:A:TYR:HA	1:397:A:TYR:HE1	6	0.93
(1,1196)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD21	6	0.93
(1,1196)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD22	6	0.93
(1,1196)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD23	6	0.93
(1,643)	1:406:A:GLU:H	1:413:A:PHE:HB3	4	0.93
(1,401)	1:353:A:PHE:HB3	1:366:A:ILE:HG21	4	0.93
(1,401)	1:353:A:PHE:HB3	1:366:A:ILE:HG22	4	0.93
(1,401)	1:353:A:PHE:HB3	1:366:A:ILE:HG23	4	0.93
(1,361)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG21	2	0.93
(1,361)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG22	2	0.93
(1,361)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG23	2	0.93
(1,361)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG21	3	0.93
(1,361)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG22	3	0.93
(1,361)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG23	3	0.93
(1,324)	1:346:A:SER:H	1:354:A:ILE:HD11	6	0.93
(1,324)	1:346:A:SER:H	1:354:A:ILE:HD12	6	0.93
(1,324)	1:346:A:SER:H	1:354:A:ILE:HD13	6	0.93
(1,191)	1:406:A:GLU:HA	1:412:A:LEU:HB3	7	0.93
(1,118)	1:353:A:PHE:HB3	1:372:A:LEU:HG	1	0.93
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD11	8	0.92
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD12	8	0.92
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD13	8	0.92
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD21	8	0.92
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD22	8	0.92
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD23	8	0.92
(1,1150)	1:378:A:ASN:H	1:378:A:ASN:HD22	5	0.92
(1,933)	1:350:A:TYR:H	1:350:A:TYR:HE2	3	0.92
(1,780)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:H	6	0.92
(1,401)	1:353:A:PHE:HB3	1:366:A:ILE:HG21	1	0.92
(1,401)	1:353:A:PHE:HB3	1:366:A:ILE:HG22	1	0.92
(1,401)	1:353:A:PHE:HB3	1:366:A:ILE:HG23	1	0.92
(1,365)	1:364:A:PHE:HE1	1:403:A:ILE:HG21	2	0.92
(1,365)	1:364:A:PHE:HE1	1:403:A:ILE:HG22	2	0.92
(1,365)	1:364:A:PHE:HE1	1:403:A:ILE:HG23	2	0.92
(1,361)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG21	1	0.92
(1,361)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG22	1	0.92
(1,361)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG23	1	0.92
(1,240)	1:415:A:PHE:HA	1:415:A:PHE:HE1	4	0.92
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD11	7	0.91
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD12	7	0.91
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD13	7	0.91

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD21	7	0.91
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD22	7	0.91
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD23	7	0.91
(1,1222)	1:366:A:ILE:HG12	1:387:A:TYR:HE2	10	0.91
(1,1222)	1:366:A:ILE:HG13	1:387:A:TYR:HE2	10	0.91
(1,869)	1:391:A:SER:H	1:394:A:LEU:HG	5	0.91
(1,666)	1:366:A:ILE:H	1:413:A:PHE:HZ	10	0.91
(1,643)	1:406:A:GLU:H	1:413:A:PHE:HB3	7	0.91
(1,626)	1:355:A:ARG:H	1:367:A:VAL:H	10	0.91
(1,606)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HA	6	0.91
(1,559)	1:417:A:LYS:HE2	1:418:A:THR:HG21	8	0.91
(1,559)	1:417:A:LYS:HE2	1:418:A:THR:HG22	8	0.91
(1,559)	1:417:A:LYS:HE2	1:418:A:THR:HG23	8	0.91
(1,559)	1:417:A:LYS:HE3	1:418:A:THR:HG21	8	0.91
(1,559)	1:417:A:LYS:HE3	1:418:A:THR:HG22	8	0.91
(1,559)	1:417:A:LYS:HE3	1:418:A:THR:HG23	8	0.91
(1,411)	1:365:A:ARG:HD3	1:367:A:VAL:HA	3	0.91
(1,411)	1:365:A:ARG:HD2	1:367:A:VAL:HA	3	0.91
(1,361)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG21	4	0.91
(1,361)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG22	4	0.91
(1,361)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG23	4	0.91
(1,344)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG21	6	0.91
(1,344)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG22	6	0.91
(1,344)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG23	6	0.91
(1,248)	1:376:A:TRP:HD1	1:390:A:MET:HA	8	0.91
(1,1494)	1:405:A:LYS:HG2	1:413:A:PHE:HE2	2	0.9
(1,1494)	1:405:A:LYS:HG3	1:413:A:PHE:HE2	2	0.9
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD11	1	0.9
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD12	1	0.9
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD13	1	0.9
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD21	1	0.9
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD22	1	0.9
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD23	1	0.9
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD11	4	0.9
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD12	4	0.9
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD13	4	0.9
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD21	4	0.9
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD22	4	0.9
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD23	4	0.9
(1,1196)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD21	9	0.9
(1,1196)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD22	9	0.9
(1,1196)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD23	9	0.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1158)	1:387:A:TYR:HA	1:387:A:TYR:HD2	4	0.9
(1,922)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HD11	5	0.9
(1,922)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HD12	5	0.9
(1,922)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HD13	5	0.9
(1,904)	1:366:A:ILE:H	1:368:A:ASP:H	10	0.9
(1,780)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:H	2	0.9
(1,638)	1:406:A:GLU:H	1:413:A:PHE:HD2	3	0.9
(1,191)	1:406:A:GLU:HA	1:412:A:LEU:HB3	8	0.9
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD11	2	0.89
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD12	2	0.89
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD13	2	0.89
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD21	2	0.89
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD22	2	0.89
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD23	2	0.89
(1,829)	1:417:A:LYS:HG2	1:418:A:THR:H	10	0.89
(1,829)	1:417:A:LYS:HG3	1:418:A:THR:H	10	0.89
(1,567)	1:386:A:THR:HG21	1:387:A:TYR:HB3	8	0.89
(1,567)	1:386:A:THR:HG22	1:387:A:TYR:HB3	8	0.89
(1,567)	1:386:A:THR:HG23	1:387:A:TYR:HB3	8	0.89
(1,377)	1:373:A:ALA:HB1	1:385:A:MET:HB3	5	0.89
(1,377)	1:373:A:ALA:HB2	1:385:A:MET:HB3	5	0.89
(1,377)	1:373:A:ALA:HB3	1:385:A:MET:HB3	5	0.89
(1,377)	1:373:A:ALA:HB1	1:385:A:MET:HB2	5	0.89
(1,377)	1:373:A:ALA:HB2	1:385:A:MET:HB2	5	0.89
(1,377)	1:373:A:ALA:HB3	1:385:A:MET:HB2	5	0.89
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD11	9	0.88
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD12	9	0.88
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD13	9	0.88
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD21	9	0.88
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD22	9	0.88
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD23	9	0.88
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD11	9	0.88
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD12	9	0.88
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD13	9	0.88
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD21	9	0.88
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD22	9	0.88
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD23	9	0.88
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD11	9	0.88
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD12	9	0.88
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD13	9	0.88
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD21	9	0.88
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD22	9	0.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD23	9	0.88
(1,1360)	1:352:A:ASN:HB2	1:367:A:VAL:HB	10	0.88
(1,1360)	1:352:A:ASN:HB3	1:367:A:VAL:HB	10	0.88
(1,1198)	1:396:A:HIS:HD2	1:397:A:TYR:HA	4	0.88
(1,726)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:H	1	0.88
(1,643)	1:406:A:GLU:H	1:413:A:PHE:HB3	2	0.88
(1,606)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HA	10	0.88
(1,569)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG11	3	0.88
(1,569)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG12	3	0.88
(1,569)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG13	3	0.88
(1,496)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD11	2	0.88
(1,496)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD12	2	0.88
(1,496)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD13	2	0.88
(1,1208)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HB	2	0.87
(1,1158)	1:387:A:TYR:HA	1:387:A:TYR:HD2	9	0.87
(1,631)	1:365:A:ARG:HD3	1:367:A:VAL:H	10	0.87
(1,572)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG11	4	0.87
(1,572)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG12	4	0.87
(1,572)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG13	4	0.87
(1,335)	1:361:A:SER:HB3	1:363:A:ILE:HB	10	0.87
(1,1477)	1:397:A:TYR:HD1	1:400:A:LEU:HD11	9	0.86
(1,1477)	1:397:A:TYR:HD1	1:400:A:LEU:HD12	9	0.86
(1,1477)	1:397:A:TYR:HD1	1:400:A:LEU:HD13	9	0.86
(1,1477)	1:397:A:TYR:HD1	1:400:A:LEU:HD21	9	0.86
(1,1477)	1:397:A:TYR:HD1	1:400:A:LEU:HD22	9	0.86
(1,1477)	1:397:A:TYR:HD1	1:400:A:LEU:HD23	9	0.86
(1,1213)	1:340:A:TYR:HA	1:340:A:TYR:HE2	9	0.86
(1,1174)	1:394:A:LEU:HG	1:397:A:TYR:HD2	9	0.86
(1,1104)	1:354:A:ILE:H	1:366:A:ILE:HA	6	0.86
(1,780)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:H	5	0.86
(1,329)	1:348:A:SER:HB2	1:351:A:GLU:HG2	4	0.86
(1,329)	1:348:A:SER:HB2	1:351:A:GLU:HG3	4	0.86
(1,329)	1:348:A:SER:HB3	1:351:A:GLU:HG2	4	0.86
(1,329)	1:348:A:SER:HB3	1:351:A:GLU:HG3	4	0.86
(1,287)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD11	8	0.86
(1,287)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD12	8	0.86
(1,287)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HD13	8	0.86
(1,84)	1:358:A:ASP:HA	1:360:A:GLU:HG2	4	0.86
(1,84)	1:358:A:ASP:HA	1:360:A:GLU:HG3	4	0.86
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD11	1:338:A:TRP:HH2	9	0.85
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD12	1:338:A:TRP:HH2	9	0.85
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD13	1:338:A:TRP:HH2	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HH2	9	0.85
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HH2	9	0.85
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HH2	9	0.85
(1,1206)	1:397:A:TYR:HB2	1:398:A:TYR:HE2	4	0.85
(1,1171)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG21	9	0.85
(1,1171)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG22	9	0.85
(1,1171)	1:340:A:TYR:HD1	1:341:A:VAL:HG23	9	0.85
(1,1167)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HB	2	0.85
(1,1008)	1:412:A:LEU:H	1:413:A:PHE:HD1	1	0.85
(1,922)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HD11	9	0.85
(1,922)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HD12	9	0.85
(1,922)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HD13	9	0.85
(1,643)	1:406:A:GLU:H	1:413:A:PHE:HB3	8	0.85
(1,546)	1:336:A:LEU:HD11	1:338:A:TRP:HH2	3	0.85
(1,546)	1:336:A:LEU:HD12	1:338:A:TRP:HH2	3	0.85
(1,546)	1:336:A:LEU:HD13	1:338:A:TRP:HH2	3	0.85
(1,396)	1:366:A:ILE:HG21	1:387:A:TYR:HD2	9	0.85
(1,396)	1:366:A:ILE:HG22	1:387:A:TYR:HD2	9	0.85
(1,396)	1:366:A:ILE:HG23	1:387:A:TYR:HD2	9	0.85
(1,326)	1:341:A:VAL:HA	1:354:A:ILE:HD11	5	0.85
(1,326)	1:341:A:VAL:HA	1:354:A:ILE:HD12	5	0.85
(1,326)	1:341:A:VAL:HA	1:354:A:ILE:HD13	5	0.85
(1,214)	1:373:A:ALA:HB1	1:385:A:MET:HA	5	0.85
(1,214)	1:373:A:ALA:HB2	1:385:A:MET:HA	5	0.85
(1,214)	1:373:A:ALA:HB3	1:385:A:MET:HA	5	0.85
(1,121)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HB2	6	0.85
(1,121)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HB3	6	0.85
(1,52)	1:357:A:GLU:HB2	1:412:A:LEU:HD21	9	0.85
(1,52)	1:357:A:GLU:HB2	1:412:A:LEU:HD22	9	0.85
(1,52)	1:357:A:GLU:HB2	1:412:A:LEU:HD23	9	0.85
(1,52)	1:357:A:GLU:HB3	1:412:A:LEU:HD21	9	0.85
(1,52)	1:357:A:GLU:HB3	1:412:A:LEU:HD22	9	0.85
(1,52)	1:357:A:GLU:HB3	1:412:A:LEU:HD23	9	0.85
(1,1433)	1:376:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HG2	4	0.84
(1,1433)	1:376:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HG3	4	0.84
(1,1291)	1:341:A:VAL:HG11	1:364:A:PHE:HD2	5	0.84
(1,1291)	1:341:A:VAL:HG12	1:364:A:PHE:HD2	5	0.84
(1,1291)	1:341:A:VAL:HG13	1:364:A:PHE:HD2	5	0.84
(1,1291)	1:341:A:VAL:HG21	1:364:A:PHE:HD2	5	0.84
(1,1291)	1:341:A:VAL:HG22	1:364:A:PHE:HD2	5	0.84
(1,1291)	1:341:A:VAL:HG23	1:364:A:PHE:HD2	5	0.84
(1,1204)	1:398:A:TYR:HE1	1:404:A:ARG:HA	10	0.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1191)	1:336:A:LEU:HB2	1:338:A:TRP:HD1	6	0.84
(1,1191)	1:336:A:LEU:HB3	1:338:A:TRP:HD1	6	0.84
(1,1158)	1:387:A:TYR:HA	1:387:A:TYR:HD2	7	0.84
(1,922)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HD11	4	0.84
(1,922)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HD12	4	0.84
(1,922)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HD13	4	0.84
(1,543)	1:410:A:ARG:HD2	1:411:A:LEU:HD21	4	0.84
(1,543)	1:410:A:ARG:HD2	1:411:A:LEU:HD22	4	0.84
(1,543)	1:410:A:ARG:HD2	1:411:A:LEU:HD23	4	0.84
(1,543)	1:410:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD21	4	0.84
(1,543)	1:410:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD22	4	0.84
(1,543)	1:410:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD23	4	0.84
(1,401)	1:353:A:PHE:HB3	1:366:A:ILE:HG21	3	0.84
(1,401)	1:353:A:PHE:HB3	1:366:A:ILE:HG22	3	0.84
(1,401)	1:353:A:PHE:HB3	1:366:A:ILE:HG23	3	0.84
(1,399)	1:353:A:PHE:HA	1:366:A:ILE:HG21	1	0.84
(1,399)	1:353:A:PHE:HA	1:366:A:ILE:HG22	1	0.84
(1,399)	1:353:A:PHE:HA	1:366:A:ILE:HG23	1	0.84
(1,397)	1:366:A:ILE:HG21	1:387:A:TYR:HE2	9	0.84
(1,397)	1:366:A:ILE:HG22	1:387:A:TYR:HE2	9	0.84
(1,397)	1:366:A:ILE:HG23	1:387:A:TYR:HE2	9	0.84
(1,327)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD11	9	0.84
(1,327)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD12	9	0.84
(1,327)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD13	9	0.84
(1,1522)	1:416:A:MET:H	1:417:A:LYS:HB2	9	0.83
(1,1522)	1:416:A:MET:H	1:417:A:LYS:HB3	9	0.83
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HD2	7	0.83
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HD3	7	0.83
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HD2	7	0.83
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HD3	7	0.83
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HD2	7	0.83
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HD3	7	0.83
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HD2	7	0.83
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HD3	7	0.83
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HD2	7	0.83
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HD3	7	0.83
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HD2	7	0.83
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HD3	7	0.83
(1,1218)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HG	2	0.83
(1,1216)	1:340:A:TYR:HE2	1:379:A:HIS:HB2	2	0.83
(1,1216)	1:340:A:TYR:HE2	1:379:A:HIS:HB3	2	0.83
(1,1191)	1:336:A:LEU:HB2	1:338:A:TRP:HD1	7	0.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1191)	1:336:A:LEU:HB3	1:338:A:TRP:HD1	7	0.83
(1,804)	1:355:A:ARG:HB2	1:365:A:ARG:H	1	0.83
(1,804)	1:355:A:ARG:HB3	1:365:A:ARG:H	1	0.83
(1,780)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:H	9	0.83
(1,569)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG11	4	0.83
(1,569)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG12	4	0.83
(1,569)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG13	4	0.83
(1,569)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG11	10	0.83
(1,569)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG12	10	0.83
(1,569)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG13	10	0.83
(1,499)	1:369:A:PRO:HA	1:411:A:LEU:HD11	7	0.83
(1,499)	1:369:A:PRO:HA	1:411:A:LEU:HD12	7	0.83
(1,499)	1:369:A:PRO:HA	1:411:A:LEU:HD13	7	0.83
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD11	9	0.82
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD12	9	0.82
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD13	9	0.82
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD21	9	0.82
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD22	9	0.82
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD23	9	0.82
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD11	5	0.82
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD12	5	0.82
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD13	5	0.82
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD21	5	0.82
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD22	5	0.82
(1,1354)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD23	5	0.82
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD11	1:350:A:TYR:HE1	10	0.82
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD12	1:350:A:TYR:HE1	10	0.82
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD13	1:350:A:TYR:HE1	10	0.82
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD21	1:350:A:TYR:HE1	10	0.82
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD22	1:350:A:TYR:HE1	10	0.82
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD23	1:350:A:TYR:HE1	10	0.82
(1,1192)	1:376:A:TRP:HH2	1:380:A:LYS:HD2	5	0.82
(1,1192)	1:376:A:TRP:HH2	1:380:A:LYS:HD3	5	0.82
(1,995)	1:359:A:LYS:HD2	1:363:A:ILE:H	6	0.82
(1,995)	1:359:A:LYS:HD3	1:363:A:ILE:H	6	0.82
(1,643)	1:406:A:GLU:H	1:413:A:PHE:HB3	3	0.82
(1,559)	1:417:A:LYS:HE2	1:418:A:THR:HG21	5	0.82
(1,559)	1:417:A:LYS:HE2	1:418:A:THR:HG22	5	0.82
(1,559)	1:417:A:LYS:HE2	1:418:A:THR:HG23	5	0.82
(1,559)	1:417:A:LYS:HE3	1:418:A:THR:HG21	5	0.82
(1,559)	1:417:A:LYS:HE3	1:418:A:THR:HG22	5	0.82
(1,559)	1:417:A:LYS:HE3	1:418:A:THR:HG23	5	0.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,399)	1:353:A:PHE:HA	1:366:A:ILE:HG21	9	0.82
(1,399)	1:353:A:PHE:HA	1:366:A:ILE:HG22	9	0.82
(1,399)	1:353:A:PHE:HA	1:366:A:ILE:HG23	9	0.82
(1,358)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HG21	10	0.82
(1,358)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HG22	10	0.82
(1,358)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HG23	10	0.82
(1,326)	1:341:A:VAL:HA	1:354:A:ILE:HD11	9	0.82
(1,326)	1:341:A:VAL:HA	1:354:A:ILE:HD12	9	0.82
(1,326)	1:341:A:VAL:HA	1:354:A:ILE:HD13	9	0.82
(1,279)	1:363:A:ILE:HD11	1:412:A:LEU:HD11	3	0.82
(1,279)	1:363:A:ILE:HD11	1:412:A:LEU:HD12	3	0.82
(1,279)	1:363:A:ILE:HD11	1:412:A:LEU:HD13	3	0.82
(1,279)	1:363:A:ILE:HD12	1:412:A:LEU:HD11	3	0.82
(1,279)	1:363:A:ILE:HD12	1:412:A:LEU:HD12	3	0.82
(1,279)	1:363:A:ILE:HD12	1:412:A:LEU:HD13	3	0.82
(1,279)	1:363:A:ILE:HD13	1:412:A:LEU:HD11	3	0.82
(1,279)	1:363:A:ILE:HD13	1:412:A:LEU:HD12	3	0.82
(1,279)	1:363:A:ILE:HD13	1:412:A:LEU:HD13	3	0.82
(1,214)	1:373:A:ALA:HB1	1:385:A:MET:HA	4	0.82
(1,214)	1:373:A:ALA:HB2	1:385:A:MET:HA	4	0.82
(1,214)	1:373:A:ALA:HB3	1:385:A:MET:HA	4	0.82
(1,203)	1:345:A:LEU:HG	1:355:A:ARG:HA	5	0.82
(1,118)	1:353:A:PHE:HB3	1:372:A:LEU:HG	7	0.82
(1,1514)	1:410:A:ARG:HD2	1:411:A:LEU:HD11	4	0.81
(1,1514)	1:410:A:ARG:HD2	1:411:A:LEU:HD12	4	0.81
(1,1514)	1:410:A:ARG:HD2	1:411:A:LEU:HD13	4	0.81
(1,1514)	1:410:A:ARG:HD2	1:411:A:LEU:HD21	4	0.81
(1,1514)	1:410:A:ARG:HD2	1:411:A:LEU:HD22	4	0.81
(1,1514)	1:410:A:ARG:HD2	1:411:A:LEU:HD23	4	0.81
(1,1514)	1:410:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD11	4	0.81
(1,1514)	1:410:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD12	4	0.81
(1,1514)	1:410:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD13	4	0.81
(1,1514)	1:410:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD21	4	0.81
(1,1514)	1:410:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD22	4	0.81
(1,1514)	1:410:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD23	4	0.81
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD11	10	0.81
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD12	10	0.81
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD13	10	0.81
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD21	10	0.81
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD22	10	0.81
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD23	10	0.81
(1,1204)	1:398:A:TYR:HE1	1:404:A:ARG:HA	6	0.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1184)	1:405:A:LYS:HA	1:413:A:PHE:HE2	8	0.81
(1,1158)	1:387:A:TYR:HA	1:387:A:TYR:HD2	5	0.81
(1,922)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HD11	2	0.81
(1,922)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HD12	2	0.81
(1,922)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HD13	2	0.81
(1,824)	1:375:A:LEU:HB2	1:378:A:ASN:HD21	10	0.81
(1,824)	1:375:A:LEU:HB3	1:378:A:ASN:HD21	10	0.81
(1,401)	1:353:A:PHE:HB3	1:366:A:ILE:HG21	10	0.81
(1,401)	1:353:A:PHE:HB3	1:366:A:ILE:HG22	10	0.81
(1,401)	1:353:A:PHE:HB3	1:366:A:ILE:HG23	10	0.81
(1,313)	1:342:A:TYR:HA	1:342:A:TYR:HD2	9	0.81
(1,116)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HG	5	0.81
(1,1469)	1:394:A:LEU:HD11	1:397:A:TYR:HD2	2	0.8
(1,1469)	1:394:A:LEU:HD12	1:397:A:TYR:HD2	2	0.8
(1,1469)	1:394:A:LEU:HD13	1:397:A:TYR:HD2	2	0.8
(1,1469)	1:394:A:LEU:HD21	1:397:A:TYR:HD2	2	0.8
(1,1469)	1:394:A:LEU:HD22	1:397:A:TYR:HD2	2	0.8
(1,1469)	1:394:A:LEU:HD23	1:397:A:TYR:HD2	2	0.8
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HG2	7	0.8
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HG3	7	0.8
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HG2	7	0.8
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HG3	7	0.8
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HG2	7	0.8
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HG3	7	0.8
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HG2	7	0.8
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HG3	7	0.8
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HG2	7	0.8
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HG3	7	0.8
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HG2	7	0.8
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HG3	7	0.8
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HG2	10	0.8
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HG3	10	0.8
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HG2	10	0.8
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HG3	10	0.8
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HG2	10	0.8
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HG3	10	0.8
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HG2	10	0.8
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HG3	10	0.8
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HG2	10	0.8
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HG3	10	0.8
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HG2	10	0.8
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HG3	10	0.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1280)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD11	8	0.8
(1,1280)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD12	8	0.8
(1,1280)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD13	8	0.8
(1,1280)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD21	8	0.8
(1,1280)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD22	8	0.8
(1,1280)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD23	8	0.8
(1,1250)	1:337:A:LEU:HB2	1:341:A:VAL:HB	3	0.8
(1,1250)	1:337:A:LEU:HB3	1:341:A:VAL:HB	3	0.8
(1,1218)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HG	10	0.8
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD21	4	0.8
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD22	4	0.8
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD23	4	0.8
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD11	4	0.8
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD12	4	0.8
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD13	4	0.8
(1,1207)	1:347:A:ASP:HB2	1:350:A:TYR:HE2	7	0.8
(1,1207)	1:347:A:ASP:HB3	1:350:A:TYR:HE2	7	0.8
(1,1145)	1:343:A:GLN:HA	1:343:A:GLN:HE22	8	0.8
(1,995)	1:359:A:LYS:HD2	1:363:A:ILE:H	1	0.8
(1,995)	1:359:A:LYS:HD3	1:363:A:ILE:H	1	0.8
(1,846)	1:361:A:SER:H	1:363:A:ILE:HD11	7	0.8
(1,846)	1:361:A:SER:H	1:363:A:ILE:HD12	7	0.8
(1,846)	1:361:A:SER:H	1:363:A:ILE:HD13	7	0.8
(1,804)	1:355:A:ARG:HB2	1:365:A:ARG:H	2	0.8
(1,804)	1:355:A:ARG:HB3	1:365:A:ARG:H	2	0.8
(1,1451)	1:387:A:TYR:HD2	1:394:A:LEU:HD11	6	0.79
(1,1451)	1:387:A:TYR:HD2	1:394:A:LEU:HD12	6	0.79
(1,1451)	1:387:A:TYR:HD2	1:394:A:LEU:HD13	6	0.79
(1,1451)	1:387:A:TYR:HD2	1:394:A:LEU:HD21	6	0.79
(1,1451)	1:387:A:TYR:HD2	1:394:A:LEU:HD22	6	0.79
(1,1451)	1:387:A:TYR:HD2	1:394:A:LEU:HD23	6	0.79
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD11	6	0.79
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD12	6	0.79
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD13	6	0.79
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD21	6	0.79
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD22	6	0.79
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD23	6	0.79
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD11	6	0.79
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD12	6	0.79
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD13	6	0.79
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD21	6	0.79
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD22	6	0.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD23	6	0.79
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD11	6	0.79
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD12	6	0.79
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD13	6	0.79
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD21	6	0.79
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD22	6	0.79
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD23	6	0.79
(1,1222)	1:366:A:ILE:HG12	1:387:A:TYR:HE2	3	0.79
(1,1222)	1:366:A:ILE:HG13	1:387:A:TYR:HE2	3	0.79
(1,1201)	1:394:A:LEU:HG	1:397:A:TYR:HE2	10	0.79
(1,829)	1:417:A:LYS:HG2	1:418:A:THR:H	5	0.79
(1,829)	1:417:A:LYS:HG3	1:418:A:THR:H	5	0.79
(1,824)	1:375:A:LEU:HB2	1:378:A:ASN:HD21	7	0.79
(1,824)	1:375:A:LEU:HB3	1:378:A:ASN:HD21	7	0.79
(1,780)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:H	4	0.79
(1,559)	1:417:A:LYS:HE2	1:418:A:THR:HG21	7	0.79
(1,559)	1:417:A:LYS:HE2	1:418:A:THR:HG22	7	0.79
(1,559)	1:417:A:LYS:HE2	1:418:A:THR:HG23	7	0.79
(1,559)	1:417:A:LYS:HE3	1:418:A:THR:HG21	7	0.79
(1,559)	1:417:A:LYS:HE3	1:418:A:THR:HG22	7	0.79
(1,559)	1:417:A:LYS:HE3	1:418:A:THR:HG23	7	0.79
(1,449)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:HA	2	0.79
(1,435)	1:370:A:ASN:HA	1:387:A:TYR:HB2	2	0.79
(1,214)	1:373:A:ALA:HB1	1:385:A:MET:HA	6	0.79
(1,214)	1:373:A:ALA:HB2	1:385:A:MET:HA	6	0.79
(1,214)	1:373:A:ALA:HB3	1:385:A:MET:HA	6	0.79
(1,151)	1:365:A:ARG:HD3	1:366:A:ILE:H	9	0.79
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD11	9	0.78
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD12	9	0.78
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD13	9	0.78
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD21	9	0.78
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD22	9	0.78
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD23	9	0.78
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD11	1:338:A:TRP:HH2	5	0.78
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD12	1:338:A:TRP:HH2	5	0.78
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD13	1:338:A:TRP:HH2	5	0.78
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HH2	5	0.78
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HH2	5	0.78
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HH2	5	0.78
(1,1216)	1:340:A:TYR:HE2	1:379:A:HIS:HB2	5	0.78
(1,1216)	1:340:A:TYR:HE2	1:379:A:HIS:HB3	5	0.78
(1,1158)	1:387:A:TYR:HA	1:387:A:TYR:HD2	6	0.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1158)	1:387:A:TYR:HA	1:387:A:TYR:HD2	10	0.78
(1,904)	1:366:A:ILE:H	1:368:A:ASP:H	4	0.78
(1,904)	1:366:A:ILE:H	1:368:A:ASP:H	6	0.78
(1,897)	1:353:A:PHE:H	1:367:A:VAL:HB	10	0.78
(1,829)	1:417:A:LYS:HG2	1:418:A:THR:H	4	0.78
(1,829)	1:417:A:LYS:HG3	1:418:A:THR:H	4	0.78
(1,780)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:H	7	0.78
(1,564)	1:386:A:THR:HG21	1:390:A:MET:H	6	0.78
(1,564)	1:386:A:THR:HG22	1:390:A:MET:H	6	0.78
(1,564)	1:386:A:THR:HG23	1:390:A:MET:H	6	0.78
(1,387)	1:358:A:ASP:HB2	1:363:A:ILE:HG21	7	0.78
(1,387)	1:358:A:ASP:HB2	1:363:A:ILE:HG22	7	0.78
(1,387)	1:358:A:ASP:HB2	1:363:A:ILE:HG23	7	0.78
(1,387)	1:358:A:ASP:HB3	1:363:A:ILE:HG21	7	0.78
(1,387)	1:358:A:ASP:HB3	1:363:A:ILE:HG22	7	0.78
(1,387)	1:358:A:ASP:HB3	1:363:A:ILE:HG23	7	0.78
(1,313)	1:342:A:TYR:HA	1:342:A:TYR:HD2	8	0.78
(1,279)	1:363:A:ILE:HD11	1:412:A:LEU:HD11	5	0.78
(1,279)	1:363:A:ILE:HD11	1:412:A:LEU:HD12	5	0.78
(1,279)	1:363:A:ILE:HD11	1:412:A:LEU:HD13	5	0.78
(1,279)	1:363:A:ILE:HD12	1:412:A:LEU:HD11	5	0.78
(1,279)	1:363:A:ILE:HD12	1:412:A:LEU:HD12	5	0.78
(1,279)	1:363:A:ILE:HD12	1:412:A:LEU:HD13	5	0.78
(1,279)	1:363:A:ILE:HD13	1:412:A:LEU:HD11	5	0.78
(1,279)	1:363:A:ILE:HD13	1:412:A:LEU:HD12	5	0.78
(1,279)	1:363:A:ILE:HD13	1:412:A:LEU:HD13	5	0.78
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD11	5	0.77
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD12	5	0.77
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD13	5	0.77
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD21	5	0.77
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD22	5	0.77
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD23	5	0.77
(1,1360)	1:352:A:ASN:HB2	1:367:A:VAL:HB	6	0.77
(1,1360)	1:352:A:ASN:HB3	1:367:A:VAL:HB	6	0.77
(1,1218)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HG	3	0.77
(1,1198)	1:396:A:HIS:HD2	1:397:A:TYR:HA	7	0.77
(1,1180)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HA	7	0.77
(1,1174)	1:394:A:LEU:HG	1:397:A:TYR:HD2	1	0.77
(1,1161)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HB2	4	0.77
(1,1161)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HB3	4	0.77
(1,481)	1:355:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HG2	1	0.77
(1,345)	1:365:A:ARG:HD2	1:367:A:VAL:HG21	4	0.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,345)	1:365:A:ARG:HD2	1:367:A:VAL:HG22	4	0.77
(1,345)	1:365:A:ARG:HD2	1:367:A:VAL:HG23	4	0.77
(1,327)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD11	1	0.77
(1,327)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD12	1	0.77
(1,327)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD13	1	0.77
(1,10)	1:376:A:TRP:HZ2	1:385:A:MET:HE1	5	0.77
(1,10)	1:376:A:TRP:HZ2	1:385:A:MET:HE2	5	0.77
(1,10)	1:376:A:TRP:HZ2	1:385:A:MET:HE3	5	0.77
(1,1477)	1:397:A:TYR:HD1	1:400:A:LEU:HD11	1	0.76
(1,1477)	1:397:A:TYR:HD1	1:400:A:LEU:HD12	1	0.76
(1,1477)	1:397:A:TYR:HD1	1:400:A:LEU:HD13	1	0.76
(1,1477)	1:397:A:TYR:HD1	1:400:A:LEU:HD21	1	0.76
(1,1477)	1:397:A:TYR:HD1	1:400:A:LEU:HD22	1	0.76
(1,1477)	1:397:A:TYR:HD1	1:400:A:LEU:HD23	1	0.76
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD11	1	0.76
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD12	1	0.76
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD13	1	0.76
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD21	1	0.76
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD22	1	0.76
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD23	1	0.76
(1,1250)	1:337:A:LEU:HB2	1:341:A:VAL:HB	10	0.76
(1,1250)	1:337:A:LEU:HB3	1:341:A:VAL:HB	10	0.76
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD11	1:338:A:TRP:HH2	7	0.76
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD12	1:338:A:TRP:HH2	7	0.76
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD13	1:338:A:TRP:HH2	7	0.76
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HH2	7	0.76
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HH2	7	0.76
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HH2	7	0.76
(1,1209)	1:398:A:TYR:HE1	1:405:A:LYS:HB2	3	0.76
(1,1209)	1:398:A:TYR:HE1	1:405:A:LYS:HB3	3	0.76
(1,904)	1:366:A:ILE:H	1:368:A:ASP:H	1	0.76
(1,603)	1:376:A:TRP:HE1	1:380:A:LYS:HD2	6	0.76
(1,603)	1:376:A:TRP:HE1	1:380:A:LYS:HD3	6	0.76
(1,313)	1:342:A:TYR:HA	1:342:A:TYR:HD2	5	0.76
(1,263)	1:348:A:SER:HA	1:351:A:GLU:HG2	7	0.76
(1,263)	1:348:A:SER:HA	1:351:A:GLU:HG3	7	0.76
(1,116)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HG	9	0.76
(1,1434)	1:376:A:TRP:HZ2	1:380:A:LYS:HE2	6	0.75
(1,1434)	1:376:A:TRP:HZ2	1:380:A:LYS:HE3	6	0.75
(1,1340)	1:345:A:LEU:HD11	1:365:A:ARG:H	5	0.75
(1,1340)	1:345:A:LEU:HD12	1:365:A:ARG:H	5	0.75
(1,1340)	1:345:A:LEU:HD13	1:365:A:ARG:H	5	0.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1340)	1:345:A:LEU:HD21	1:365:A:ARG:H	5	0.75
(1,1340)	1:345:A:LEU:HD22	1:365:A:ARG:H	5	0.75
(1,1340)	1:345:A:LEU:HD23	1:365:A:ARG:H	5	0.75
(1,1213)	1:340:A:TYR:HA	1:340:A:TYR:HE2	4	0.75
(1,1158)	1:387:A:TYR:HA	1:387:A:TYR:HD2	3	0.75
(1,1008)	1:412:A:LEU:H	1:413:A:PHE:HD1	10	0.75
(1,848)	1:361:A:SER:H	1:363:A:ILE:HB	9	0.75
(1,820)	1:366:A:ILE:HG21	1:371:A:GLY:H	7	0.75
(1,820)	1:366:A:ILE:HG22	1:371:A:GLY:H	7	0.75
(1,820)	1:366:A:ILE:HG23	1:371:A:GLY:H	7	0.75
(1,712)	1:404:A:ARG:H	1:416:A:MET:HG2	2	0.75
(1,712)	1:404:A:ARG:H	1:416:A:MET:HG3	2	0.75
(1,448)	1:374:A:ARG:H	1:385:A:MET:HB3	5	0.75
(1,335)	1:361:A:SER:HB3	1:363:A:ILE:HB	2	0.75
(1,214)	1:373:A:ALA:HB1	1:385:A:MET:HA	8	0.75
(1,214)	1:373:A:ALA:HB2	1:385:A:MET:HA	8	0.75
(1,214)	1:373:A:ALA:HB3	1:385:A:MET:HA	8	0.75
(1,152)	1:354:A:ILE:H	1:355:A:ARG:HD2	8	0.75
(1,152)	1:354:A:ILE:H	1:355:A:ARG:HD3	8	0.75
(1,1433)	1:376:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HG2	5	0.74
(1,1433)	1:376:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HG3	5	0.74
(1,1365)	1:353:A:PHE:HB3	1:372:A:LEU:HD11	10	0.74
(1,1365)	1:353:A:PHE:HB3	1:372:A:LEU:HD12	10	0.74
(1,1365)	1:353:A:PHE:HB3	1:372:A:LEU:HD13	10	0.74
(1,1365)	1:353:A:PHE:HB3	1:372:A:LEU:HD21	10	0.74
(1,1365)	1:353:A:PHE:HB3	1:372:A:LEU:HD22	10	0.74
(1,1365)	1:353:A:PHE:HB3	1:372:A:LEU:HD23	10	0.74
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD11	1:357:A:GLU:H	7	0.74
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD12	1:357:A:GLU:H	7	0.74
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD13	1:357:A:GLU:H	7	0.74
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD21	1:357:A:GLU:H	7	0.74
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD22	1:357:A:GLU:H	7	0.74
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD23	1:357:A:GLU:H	7	0.74
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HB2	10	0.74
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HB3	10	0.74
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HB2	10	0.74
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HB3	10	0.74
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HB2	10	0.74
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HB3	10	0.74
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HB2	10	0.74
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HB3	10	0.74
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HB2	10	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HB3	10	0.74
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HB2	10	0.74
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HB3	10	0.74
(1,1280)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD11	5	0.74
(1,1280)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD12	5	0.74
(1,1280)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD13	5	0.74
(1,1280)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD21	5	0.74
(1,1280)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD22	5	0.74
(1,1280)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD23	5	0.74
(1,1213)	1:340:A:TYR:HA	1:340:A:TYR:HE2	7	0.74
(1,1183)	1:413:A:PHE:HB3	1:413:A:PHE:HE2	1	0.74
(1,1183)	1:413:A:PHE:HB3	1:413:A:PHE:HE2	2	0.74
(1,1183)	1:413:A:PHE:HB3	1:413:A:PHE:HE2	10	0.74
(1,1129)	1:398:A:TYR:H	1:402:A:ILE:HD11	7	0.74
(1,1129)	1:398:A:TYR:H	1:402:A:ILE:HD12	7	0.74
(1,1129)	1:398:A:TYR:H	1:402:A:ILE:HD13	7	0.74
(1,1038)	1:358:A:ASP:HA	1:360:A:GLU:H	7	0.74
(1,995)	1:359:A:LYS:HD2	1:363:A:ILE:H	2	0.74
(1,995)	1:359:A:LYS:HD3	1:363:A:ILE:H	2	0.74
(1,780)	1:387:A:TYR:HD1	1:388:A:GLU:H	1	0.74
(1,397)	1:366:A:ILE:HG21	1:387:A:TYR:HE2	4	0.74
(1,397)	1:366:A:ILE:HG22	1:387:A:TYR:HE2	4	0.74
(1,397)	1:366:A:ILE:HG23	1:387:A:TYR:HE2	4	0.74
(1,375)	1:373:A:ALA:HB1	1:374:A:ARG:HD2	5	0.74
(1,375)	1:373:A:ALA:HB1	1:374:A:ARG:HD3	5	0.74
(1,375)	1:373:A:ALA:HB2	1:374:A:ARG:HD2	5	0.74
(1,375)	1:373:A:ALA:HB2	1:374:A:ARG:HD3	5	0.74
(1,375)	1:373:A:ALA:HB3	1:374:A:ARG:HD2	5	0.74
(1,375)	1:373:A:ALA:HB3	1:374:A:ARG:HD3	5	0.74
(1,279)	1:363:A:ILE:HD11	1:412:A:LEU:HD11	1	0.74
(1,279)	1:363:A:ILE:HD11	1:412:A:LEU:HD12	1	0.74
(1,279)	1:363:A:ILE:HD11	1:412:A:LEU:HD13	1	0.74
(1,279)	1:363:A:ILE:HD12	1:412:A:LEU:HD11	1	0.74
(1,279)	1:363:A:ILE:HD12	1:412:A:LEU:HD12	1	0.74
(1,279)	1:363:A:ILE:HD12	1:412:A:LEU:HD13	1	0.74
(1,279)	1:363:A:ILE:HD13	1:412:A:LEU:HD11	1	0.74
(1,279)	1:363:A:ILE:HD13	1:412:A:LEU:HD12	1	0.74
(1,279)	1:363:A:ILE:HD13	1:412:A:LEU:HD13	1	0.74
(1,240)	1:415:A:PHE:HA	1:415:A:PHE:HE1	6	0.74
(1,191)	1:406:A:GLU:HA	1:412:A:LEU:HB3	9	0.74
(1,109)	1:415:A:PHE:HB3	1:415:A:PHE:HE2	10	0.74
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD11	2	0.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD12	2	0.73
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD13	2	0.73
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD21	2	0.73
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD22	2	0.73
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD23	2	0.73
(1,1213)	1:340:A:TYR:HA	1:340:A:TYR:HE2	3	0.73
(1,1158)	1:387:A:TYR:HA	1:387:A:TYR:HD2	2	0.73
(1,1113)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HB	5	0.73
(1,1008)	1:412:A:LEU:H	1:413:A:PHE:HD1	2	0.73
(1,626)	1:355:A:ARG:H	1:367:A:VAL:H	4	0.73
(1,313)	1:342:A:TYR:HA	1:342:A:TYR:HD2	7	0.73
(1,19)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG21	5	0.73
(1,19)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG22	5	0.73
(1,19)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG23	5	0.73
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD11	1:367:A:VAL:HG21	7	0.72
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD11	1:367:A:VAL:HG22	7	0.72
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD11	1:367:A:VAL:HG23	7	0.72
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD12	1:367:A:VAL:HG21	7	0.72
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD12	1:367:A:VAL:HG22	7	0.72
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD12	1:367:A:VAL:HG23	7	0.72
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD13	1:367:A:VAL:HG21	7	0.72
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD13	1:367:A:VAL:HG22	7	0.72
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD13	1:367:A:VAL:HG23	7	0.72
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD21	1:367:A:VAL:HG21	7	0.72
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD21	1:367:A:VAL:HG22	7	0.72
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD21	1:367:A:VAL:HG23	7	0.72
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD22	1:367:A:VAL:HG21	7	0.72
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD22	1:367:A:VAL:HG22	7	0.72
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD22	1:367:A:VAL:HG23	7	0.72
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD23	1:367:A:VAL:HG21	7	0.72
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD23	1:367:A:VAL:HG22	7	0.72
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD23	1:367:A:VAL:HG23	7	0.72
(1,1331)	1:345:A:LEU:HD11	1:356:A:TRP:H	10	0.72
(1,1331)	1:345:A:LEU:HD12	1:356:A:TRP:H	10	0.72
(1,1331)	1:345:A:LEU:HD13	1:356:A:TRP:H	10	0.72
(1,1331)	1:345:A:LEU:HD21	1:356:A:TRP:H	10	0.72
(1,1331)	1:345:A:LEU:HD22	1:356:A:TRP:H	10	0.72
(1,1331)	1:345:A:LEU:HD23	1:356:A:TRP:H	10	0.72
(1,1221)	1:387:A:TYR:HB3	1:387:A:TYR:HE1	1	0.72
(1,1221)	1:387:A:TYR:HB3	1:387:A:TYR:HE1	4	0.72
(1,1213)	1:340:A:TYR:HA	1:340:A:TYR:HE2	8	0.72
(1,1183)	1:413:A:PHE:HB3	1:413:A:PHE:HE2	5	0.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1161)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HB2	10	0.72
(1,1161)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HB3	10	0.72
(1,1114)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG21	4	0.72
(1,1114)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG22	4	0.72
(1,1114)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG23	4	0.72
(1,1070)	1:417:A:LYS:HE2	1:421:A:GLU:H	10	0.72
(1,1070)	1:417:A:LYS:HE3	1:421:A:GLU:H	10	0.72
(1,702)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:H	9	0.72
(1,572)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG11	2	0.72
(1,572)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG12	2	0.72
(1,572)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG13	2	0.72
(1,399)	1:353:A:PHE:HA	1:366:A:ILE:HG21	3	0.72
(1,399)	1:353:A:PHE:HA	1:366:A:ILE:HG22	3	0.72
(1,399)	1:353:A:PHE:HA	1:366:A:ILE:HG23	3	0.72
(1,399)	1:353:A:PHE:HA	1:366:A:ILE:HG21	10	0.72
(1,399)	1:353:A:PHE:HA	1:366:A:ILE:HG22	10	0.72
(1,399)	1:353:A:PHE:HA	1:366:A:ILE:HG23	10	0.72
(1,339)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:HG21	5	0.72
(1,339)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:HG22	5	0.72
(1,339)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:HG23	5	0.72
(1,339)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:HG21	5	0.72
(1,339)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:HG22	5	0.72
(1,339)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:HG23	5	0.72
(1,313)	1:342:A:TYR:HA	1:342:A:TYR:HD2	3	0.72
(1,173)	1:353:A:PHE:HA	1:368:A:ASP:HA	8	0.72
(1,109)	1:415:A:PHE:HB3	1:415:A:PHE:HE2	9	0.72
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA2	1:385:A:MET:HE1	6	0.71
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA2	1:385:A:MET:HE2	6	0.71
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA2	1:385:A:MET:HE3	6	0.71
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE1	6	0.71
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE2	6	0.71
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE3	6	0.71
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD2	1:411:A:LEU:HD11	6	0.71
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD2	1:411:A:LEU:HD12	6	0.71
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD2	1:411:A:LEU:HD13	6	0.71
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD2	1:411:A:LEU:HD21	6	0.71
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD2	1:411:A:LEU:HD22	6	0.71
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD2	1:411:A:LEU:HD23	6	0.71
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD3	1:411:A:LEU:HD11	6	0.71
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD3	1:411:A:LEU:HD12	6	0.71
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD3	1:411:A:LEU:HD13	6	0.71
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD3	1:411:A:LEU:HD21	6	0.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD3	1:411:A:LEU:HD22	6	0.71
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD3	1:411:A:LEU:HD23	6	0.71
(1,1361)	1:352:A:ASN:HB2	1:367:A:VAL:HG11	10	0.71
(1,1361)	1:352:A:ASN:HB2	1:367:A:VAL:HG12	10	0.71
(1,1361)	1:352:A:ASN:HB2	1:367:A:VAL:HG13	10	0.71
(1,1361)	1:352:A:ASN:HB3	1:367:A:VAL:HG11	10	0.71
(1,1361)	1:352:A:ASN:HB3	1:367:A:VAL:HG12	10	0.71
(1,1361)	1:352:A:ASN:HB3	1:367:A:VAL:HG13	10	0.71
(1,1221)	1:387:A:TYR:HB3	1:387:A:TYR:HE1	5	0.71
(1,1221)	1:387:A:TYR:HB3	1:387:A:TYR:HE1	7	0.71
(1,1221)	1:387:A:TYR:HB3	1:387:A:TYR:HE1	9	0.71
(1,1213)	1:340:A:TYR:HA	1:340:A:TYR:HE2	10	0.71
(1,1202)	1:397:A:TYR:HA	1:397:A:TYR:HE1	2	0.71
(1,1183)	1:413:A:PHE:HB3	1:413:A:PHE:HE2	6	0.71
(1,904)	1:366:A:ILE:H	1:368:A:ASP:H	5	0.71
(1,897)	1:353:A:PHE:H	1:367:A:VAL:HB	6	0.71
(1,567)	1:386:A:THR:HG21	1:387:A:TYR:HB3	1	0.71
(1,567)	1:386:A:THR:HG22	1:387:A:TYR:HB3	1	0.71
(1,567)	1:386:A:THR:HG23	1:387:A:TYR:HB3	1	0.71
(1,567)	1:386:A:THR:HG21	1:387:A:TYR:HB3	4	0.71
(1,567)	1:386:A:THR:HG22	1:387:A:TYR:HB3	4	0.71
(1,567)	1:386:A:THR:HG23	1:387:A:TYR:HB3	4	0.71
(1,499)	1:369:A:PRO:HA	1:411:A:LEU:HD11	4	0.71
(1,499)	1:369:A:PRO:HA	1:411:A:LEU:HD12	4	0.71
(1,499)	1:369:A:PRO:HA	1:411:A:LEU:HD13	4	0.71
(1,313)	1:342:A:TYR:HA	1:342:A:TYR:HD2	6	0.71
(1,1451)	1:387:A:TYR:HD2	1:394:A:LEU:HD11	2	0.7
(1,1451)	1:387:A:TYR:HD2	1:394:A:LEU:HD12	2	0.7
(1,1451)	1:387:A:TYR:HD2	1:394:A:LEU:HD13	2	0.7
(1,1451)	1:387:A:TYR:HD2	1:394:A:LEU:HD21	2	0.7
(1,1451)	1:387:A:TYR:HD2	1:394:A:LEU:HD22	2	0.7
(1,1451)	1:387:A:TYR:HD2	1:394:A:LEU:HD23	2	0.7
(1,1451)	1:387:A:TYR:HD2	1:394:A:LEU:HD11	5	0.7
(1,1451)	1:387:A:TYR:HD2	1:394:A:LEU:HD12	5	0.7
(1,1451)	1:387:A:TYR:HD2	1:394:A:LEU:HD13	5	0.7
(1,1451)	1:387:A:TYR:HD2	1:394:A:LEU:HD21	5	0.7
(1,1451)	1:387:A:TYR:HD2	1:394:A:LEU:HD22	5	0.7
(1,1451)	1:387:A:TYR:HD2	1:394:A:LEU:HD23	5	0.7
(1,1331)	1:345:A:LEU:HD11	1:356:A:TRP:H	7	0.7
(1,1331)	1:345:A:LEU:HD12	1:356:A:TRP:H	7	0.7
(1,1331)	1:345:A:LEU:HD13	1:356:A:TRP:H	7	0.7
(1,1331)	1:345:A:LEU:HD21	1:356:A:TRP:H	7	0.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1331)	1:345:A:LEU:HD22	1:356:A:TRP:H	7	0.7
(1,1331)	1:345:A:LEU:HD23	1:356:A:TRP:H	7	0.7
(1,1221)	1:387:A:TYR:HB3	1:387:A:TYR:HE1	2	0.7
(1,1221)	1:387:A:TYR:HB3	1:387:A:TYR:HE1	6	0.7
(1,1221)	1:387:A:TYR:HB3	1:387:A:TYR:HE1	10	0.7
(1,1213)	1:340:A:TYR:HA	1:340:A:TYR:HE2	1	0.7
(1,1209)	1:398:A:TYR:HE1	1:405:A:LYS:HB2	5	0.7
(1,1209)	1:398:A:TYR:HE1	1:405:A:LYS:HB3	5	0.7
(1,1183)	1:413:A:PHE:HB3	1:413:A:PHE:HE2	4	0.7
(1,1140)	1:375:A:LEU:HA	1:378:A:ASN:HD22	3	0.7
(1,1110)	1:327:A:HIS:HE1	1:328:A:MET:H	5	0.7
(1,832)	1:418:A:THR:H	1:422:A:ILE:H	1	0.7
(1,785)	1:355:A:ARG:H	1:366:A:ILE:HA	2	0.7
(1,702)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:H	3	0.7
(1,567)	1:386:A:THR:HG21	1:387:A:TYR:HB3	5	0.7
(1,567)	1:386:A:THR:HG22	1:387:A:TYR:HB3	5	0.7
(1,567)	1:386:A:THR:HG23	1:387:A:TYR:HB3	5	0.7
(1,232)	1:397:A:TYR:HA	1:402:A:ILE:H	7	0.7
(1,165)	1:329:A:GLY:HA2	1:330:A:ARG:HG2	3	0.7
(1,165)	1:329:A:GLY:HA2	1:330:A:ARG:HG3	3	0.7
(1,165)	1:329:A:GLY:HA3	1:330:A:ARG:HG2	3	0.7
(1,165)	1:329:A:GLY:HA3	1:330:A:ARG:HG3	3	0.7
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD11	5	0.69
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD12	5	0.69
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD13	5	0.69
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD21	5	0.69
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD22	5	0.69
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD23	5	0.69
(1,1331)	1:345:A:LEU:HD11	1:356:A:TRP:H	5	0.69
(1,1331)	1:345:A:LEU:HD12	1:356:A:TRP:H	5	0.69
(1,1331)	1:345:A:LEU:HD13	1:356:A:TRP:H	5	0.69
(1,1331)	1:345:A:LEU:HD21	1:356:A:TRP:H	5	0.69
(1,1331)	1:345:A:LEU:HD22	1:356:A:TRP:H	5	0.69
(1,1331)	1:345:A:LEU:HD23	1:356:A:TRP:H	5	0.69
(1,1221)	1:387:A:TYR:HB3	1:387:A:TYR:HE1	3	0.69
(1,1183)	1:413:A:PHE:HB3	1:413:A:PHE:HE2	9	0.69
(1,1114)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG21	3	0.69
(1,1114)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG22	3	0.69
(1,1114)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG23	3	0.69
(1,666)	1:366:A:ILE:H	1:413:A:PHE:HZ	7	0.69
(1,449)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:HA	9	0.69
(1,435)	1:370:A:ASN:HA	1:387:A:TYR:HB2	5	0.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,345)	1:365:A:ARG:HD2	1:367:A:VAL:HG21	5	0.69
(1,345)	1:365:A:ARG:HD2	1:367:A:VAL:HG22	5	0.69
(1,345)	1:365:A:ARG:HD2	1:367:A:VAL:HG23	5	0.69
(1,286)	1:403:A:ILE:HD11	1:413:A:PHE:HD2	6	0.69
(1,286)	1:403:A:ILE:HD12	1:413:A:PHE:HD2	6	0.69
(1,286)	1:403:A:ILE:HD13	1:413:A:PHE:HD2	6	0.69
(1,240)	1:415:A:PHE:HA	1:415:A:PHE:HE1	3	0.69
(1,184)	1:365:A:ARG:HA	1:413:A:PHE:HE1	3	0.69
(1,151)	1:365:A:ARG:HD3	1:366:A:ILE:H	5	0.69
(1,84)	1:358:A:ASP:HA	1:360:A:GLU:HG2	5	0.69
(1,84)	1:358:A:ASP:HA	1:360:A:GLU:HG3	5	0.69
(1,65)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:HB	9	0.69
(1,65)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:HB	9	0.69
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD11	4	0.68
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD12	4	0.68
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD13	4	0.68
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD21	4	0.68
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD22	4	0.68
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD23	4	0.68
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD11	1:354:A:ILE:HD11	9	0.68
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD11	1:354:A:ILE:HD12	9	0.68
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD11	1:354:A:ILE:HD13	9	0.68
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD12	1:354:A:ILE:HD11	9	0.68
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD12	1:354:A:ILE:HD12	9	0.68
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD12	1:354:A:ILE:HD13	9	0.68
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD13	1:354:A:ILE:HD11	9	0.68
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD13	1:354:A:ILE:HD12	9	0.68
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD13	1:354:A:ILE:HD13	9	0.68
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD21	1:354:A:ILE:HD11	9	0.68
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD21	1:354:A:ILE:HD12	9	0.68
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD21	1:354:A:ILE:HD13	9	0.68
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD22	1:354:A:ILE:HD11	9	0.68
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD22	1:354:A:ILE:HD12	9	0.68
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD22	1:354:A:ILE:HD13	9	0.68
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD23	1:354:A:ILE:HD11	9	0.68
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD23	1:354:A:ILE:HD12	9	0.68
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD23	1:354:A:ILE:HD13	9	0.68
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD11	1:341:A:VAL:HA	3	0.68
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD12	1:341:A:VAL:HA	3	0.68
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD13	1:341:A:VAL:HA	3	0.68
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD21	1:341:A:VAL:HA	3	0.68
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD22	1:341:A:VAL:HA	3	0.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD23	1:341:A:VAL:HA	3	0.68
(1,1221)	1:387:A:TYR:HB3	1:387:A:TYR:HE1	8	0.68
(1,1199)	1:393:A:ALA:HA	1:396:A:HIS:HD2	2	0.68
(1,1198)	1:396:A:HIS:HD2	1:397:A:TYR:HA	3	0.68
(1,1192)	1:376:A:TRP:HH2	1:380:A:LYS:HD2	6	0.68
(1,1192)	1:376:A:TRP:HH2	1:380:A:LYS:HD3	6	0.68
(1,948)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD11	4	0.68
(1,948)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD12	4	0.68
(1,948)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD13	4	0.68
(1,948)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD11	6	0.68
(1,948)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD12	6	0.68
(1,948)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD13	6	0.68
(1,848)	1:361:A:SER:H	1:363:A:ILE:HB	6	0.68
(1,606)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HA	4	0.68
(1,587)	1:353:A:PHE:HB3	1:369:A:PRO:HA	2	0.68
(1,234)	1:396:A:HIS:HA	1:399:A:LYS:HB2	7	0.68
(1,234)	1:396:A:HIS:HA	1:399:A:LYS:HB3	7	0.68
(1,214)	1:373:A:ALA:HB1	1:385:A:MET:HA	10	0.68
(1,214)	1:373:A:ALA:HB2	1:385:A:MET:HA	10	0.68
(1,214)	1:373:A:ALA:HB3	1:385:A:MET:HA	10	0.68
(1,109)	1:415:A:PHE:HB3	1:415:A:PHE:HE2	7	0.68
(1,1484)	1:402:A:ILE:HA	1:416:A:MET:HB2	5	0.67
(1,1484)	1:402:A:ILE:HA	1:416:A:MET:HB3	5	0.67
(1,1377)	1:361:A:SER:H	1:362:A:LYS:HG2	2	0.67
(1,1377)	1:361:A:SER:H	1:362:A:LYS:HG3	2	0.67
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HD2	5	0.67
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HD3	5	0.67
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HD2	5	0.67
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HD3	5	0.67
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HD2	5	0.67
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HD3	5	0.67
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HD2	5	0.67
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HD3	5	0.67
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HD2	5	0.67
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HD3	5	0.67
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HD2	5	0.67
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HD3	5	0.67
(1,1180)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HA	1	0.67
(1,1057)	1:373:A:ALA:H	1:376:A:TRP:HB2	7	0.67
(1,1057)	1:373:A:ALA:H	1:376:A:TRP:HB3	7	0.67
(1,848)	1:361:A:SER:H	1:363:A:ILE:HB	7	0.67
(1,804)	1:355:A:ARG:HB2	1:365:A:ARG:H	4	0.67

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,804)	1:355:A:ARG:HB3	1:365:A:ARG:H	4	0.67
(1,726)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:H	7	0.67
(1,504)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD21	7	0.67
(1,504)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD22	7	0.67
(1,504)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD23	7	0.67
(1,499)	1:369:A:PRO:HA	1:411:A:LEU:HD11	5	0.67
(1,499)	1:369:A:PRO:HA	1:411:A:LEU:HD12	5	0.67
(1,499)	1:369:A:PRO:HA	1:411:A:LEU:HD13	5	0.67
(1,496)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD11	1	0.67
(1,496)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD12	1	0.67
(1,496)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD13	1	0.67
(1,449)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:HA	6	0.67
(1,449)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:HA	10	0.67
(1,399)	1:353:A:PHE:HA	1:366:A:ILE:HG21	5	0.67
(1,399)	1:353:A:PHE:HA	1:366:A:ILE:HG22	5	0.67
(1,399)	1:353:A:PHE:HA	1:366:A:ILE:HG23	5	0.67
(1,214)	1:373:A:ALA:HB1	1:385:A:MET:HA	9	0.67
(1,214)	1:373:A:ALA:HB2	1:385:A:MET:HA	9	0.67
(1,214)	1:373:A:ALA:HB3	1:385:A:MET:HA	9	0.67
(1,151)	1:365:A:ARG:HD3	1:366:A:ILE:H	7	0.67
(1,118)	1:353:A:PHE:HB3	1:372:A:LEU:HG	5	0.67
(1,109)	1:415:A:PHE:HB3	1:415:A:PHE:HE2	8	0.67
(1,1213)	1:340:A:TYR:HA	1:340:A:TYR:HE2	5	0.66
(1,1201)	1:394:A:LEU:HG	1:397:A:TYR:HE2	7	0.66
(1,1187)	1:356:A:TRP:HD1	1:359:A:LYS:HD2	8	0.66
(1,1187)	1:356:A:TRP:HD1	1:359:A:LYS:HD3	8	0.66
(1,1058)	1:373:A:ALA:H	1:387:A:TYR:HB2	2	0.66
(1,567)	1:386:A:THR:HG21	1:387:A:TYR:HB3	2	0.66
(1,567)	1:386:A:THR:HG22	1:387:A:TYR:HB3	2	0.66
(1,567)	1:386:A:THR:HG23	1:387:A:TYR:HB3	2	0.66
(1,360)	1:403:A:ILE:HG21	1:413:A:PHE:HD2	9	0.66
(1,360)	1:403:A:ILE:HG22	1:413:A:PHE:HD2	9	0.66
(1,360)	1:403:A:ILE:HG23	1:413:A:PHE:HD2	9	0.66
(1,323)	1:345:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD11	5	0.66
(1,323)	1:345:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD12	5	0.66
(1,323)	1:345:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD13	5	0.66
(1,248)	1:376:A:TRP:HD1	1:390:A:MET:HA	9	0.66
(1,233)	1:397:A:TYR:HA	1:397:A:TYR:HD1	6	0.66
(1,178)	1:412:A:LEU:HA	1:413:A:PHE:HE1	8	0.66
(1,109)	1:415:A:PHE:HB3	1:415:A:PHE:HE2	2	0.66
(1,109)	1:415:A:PHE:HB3	1:415:A:PHE:HE2	5	0.66
(1,1305)	1:344:A:LEU:HD11	1:347:A:ASP:HB2	8	0.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1305)	1:344:A:LEU:HD12	1:347:A:ASP:HB2	8	0.65
(1,1305)	1:344:A:LEU:HD13	1:347:A:ASP:HB2	8	0.65
(1,1305)	1:344:A:LEU:HD21	1:347:A:ASP:HB2	8	0.65
(1,1305)	1:344:A:LEU:HD22	1:347:A:ASP:HB2	8	0.65
(1,1305)	1:344:A:LEU:HD23	1:347:A:ASP:HB2	8	0.65
(1,1290)	1:341:A:VAL:HG11	1:364:A:PHE:HE2	5	0.65
(1,1290)	1:341:A:VAL:HG12	1:364:A:PHE:HE2	5	0.65
(1,1290)	1:341:A:VAL:HG13	1:364:A:PHE:HE2	5	0.65
(1,1290)	1:341:A:VAL:HG21	1:364:A:PHE:HE2	5	0.65
(1,1290)	1:341:A:VAL:HG22	1:364:A:PHE:HE2	5	0.65
(1,1290)	1:341:A:VAL:HG23	1:364:A:PHE:HE2	5	0.65
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD11	10	0.65
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD12	10	0.65
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD13	10	0.65
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD21	10	0.65
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD22	10	0.65
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD23	10	0.65
(1,1267)	1:337:A:LEU:HD11	1:393:A:ALA:H	8	0.65
(1,1267)	1:337:A:LEU:HD12	1:393:A:ALA:H	8	0.65
(1,1267)	1:337:A:LEU:HD13	1:393:A:ALA:H	8	0.65
(1,1267)	1:337:A:LEU:HD21	1:393:A:ALA:H	8	0.65
(1,1267)	1:337:A:LEU:HD22	1:393:A:ALA:H	8	0.65
(1,1267)	1:337:A:LEU:HD23	1:393:A:ALA:H	8	0.65
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD11	1:338:A:TRP:HD1	9	0.65
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD12	1:338:A:TRP:HD1	9	0.65
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD13	1:338:A:TRP:HD1	9	0.65
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HD1	9	0.65
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HD1	9	0.65
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HD1	9	0.65
(1,1161)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HB2	3	0.65
(1,1161)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HB3	3	0.65
(1,1158)	1:387:A:TYR:HA	1:387:A:TYR:HD2	8	0.65
(1,1140)	1:375:A:LEU:HA	1:378:A:ASN:HD22	7	0.65
(1,666)	1:366:A:ILE:H	1:413:A:PHE:HZ	1	0.65
(1,640)	1:406:A:GLU:H	1:413:A:PHE:HA	10	0.65
(1,385)	1:358:A:ASP:HA	1:363:A:ILE:HG21	9	0.65
(1,385)	1:358:A:ASP:HA	1:363:A:ILE:HG22	9	0.65
(1,385)	1:358:A:ASP:HA	1:363:A:ILE:HG23	9	0.65
(1,339)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:HG21	3	0.65
(1,339)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:HG22	3	0.65
(1,339)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:HG23	3	0.65
(1,339)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:HG21	3	0.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,339)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:HG22	3	0.65
(1,339)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:HG23	3	0.65
(1,326)	1:341:A:VAL:HA	1:354:A:ILE:HD11	4	0.65
(1,326)	1:341:A:VAL:HA	1:354:A:ILE:HD12	4	0.65
(1,326)	1:341:A:VAL:HA	1:354:A:ILE:HD13	4	0.65
(1,323)	1:345:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD11	4	0.65
(1,323)	1:345:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD12	4	0.65
(1,323)	1:345:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD13	4	0.65
(1,109)	1:415:A:PHE:HB3	1:415:A:PHE:HE2	1	0.65
(1,47)	1:418:A:THR:HG21	1:419:A:PRO:HB3	6	0.65
(1,47)	1:418:A:THR:HG22	1:419:A:PRO:HB3	6	0.65
(1,47)	1:418:A:THR:HG23	1:419:A:PRO:HB3	6	0.65
(1,14)	1:345:A:LEU:HA	1:354:A:ILE:HG21	3	0.65
(1,14)	1:345:A:LEU:HA	1:354:A:ILE:HG22	3	0.65
(1,14)	1:345:A:LEU:HA	1:354:A:ILE:HG23	3	0.65
(1,1468)	1:394:A:LEU:HD11	1:397:A:TYR:HE2	2	0.64
(1,1468)	1:394:A:LEU:HD12	1:397:A:TYR:HE2	2	0.64
(1,1468)	1:394:A:LEU:HD13	1:397:A:TYR:HE2	2	0.64
(1,1468)	1:394:A:LEU:HD21	1:397:A:TYR:HE2	2	0.64
(1,1468)	1:394:A:LEU:HD22	1:397:A:TYR:HE2	2	0.64
(1,1468)	1:394:A:LEU:HD23	1:397:A:TYR:HE2	2	0.64
(1,1376)	1:359:A:LYS:HA	1:362:A:LYS:HG2	3	0.64
(1,1376)	1:359:A:LYS:HA	1:362:A:LYS:HG3	3	0.64
(1,1332)	1:345:A:LEU:HD11	1:356:A:TRP:HB2	5	0.64
(1,1332)	1:345:A:LEU:HD12	1:356:A:TRP:HB2	5	0.64
(1,1332)	1:345:A:LEU:HD13	1:356:A:TRP:HB2	5	0.64
(1,1332)	1:345:A:LEU:HD21	1:356:A:TRP:HB2	5	0.64
(1,1332)	1:345:A:LEU:HD22	1:356:A:TRP:HB2	5	0.64
(1,1332)	1:345:A:LEU:HD23	1:356:A:TRP:HB2	5	0.64
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD11	1:390:A:MET:HE1	3	0.64
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD11	1:390:A:MET:HE2	3	0.64
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD11	1:390:A:MET:HE3	3	0.64
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD12	1:390:A:MET:HE1	3	0.64
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD12	1:390:A:MET:HE2	3	0.64
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD12	1:390:A:MET:HE3	3	0.64
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD13	1:390:A:MET:HE1	3	0.64
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD13	1:390:A:MET:HE2	3	0.64
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD13	1:390:A:MET:HE3	3	0.64
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD21	1:390:A:MET:HE1	3	0.64
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD21	1:390:A:MET:HE2	3	0.64
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD21	1:390:A:MET:HE3	3	0.64
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD22	1:390:A:MET:HE1	3	0.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD22	1:390:A:MET:HE2	3	0.64
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD22	1:390:A:MET:HE3	3	0.64
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD23	1:390:A:MET:HE1	3	0.64
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD23	1:390:A:MET:HE2	3	0.64
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD23	1:390:A:MET:HE3	3	0.64
(1,1204)	1:398:A:TYR:HE1	1:404:A:ARG:HA	8	0.64
(1,1104)	1:354:A:ILE:H	1:366:A:ILE:HA	2	0.64
(1,1038)	1:358:A:ASP:HA	1:360:A:GLU:H	1	0.64
(1,785)	1:355:A:ARG:H	1:366:A:ILE:HA	6	0.64
(1,645)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HB3	1	0.64
(1,605)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HG2	5	0.64
(1,605)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HG3	5	0.64
(1,520)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD11	10	0.64
(1,520)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD12	10	0.64
(1,520)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD13	10	0.64
(1,505)	1:412:A:LEU:HD11	1:413:A:PHE:HE1	8	0.64
(1,505)	1:412:A:LEU:HD12	1:413:A:PHE:HE1	8	0.64
(1,505)	1:412:A:LEU:HD13	1:413:A:PHE:HE1	8	0.64
(1,410)	1:353:A:PHE:HA	1:367:A:VAL:HA	10	0.64
(1,191)	1:406:A:GLU:HA	1:412:A:LEU:HB3	3	0.64
(1,1325)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:H	10	0.63
(1,1325)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:H	10	0.63
(1,1325)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:H	10	0.63
(1,1325)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:H	10	0.63
(1,1325)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:H	10	0.63
(1,1325)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:H	10	0.63
(1,1250)	1:337:A:LEU:HB2	1:341:A:VAL:HB	4	0.63
(1,1250)	1:337:A:LEU:HB3	1:341:A:VAL:HB	4	0.63
(1,1192)	1:376:A:TRP:HH2	1:380:A:LYS:HD2	4	0.63
(1,1192)	1:376:A:TRP:HH2	1:380:A:LYS:HD3	4	0.63
(1,1191)	1:336:A:LEU:HB2	1:338:A:TRP:HD1	5	0.63
(1,1191)	1:336:A:LEU:HB3	1:338:A:TRP:HD1	5	0.63
(1,1191)	1:336:A:LEU:HB2	1:338:A:TRP:HD1	9	0.63
(1,1191)	1:336:A:LEU:HB3	1:338:A:TRP:HD1	9	0.63
(1,1129)	1:398:A:TYR:H	1:402:A:ILE:HD11	8	0.63
(1,1129)	1:398:A:TYR:H	1:402:A:ILE:HD12	8	0.63
(1,1129)	1:398:A:TYR:H	1:402:A:ILE:HD13	8	0.63
(1,995)	1:359:A:LYS:HD2	1:363:A:ILE:H	10	0.63
(1,995)	1:359:A:LYS:HD3	1:363:A:ILE:H	10	0.63
(1,943)	1:400:A:LEU:H	1:400:A:LEU:HG	1	0.63
(1,842)	1:358:A:ASP:HA	1:361:A:SER:H	5	0.63
(1,540)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD21	8	0.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,540)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD22	8	0.63
(1,540)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD23	8	0.63
(1,503)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD21	9	0.63
(1,503)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD22	9	0.63
(1,503)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD23	9	0.63
(1,410)	1:353:A:PHE:HA	1:367:A:VAL:HA	6	0.63
(1,263)	1:348:A:SER:HA	1:351:A:GLU:HG2	3	0.63
(1,263)	1:348:A:SER:HA	1:351:A:GLU:HG3	3	0.63
(1,65)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:HB	8	0.63
(1,65)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:HB	8	0.63
(1,1434)	1:376:A:TRP:HZ2	1:380:A:LYS:HE2	3	0.62
(1,1434)	1:376:A:TRP:HZ2	1:380:A:LYS:HE3	3	0.62
(1,1352)	1:349:A:ARG:HD2	1:350:A:TYR:HD2	9	0.62
(1,1352)	1:349:A:ARG:HD3	1:350:A:TYR:HD2	9	0.62
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HG2	3	0.62
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HG3	3	0.62
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HG2	3	0.62
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HG3	3	0.62
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HG2	3	0.62
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HG3	3	0.62
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HG2	3	0.62
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HG3	3	0.62
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HG2	3	0.62
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HG3	3	0.62
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HG2	3	0.62
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HG3	3	0.62
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD11	8	0.62
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD12	8	0.62
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD13	8	0.62
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD21	8	0.62
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD22	8	0.62
(1,1278)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD23	8	0.62
(1,1209)	1:398:A:TYR:HE1	1:405:A:LYS:HB2	8	0.62
(1,1209)	1:398:A:TYR:HE1	1:405:A:LYS:HB3	8	0.62
(1,1187)	1:356:A:TRP:HD1	1:359:A:LYS:HD2	10	0.62
(1,1187)	1:356:A:TRP:HD1	1:359:A:LYS:HD3	10	0.62
(1,904)	1:366:A:ILE:H	1:368:A:ASP:H	2	0.62
(1,883)	1:401:A:ASN:H	1:402:A:ILE:HD11	10	0.62
(1,883)	1:401:A:ASN:H	1:402:A:ILE:HD12	10	0.62
(1,883)	1:401:A:ASN:H	1:402:A:ILE:HD13	10	0.62
(1,663)	1:357:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD21	7	0.62
(1,663)	1:357:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD22	7	0.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,663)	1:357:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD23	7	0.62
(1,645)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HB3	9	0.62
(1,474)	1:354:A:ILE:HG12	1:355:A:ARG:HE	10	0.62
(1,385)	1:358:A:ASP:HA	1:363:A:ILE:HG21	10	0.62
(1,385)	1:358:A:ASP:HA	1:363:A:ILE:HG22	10	0.62
(1,385)	1:358:A:ASP:HA	1:363:A:ILE:HG23	10	0.62
(1,159)	1:413:A:PHE:HB2	1:413:A:PHE:HE1	9	0.62
(1,37)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HE1	7	0.62
(1,37)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HE2	7	0.62
(1,37)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HE3	7	0.62
(1,1180)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HA	6	0.61
(1,1163)	1:398:A:TYR:HA	1:398:A:TYR:HD2	2	0.61
(1,712)	1:404:A:ARG:H	1:416:A:MET:HG2	8	0.61
(1,712)	1:404:A:ARG:H	1:416:A:MET:HG3	8	0.61
(1,506)	1:365:A:ARG:HD3	1:412:A:LEU:HD21	1	0.61
(1,506)	1:365:A:ARG:HD3	1:412:A:LEU:HD22	1	0.61
(1,506)	1:365:A:ARG:HD3	1:412:A:LEU:HD23	1	0.61
(1,358)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HG21	5	0.61
(1,358)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HG22	5	0.61
(1,358)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HG23	5	0.61
(1,263)	1:348:A:SER:HA	1:351:A:GLU:HG2	4	0.61
(1,263)	1:348:A:SER:HA	1:351:A:GLU:HG3	4	0.61
(1,203)	1:345:A:LEU:HG	1:355:A:ARG:HA	3	0.61
(1,159)	1:413:A:PHE:HB2	1:413:A:PHE:HE1	4	0.61
(1,159)	1:413:A:PHE:HB2	1:413:A:PHE:HE1	6	0.61
(1,19)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG21	10	0.61
(1,19)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG22	10	0.61
(1,19)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG23	10	0.61
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD11	9	0.6
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD12	9	0.6
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD13	9	0.6
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD21	9	0.6
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD22	9	0.6
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD23	9	0.6
(1,1213)	1:340:A:TYR:HA	1:340:A:TYR:HE2	6	0.6
(1,1209)	1:398:A:TYR:HE1	1:405:A:LYS:HB2	1	0.6
(1,1209)	1:398:A:TYR:HE1	1:405:A:LYS:HB3	1	0.6
(1,1172)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HG	4	0.6
(1,1172)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HG	5	0.6
(1,883)	1:401:A:ASN:H	1:402:A:ILE:HD11	3	0.6
(1,883)	1:401:A:ASN:H	1:402:A:ILE:HD12	3	0.6
(1,883)	1:401:A:ASN:H	1:402:A:ILE:HD13	3	0.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,881)	1:400:A:LEU:HB2	1:401:A:ASN:H	10	0.6
(1,860)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:H	6	0.6
(1,860)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:H	9	0.6
(1,755)	1:355:A:ARG:HG2	1:356:A:TRP:H	7	0.6
(1,755)	1:355:A:ARG:HG3	1:356:A:TRP:H	7	0.6
(1,726)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:H	6	0.6
(1,689)	1:426:A:ARG:H	1:426:A:ARG:HD2	8	0.6
(1,689)	1:426:A:ARG:H	1:426:A:ARG:HD3	8	0.6
(1,565)	1:386:A:THR:HA	1:386:A:THR:HG21	2	0.6
(1,565)	1:386:A:THR:HA	1:386:A:THR:HG22	2	0.6
(1,565)	1:386:A:THR:HA	1:386:A:THR:HG23	2	0.6
(1,565)	1:386:A:THR:HA	1:386:A:THR:HG21	4	0.6
(1,565)	1:386:A:THR:HA	1:386:A:THR:HG22	4	0.6
(1,565)	1:386:A:THR:HA	1:386:A:THR:HG23	4	0.6
(1,565)	1:386:A:THR:HA	1:386:A:THR:HG21	7	0.6
(1,565)	1:386:A:THR:HA	1:386:A:THR:HG22	7	0.6
(1,565)	1:386:A:THR:HA	1:386:A:THR:HG23	7	0.6
(1,565)	1:386:A:THR:HA	1:386:A:THR:HG21	8	0.6
(1,565)	1:386:A:THR:HA	1:386:A:THR:HG22	8	0.6
(1,565)	1:386:A:THR:HA	1:386:A:THR:HG23	8	0.6
(1,506)	1:365:A:ARG:HD3	1:412:A:LEU:HD21	4	0.6
(1,506)	1:365:A:ARG:HD3	1:412:A:LEU:HD22	4	0.6
(1,506)	1:365:A:ARG:HD3	1:412:A:LEU:HD23	4	0.6
(1,399)	1:353:A:PHE:HA	1:366:A:ILE:HG21	8	0.6
(1,399)	1:353:A:PHE:HA	1:366:A:ILE:HG22	8	0.6
(1,399)	1:353:A:PHE:HA	1:366:A:ILE:HG23	8	0.6
(1,387)	1:358:A:ASP:HB2	1:363:A:ILE:HG21	6	0.6
(1,387)	1:358:A:ASP:HB2	1:363:A:ILE:HG22	6	0.6
(1,387)	1:358:A:ASP:HB2	1:363:A:ILE:HG23	6	0.6
(1,387)	1:358:A:ASP:HB3	1:363:A:ILE:HG21	6	0.6
(1,387)	1:358:A:ASP:HB3	1:363:A:ILE:HG22	6	0.6
(1,387)	1:358:A:ASP:HB3	1:363:A:ILE:HG23	6	0.6
(1,329)	1:348:A:SER:HB2	1:351:A:GLU:HG2	10	0.6
(1,329)	1:348:A:SER:HB2	1:351:A:GLU:HG3	10	0.6
(1,329)	1:348:A:SER:HB3	1:351:A:GLU:HG2	10	0.6
(1,329)	1:348:A:SER:HB3	1:351:A:GLU:HG3	10	0.6
(1,324)	1:346:A:SER:H	1:354:A:ILE:HD11	8	0.6
(1,324)	1:346:A:SER:H	1:354:A:ILE:HD12	8	0.6
(1,324)	1:346:A:SER:H	1:354:A:ILE:HD13	8	0.6
(1,19)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG21	1	0.6
(1,19)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG22	1	0.6
(1,19)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG23	1	0.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1394)	1:368:A:ASP:HA	1:411:A:LEU:HD11	6	0.59
(1,1394)	1:368:A:ASP:HA	1:411:A:LEU:HD12	6	0.59
(1,1394)	1:368:A:ASP:HA	1:411:A:LEU:HD13	6	0.59
(1,1394)	1:368:A:ASP:HA	1:411:A:LEU:HD21	6	0.59
(1,1394)	1:368:A:ASP:HA	1:411:A:LEU:HD22	6	0.59
(1,1394)	1:368:A:ASP:HA	1:411:A:LEU:HD23	6	0.59
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD11	1:367:A:VAL:HG21	6	0.59
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD11	1:367:A:VAL:HG22	6	0.59
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD11	1:367:A:VAL:HG23	6	0.59
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD12	1:367:A:VAL:HG21	6	0.59
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD12	1:367:A:VAL:HG22	6	0.59
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD12	1:367:A:VAL:HG23	6	0.59
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD13	1:367:A:VAL:HG21	6	0.59
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD13	1:367:A:VAL:HG22	6	0.59
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD13	1:367:A:VAL:HG23	6	0.59
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD21	1:367:A:VAL:HG21	6	0.59
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD21	1:367:A:VAL:HG22	6	0.59
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD21	1:367:A:VAL:HG23	6	0.59
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD22	1:367:A:VAL:HG21	6	0.59
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD22	1:367:A:VAL:HG22	6	0.59
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD22	1:367:A:VAL:HG23	6	0.59
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD23	1:367:A:VAL:HG21	6	0.59
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD23	1:367:A:VAL:HG22	6	0.59
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD23	1:367:A:VAL:HG23	6	0.59
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HB2	6	0.59
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HB3	6	0.59
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HB2	6	0.59
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HB3	6	0.59
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HB2	6	0.59
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HB3	6	0.59
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HB2	6	0.59
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HB3	6	0.59
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HB2	6	0.59
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HB3	6	0.59
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HB2	6	0.59
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HB3	6	0.59
(1,1260)	1:337:A:LEU:HD11	1:376:A:TRP:HE1	8	0.59
(1,1260)	1:337:A:LEU:HD12	1:376:A:TRP:HE1	8	0.59
(1,1260)	1:337:A:LEU:HD13	1:376:A:TRP:HE1	8	0.59
(1,1260)	1:337:A:LEU:HD21	1:376:A:TRP:HE1	8	0.59
(1,1260)	1:337:A:LEU:HD22	1:376:A:TRP:HE1	8	0.59
(1,1260)	1:337:A:LEU:HD23	1:376:A:TRP:HE1	8	0.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1180)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HA	9	0.59
(1,1057)	1:373:A:ALA:H	1:376:A:TRP:HB2	6	0.59
(1,1057)	1:373:A:ALA:H	1:376:A:TRP:HB3	6	0.59
(1,1038)	1:358:A:ASP:HA	1:360:A:GLU:H	3	0.59
(1,921)	1:397:A:TYR:H	1:402:A:ILE:HD11	4	0.59
(1,921)	1:397:A:TYR:H	1:402:A:ILE:HD12	4	0.59
(1,921)	1:397:A:TYR:H	1:402:A:ILE:HD13	4	0.59
(1,904)	1:366:A:ILE:H	1:368:A:ASP:H	8	0.59
(1,897)	1:353:A:PHE:H	1:367:A:VAL:HB	1	0.59
(1,872)	1:352:A:ASN:H	1:354:A:ILE:HG21	4	0.59
(1,872)	1:352:A:ASN:H	1:354:A:ILE:HG22	4	0.59
(1,872)	1:352:A:ASN:H	1:354:A:ILE:HG23	4	0.59
(1,847)	1:361:A:SER:H	1:363:A:ILE:HG12	3	0.59
(1,847)	1:361:A:SER:H	1:363:A:ILE:HG13	3	0.59
(1,701)	1:363:A:ILE:HD11	1:415:A:PHE:H	4	0.59
(1,701)	1:363:A:ILE:HD12	1:415:A:PHE:H	4	0.59
(1,701)	1:363:A:ILE:HD13	1:415:A:PHE:H	4	0.59
(1,676)	1:365:A:ARG:HG3	1:366:A:ILE:H	2	0.59
(1,599)	1:356:A:TRP:HE1	1:359:A:LYS:HD2	9	0.59
(1,599)	1:356:A:TRP:HE1	1:359:A:LYS:HD3	9	0.59
(1,589)	1:369:A:PRO:HA	1:387:A:TYR:HB2	6	0.59
(1,587)	1:353:A:PHE:HB3	1:369:A:PRO:HA	10	0.59
(1,565)	1:386:A:THR:HA	1:386:A:THR:HG21	1	0.59
(1,565)	1:386:A:THR:HA	1:386:A:THR:HG22	1	0.59
(1,565)	1:386:A:THR:HA	1:386:A:THR:HG23	1	0.59
(1,565)	1:386:A:THR:HA	1:386:A:THR:HG21	3	0.59
(1,565)	1:386:A:THR:HA	1:386:A:THR:HG22	3	0.59
(1,565)	1:386:A:THR:HA	1:386:A:THR:HG23	3	0.59
(1,565)	1:386:A:THR:HA	1:386:A:THR:HG21	5	0.59
(1,565)	1:386:A:THR:HA	1:386:A:THR:HG22	5	0.59
(1,565)	1:386:A:THR:HA	1:386:A:THR:HG23	5	0.59
(1,565)	1:386:A:THR:HA	1:386:A:THR:HG21	9	0.59
(1,565)	1:386:A:THR:HA	1:386:A:THR:HG22	9	0.59
(1,565)	1:386:A:THR:HA	1:386:A:THR:HG23	9	0.59
(1,565)	1:386:A:THR:HA	1:386:A:THR:HG21	10	0.59
(1,565)	1:386:A:THR:HA	1:386:A:THR:HG22	10	0.59
(1,565)	1:386:A:THR:HA	1:386:A:THR:HG23	10	0.59
(1,449)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:HA	5	0.59
(1,449)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:HA	8	0.59
(1,410)	1:353:A:PHE:HA	1:367:A:VAL:HA	1	0.59
(1,410)	1:353:A:PHE:HA	1:367:A:VAL:HA	2	0.59
(1,387)	1:358:A:ASP:HB2	1:363:A:ILE:HG21	5	0.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,387)	1:358:A:ASP:HB2	1:363:A:ILE:HG22	5	0.59
(1,387)	1:358:A:ASP:HB2	1:363:A:ILE:HG23	5	0.59
(1,387)	1:358:A:ASP:HB3	1:363:A:ILE:HG21	5	0.59
(1,387)	1:358:A:ASP:HB3	1:363:A:ILE:HG22	5	0.59
(1,387)	1:358:A:ASP:HB3	1:363:A:ILE:HG23	5	0.59
(1,358)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HG21	6	0.59
(1,358)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HG22	6	0.59
(1,358)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HG23	6	0.59
(1,313)	1:342:A:TYR:HA	1:342:A:TYR:HD2	10	0.59
(1,191)	1:406:A:GLU:HA	1:412:A:LEU:HB3	4	0.59
(1,159)	1:413:A:PHE:HB2	1:413:A:PHE:HE1	1	0.59
(1,159)	1:413:A:PHE:HB2	1:413:A:PHE:HE1	5	0.59
(1,159)	1:413:A:PHE:HB2	1:413:A:PHE:HE1	10	0.59
(1,99)	1:375:A:LEU:HB2	1:378:A:ASN:HB2	5	0.59
(1,99)	1:375:A:LEU:HB3	1:378:A:ASN:HB2	5	0.59
(1,1522)	1:416:A:MET:H	1:417:A:LYS:HB2	5	0.58
(1,1522)	1:416:A:MET:H	1:417:A:LYS:HB3	5	0.58
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD11	1:367:A:VAL:HG21	4	0.58
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD11	1:367:A:VAL:HG22	4	0.58
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD11	1:367:A:VAL:HG23	4	0.58
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD12	1:367:A:VAL:HG21	4	0.58
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD12	1:367:A:VAL:HG22	4	0.58
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD12	1:367:A:VAL:HG23	4	0.58
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD13	1:367:A:VAL:HG21	4	0.58
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD13	1:367:A:VAL:HG22	4	0.58
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD13	1:367:A:VAL:HG23	4	0.58
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD21	1:367:A:VAL:HG21	4	0.58
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD21	1:367:A:VAL:HG22	4	0.58
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD21	1:367:A:VAL:HG23	4	0.58
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD22	1:367:A:VAL:HG21	4	0.58
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD22	1:367:A:VAL:HG22	4	0.58
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD22	1:367:A:VAL:HG23	4	0.58
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD23	1:367:A:VAL:HG21	4	0.58
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD23	1:367:A:VAL:HG22	4	0.58
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD23	1:367:A:VAL:HG23	4	0.58
(1,1244)	1:336:A:LEU:HD11	1:338:A:TRP:HE1	6	0.58
(1,1244)	1:336:A:LEU:HD12	1:338:A:TRP:HE1	6	0.58
(1,1244)	1:336:A:LEU:HD13	1:338:A:TRP:HE1	6	0.58
(1,1244)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HE1	6	0.58
(1,1244)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HE1	6	0.58
(1,1244)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HE1	6	0.58
(1,995)	1:359:A:LYS:HD2	1:363:A:ILE:H	8	0.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,995)	1:359:A:LYS:HD3	1:363:A:ILE:H	8	0.58
(1,897)	1:353:A:PHE:H	1:367:A:VAL:HB	3	0.58
(1,883)	1:401:A:ASN:H	1:402:A:ILE:HD11	7	0.58
(1,883)	1:401:A:ASN:H	1:402:A:ILE:HD12	7	0.58
(1,883)	1:401:A:ASN:H	1:402:A:ILE:HD13	7	0.58
(1,844)	1:359:A:LYS:HA	1:361:A:SER:H	9	0.58
(1,824)	1:375:A:LEU:HB2	1:378:A:ASN:HD21	8	0.58
(1,824)	1:375:A:LEU:HB3	1:378:A:ASN:HD21	8	0.58
(1,824)	1:375:A:LEU:HB2	1:378:A:ASN:HD21	9	0.58
(1,824)	1:375:A:LEU:HB3	1:378:A:ASN:HD21	9	0.58
(1,399)	1:353:A:PHE:HA	1:366:A:ILE:HG21	4	0.58
(1,399)	1:353:A:PHE:HA	1:366:A:ILE:HG22	4	0.58
(1,399)	1:353:A:PHE:HA	1:366:A:ILE:HG23	4	0.58
(1,385)	1:358:A:ASP:HA	1:363:A:ILE:HG21	1	0.58
(1,385)	1:358:A:ASP:HA	1:363:A:ILE:HG22	1	0.58
(1,385)	1:358:A:ASP:HA	1:363:A:ILE:HG23	1	0.58
(1,377)	1:373:A:ALA:HB1	1:385:A:MET:HB3	4	0.58
(1,377)	1:373:A:ALA:HB2	1:385:A:MET:HB3	4	0.58
(1,377)	1:373:A:ALA:HB3	1:385:A:MET:HB3	4	0.58
(1,377)	1:373:A:ALA:HB1	1:385:A:MET:HB2	4	0.58
(1,377)	1:373:A:ALA:HB2	1:385:A:MET:HB2	4	0.58
(1,377)	1:373:A:ALA:HB3	1:385:A:MET:HB2	4	0.58
(1,335)	1:361:A:SER:HB3	1:363:A:ILE:HB	1	0.58
(1,313)	1:342:A:TYR:HA	1:342:A:TYR:HD2	1	0.58
(1,178)	1:412:A:LEU:HA	1:413:A:PHE:HE1	3	0.58
(1,152)	1:354:A:ILE:H	1:355:A:ARG:HD2	9	0.58
(1,152)	1:354:A:ILE:H	1:355:A:ARG:HD3	9	0.58
(1,151)	1:365:A:ARG:HD3	1:366:A:ILE:H	4	0.58
(1,118)	1:353:A:PHE:HB3	1:372:A:LEU:HG	4	0.58
(1,47)	1:418:A:THR:HG21	1:419:A:PRO:HB3	4	0.58
(1,47)	1:418:A:THR:HG22	1:419:A:PRO:HB3	4	0.58
(1,47)	1:418:A:THR:HG23	1:419:A:PRO:HB3	4	0.58
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG12	1:394:A:LEU:HD11	5	0.57
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG12	1:394:A:LEU:HD12	5	0.57
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG12	1:394:A:LEU:HD13	5	0.57
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG12	1:394:A:LEU:HD21	5	0.57
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG12	1:394:A:LEU:HD22	5	0.57
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG12	1:394:A:LEU:HD23	5	0.57
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG13	1:394:A:LEU:HD11	5	0.57
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG13	1:394:A:LEU:HD12	5	0.57
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG13	1:394:A:LEU:HD13	5	0.57
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG13	1:394:A:LEU:HD21	5	0.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG13	1:394:A:LEU:HD22	5	0.57
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG13	1:394:A:LEU:HD23	5	0.57
(1,1377)	1:361:A:SER:H	1:362:A:LYS:HG2	4	0.57
(1,1377)	1:361:A:SER:H	1:362:A:LYS:HG3	4	0.57
(1,1363)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HD11	3	0.57
(1,1363)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HD12	3	0.57
(1,1363)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HD13	3	0.57
(1,1363)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HD21	3	0.57
(1,1363)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HD22	3	0.57
(1,1363)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HD23	3	0.57
(1,1291)	1:341:A:VAL:HG11	1:364:A:PHE:HD2	9	0.57
(1,1291)	1:341:A:VAL:HG12	1:364:A:PHE:HD2	9	0.57
(1,1291)	1:341:A:VAL:HG13	1:364:A:PHE:HD2	9	0.57
(1,1291)	1:341:A:VAL:HG21	1:364:A:PHE:HD2	9	0.57
(1,1291)	1:341:A:VAL:HG22	1:364:A:PHE:HD2	9	0.57
(1,1291)	1:341:A:VAL:HG23	1:364:A:PHE:HD2	9	0.57
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG11	1:344:A:LEU:HD11	3	0.57
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG11	1:344:A:LEU:HD12	3	0.57
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG11	1:344:A:LEU:HD13	3	0.57
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG11	1:344:A:LEU:HD21	3	0.57
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG11	1:344:A:LEU:HD22	3	0.57
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG11	1:344:A:LEU:HD23	3	0.57
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG12	1:344:A:LEU:HD11	3	0.57
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG12	1:344:A:LEU:HD12	3	0.57
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG12	1:344:A:LEU:HD13	3	0.57
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG12	1:344:A:LEU:HD21	3	0.57
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG12	1:344:A:LEU:HD22	3	0.57
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG12	1:344:A:LEU:HD23	3	0.57
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG13	1:344:A:LEU:HD11	3	0.57
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG13	1:344:A:LEU:HD12	3	0.57
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG13	1:344:A:LEU:HD13	3	0.57
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG13	1:344:A:LEU:HD21	3	0.57
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG13	1:344:A:LEU:HD22	3	0.57
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG13	1:344:A:LEU:HD23	3	0.57
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG21	1:344:A:LEU:HD11	3	0.57
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG21	1:344:A:LEU:HD12	3	0.57
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG21	1:344:A:LEU:HD13	3	0.57
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG21	1:344:A:LEU:HD21	3	0.57
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG21	1:344:A:LEU:HD22	3	0.57
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG21	1:344:A:LEU:HD23	3	0.57
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG22	1:344:A:LEU:HD11	3	0.57
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG22	1:344:A:LEU:HD12	3	0.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG22	1:344:A:LEU:HD13	3	0.57
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG22	1:344:A:LEU:HD21	3	0.57
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG22	1:344:A:LEU:HD22	3	0.57
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG22	1:344:A:LEU:HD23	3	0.57
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG23	1:344:A:LEU:HD11	3	0.57
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG23	1:344:A:LEU:HD12	3	0.57
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG23	1:344:A:LEU:HD13	3	0.57
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG23	1:344:A:LEU:HD21	3	0.57
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG23	1:344:A:LEU:HD22	3	0.57
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG23	1:344:A:LEU:HD23	3	0.57
(1,1267)	1:337:A:LEU:HD11	1:393:A:ALA:H	2	0.57
(1,1267)	1:337:A:LEU:HD12	1:393:A:ALA:H	2	0.57
(1,1267)	1:337:A:LEU:HD13	1:393:A:ALA:H	2	0.57
(1,1267)	1:337:A:LEU:HD21	1:393:A:ALA:H	2	0.57
(1,1267)	1:337:A:LEU:HD22	1:393:A:ALA:H	2	0.57
(1,1267)	1:337:A:LEU:HD23	1:393:A:ALA:H	2	0.57
(1,860)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:H	10	0.57
(1,726)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:H	5	0.57
(1,726)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:H	9	0.57
(1,643)	1:406:A:GLU:H	1:413:A:PHE:HB3	6	0.57
(1,569)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG11	1	0.57
(1,569)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG12	1	0.57
(1,569)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG13	1	0.57
(1,335)	1:361:A:SER:HB3	1:363:A:ILE:HB	4	0.57
(1,286)	1:403:A:ILE:HD11	1:413:A:PHE:HD2	1	0.57
(1,286)	1:403:A:ILE:HD12	1:413:A:PHE:HD2	1	0.57
(1,286)	1:403:A:ILE:HD13	1:413:A:PHE:HD2	1	0.57
(1,286)	1:403:A:ILE:HD11	1:413:A:PHE:HD2	5	0.57
(1,286)	1:403:A:ILE:HD12	1:413:A:PHE:HD2	5	0.57
(1,286)	1:403:A:ILE:HD13	1:413:A:PHE:HD2	5	0.57
(1,173)	1:353:A:PHE:HA	1:368:A:ASP:HA	10	0.57
(1,159)	1:413:A:PHE:HB2	1:413:A:PHE:HE1	2	0.57
(1,151)	1:365:A:ARG:HD3	1:366:A:ILE:H	8	0.57
(1,33)	1:390:A:MET:H	1:390:A:MET:HE1	4	0.57
(1,33)	1:390:A:MET:H	1:390:A:MET:HE2	4	0.57
(1,33)	1:390:A:MET:H	1:390:A:MET:HE3	4	0.57
(1,1494)	1:405:A:LYS:HG2	1:413:A:PHE:HE2	1	0.56
(1,1494)	1:405:A:LYS:HG3	1:413:A:PHE:HE2	1	0.56
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD11	1:354:A:ILE:HD11	1	0.56
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD11	1:354:A:ILE:HD12	1	0.56
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD11	1:354:A:ILE:HD13	1	0.56
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD12	1:354:A:ILE:HD11	1	0.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD12	1:354:A:ILE:HD12	1	0.56
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD12	1:354:A:ILE:HD13	1	0.56
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD13	1:354:A:ILE:HD11	1	0.56
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD13	1:354:A:ILE:HD12	1	0.56
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD13	1:354:A:ILE:HD13	1	0.56
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD21	1:354:A:ILE:HD11	1	0.56
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD21	1:354:A:ILE:HD12	1	0.56
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD21	1:354:A:ILE:HD13	1	0.56
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD22	1:354:A:ILE:HD11	1	0.56
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD22	1:354:A:ILE:HD12	1	0.56
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD22	1:354:A:ILE:HD13	1	0.56
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD23	1:354:A:ILE:HD11	1	0.56
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD23	1:354:A:ILE:HD12	1	0.56
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD23	1:354:A:ILE:HD13	1	0.56
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD11	1:338:A:TRP:HH2	1	0.56
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD12	1:338:A:TRP:HH2	1	0.56
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD13	1:338:A:TRP:HH2	1	0.56
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HH2	1	0.56
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HH2	1	0.56
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HH2	1	0.56
(1,1244)	1:336:A:LEU:HD11	1:338:A:TRP:HE1	7	0.56
(1,1244)	1:336:A:LEU:HD12	1:338:A:TRP:HE1	7	0.56
(1,1244)	1:336:A:LEU:HD13	1:338:A:TRP:HE1	7	0.56
(1,1244)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HE1	7	0.56
(1,1244)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HE1	7	0.56
(1,1244)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HE1	7	0.56
(1,1147)	1:352:A:ASN:HD21	1:367:A:VAL:HG21	6	0.56
(1,1147)	1:352:A:ASN:HD21	1:367:A:VAL:HG22	6	0.56
(1,1147)	1:352:A:ASN:HD21	1:367:A:VAL:HG23	6	0.56
(1,1034)	1:356:A:TRP:HB3	1:360:A:GLU:H	9	0.56
(1,824)	1:375:A:LEU:HB2	1:378:A:ASN:HD21	3	0.56
(1,824)	1:375:A:LEU:HB3	1:378:A:ASN:HD21	3	0.56
(1,410)	1:353:A:PHE:HA	1:367:A:VAL:HA	5	0.56
(1,365)	1:364:A:PHE:HE1	1:403:A:ILE:HG21	8	0.56
(1,365)	1:364:A:PHE:HE1	1:403:A:ILE:HG22	8	0.56
(1,365)	1:364:A:PHE:HE1	1:403:A:ILE:HG23	8	0.56
(1,313)	1:342:A:TYR:HA	1:342:A:TYR:HD2	2	0.56
(1,191)	1:406:A:GLU:HA	1:412:A:LEU:HB3	6	0.56
(1,173)	1:353:A:PHE:HA	1:368:A:ASP:HA	6	0.56
(1,152)	1:354:A:ILE:H	1:355:A:ARG:HD2	7	0.56
(1,152)	1:354:A:ILE:H	1:355:A:ARG:HD3	7	0.56
(1,49)	1:366:A:ILE:HG21	1:369:A:PRO:HB2	10	0.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,49)	1:366:A:ILE:HG22	1:369:A:PRO:HB2	10	0.56
(1,49)	1:366:A:ILE:HG23	1:369:A:PRO:HB2	10	0.56
(1,14)	1:345:A:LEU:HA	1:354:A:ILE:HG21	5	0.56
(1,14)	1:345:A:LEU:HA	1:354:A:ILE:HG22	5	0.56
(1,14)	1:345:A:LEU:HA	1:354:A:ILE:HG23	5	0.56
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD11	5	0.55
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD12	5	0.55
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD13	5	0.55
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD21	5	0.55
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD22	5	0.55
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD23	5	0.55
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HG2	5	0.55
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HG3	5	0.55
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HG2	5	0.55
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HG3	5	0.55
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HG2	5	0.55
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HG3	5	0.55
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HG2	5	0.55
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HG3	5	0.55
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HG2	5	0.55
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HG3	5	0.55
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HG2	5	0.55
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HG3	5	0.55
(1,1325)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:H	7	0.55
(1,1325)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:H	7	0.55
(1,1325)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:H	7	0.55
(1,1325)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:H	7	0.55
(1,1325)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:H	7	0.55
(1,1325)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:H	7	0.55
(1,1291)	1:341:A:VAL:HG11	1:364:A:PHE:HD2	7	0.55
(1,1291)	1:341:A:VAL:HG12	1:364:A:PHE:HD2	7	0.55
(1,1291)	1:341:A:VAL:HG13	1:364:A:PHE:HD2	7	0.55
(1,1291)	1:341:A:VAL:HG21	1:364:A:PHE:HD2	7	0.55
(1,1291)	1:341:A:VAL:HG22	1:364:A:PHE:HD2	7	0.55
(1,1291)	1:341:A:VAL:HG23	1:364:A:PHE:HD2	7	0.55
(1,1222)	1:366:A:ILE:HG12	1:387:A:TYR:HE2	8	0.55
(1,1222)	1:366:A:ILE:HG13	1:387:A:TYR:HE2	8	0.55
(1,1213)	1:340:A:TYR:HA	1:340:A:TYR:HE2	2	0.55
(1,1147)	1:352:A:ASN:HD21	1:367:A:VAL:HG21	4	0.55
(1,1147)	1:352:A:ASN:HD21	1:367:A:VAL:HG22	4	0.55
(1,1147)	1:352:A:ASN:HD21	1:367:A:VAL:HG23	4	0.55
(1,1127)	1:348:A:SER:H	1:350:A:TYR:H	6	0.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,950)	1:350:A:TYR:H	1:351:A:GLU:HG2	6	0.55
(1,950)	1:350:A:TYR:H	1:351:A:GLU:HG3	6	0.55
(1,897)	1:353:A:PHE:H	1:367:A:VAL:HB	5	0.55
(1,848)	1:361:A:SER:H	1:363:A:ILE:HB	5	0.55
(1,842)	1:358:A:ASP:HA	1:361:A:SER:H	9	0.55
(1,828)	1:374:A:ARG:HG3	1:378:A:ASN:HD22	5	0.55
(1,813)	1:425:A:GLY:H	1:426:A:ARG:H	4	0.55
(1,726)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:H	4	0.55
(1,726)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:H	10	0.55
(1,640)	1:406:A:GLU:H	1:413:A:PHE:HA	1	0.55
(1,503)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD21	1	0.55
(1,503)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD22	1	0.55
(1,503)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD23	1	0.55
(1,279)	1:363:A:ILE:HD11	1:412:A:LEU:HD11	10	0.55
(1,279)	1:363:A:ILE:HD11	1:412:A:LEU:HD12	10	0.55
(1,279)	1:363:A:ILE:HD11	1:412:A:LEU:HD13	10	0.55
(1,279)	1:363:A:ILE:HD12	1:412:A:LEU:HD11	10	0.55
(1,279)	1:363:A:ILE:HD12	1:412:A:LEU:HD12	10	0.55
(1,279)	1:363:A:ILE:HD12	1:412:A:LEU:HD13	10	0.55
(1,279)	1:363:A:ILE:HD13	1:412:A:LEU:HD11	10	0.55
(1,279)	1:363:A:ILE:HD13	1:412:A:LEU:HD12	10	0.55
(1,279)	1:363:A:ILE:HD13	1:412:A:LEU:HD13	10	0.55
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD11	6	0.54
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD12	6	0.54
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD13	6	0.54
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD21	6	0.54
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD22	6	0.54
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD23	6	0.54
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD11	2	0.54
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD12	2	0.54
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD13	2	0.54
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD21	2	0.54
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD22	2	0.54
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD23	2	0.54
(1,1145)	1:343:A:GLN:HA	1:343:A:GLN:HE22	1	0.54
(1,1129)	1:398:A:TYR:H	1:402:A:ILE:HD11	3	0.54
(1,1129)	1:398:A:TYR:H	1:402:A:ILE:HD12	3	0.54
(1,1129)	1:398:A:TYR:H	1:402:A:ILE:HD13	3	0.54
(1,1008)	1:412:A:LEU:H	1:413:A:PHE:HD1	5	0.54
(1,860)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:H	8	0.54
(1,785)	1:355:A:ARG:H	1:366:A:ILE:HA	4	0.54
(1,673)	1:365:A:ARG:HD2	1:366:A:ILE:H	6	0.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,377)	1:373:A:ALA:HB1	1:385:A:MET:HB3	8	0.54
(1,377)	1:373:A:ALA:HB2	1:385:A:MET:HB3	8	0.54
(1,377)	1:373:A:ALA:HB3	1:385:A:MET:HB3	8	0.54
(1,377)	1:373:A:ALA:HB1	1:385:A:MET:HB2	8	0.54
(1,377)	1:373:A:ALA:HB2	1:385:A:MET:HB2	8	0.54
(1,377)	1:373:A:ALA:HB3	1:385:A:MET:HB2	8	0.54
(1,313)	1:342:A:TYR:HA	1:342:A:TYR:HD2	4	0.54
(1,173)	1:353:A:PHE:HA	1:368:A:ASP:HA	2	0.54
(1,47)	1:418:A:THR:HG21	1:419:A:PRO:HB3	7	0.54
(1,47)	1:418:A:THR:HG22	1:419:A:PRO:HB3	7	0.54
(1,47)	1:418:A:THR:HG23	1:419:A:PRO:HB3	7	0.54
(1,1204)	1:398:A:TYR:HE1	1:404:A:ARG:HA	5	0.53
(1,970)	1:402:A:ILE:HA	1:417:A:LYS:H	5	0.53
(1,829)	1:417:A:LYS:HG2	1:418:A:THR:H	2	0.53
(1,829)	1:417:A:LYS:HG3	1:418:A:THR:H	2	0.53
(1,804)	1:355:A:ARG:HB2	1:365:A:ARG:H	3	0.53
(1,804)	1:355:A:ARG:HB3	1:365:A:ARG:H	3	0.53
(1,701)	1:363:A:ILE:HD11	1:415:A:PHE:H	9	0.53
(1,701)	1:363:A:ILE:HD12	1:415:A:PHE:H	9	0.53
(1,701)	1:363:A:ILE:HD13	1:415:A:PHE:H	9	0.53
(1,673)	1:365:A:ARG:HD2	1:366:A:ILE:H	4	0.53
(1,673)	1:365:A:ARG:HD2	1:366:A:ILE:H	10	0.53
(1,572)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG11	9	0.53
(1,572)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG12	9	0.53
(1,572)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG13	9	0.53
(1,411)	1:365:A:ARG:HD3	1:367:A:VAL:HA	7	0.53
(1,411)	1:365:A:ARG:HD2	1:367:A:VAL:HA	7	0.53
(1,204)	1:355:A:ARG:HA	1:367:A:VAL:HG21	4	0.53
(1,204)	1:355:A:ARG:HA	1:367:A:VAL:HG22	4	0.53
(1,204)	1:355:A:ARG:HA	1:367:A:VAL:HG23	4	0.53
(1,149)	1:355:A:ARG:HD2	1:356:A:TRP:H	9	0.53
(1,149)	1:355:A:ARG:HD3	1:356:A:TRP:H	9	0.53
(1,52)	1:357:A:GLU:HB2	1:412:A:LEU:HD21	1	0.53
(1,52)	1:357:A:GLU:HB2	1:412:A:LEU:HD22	1	0.53
(1,52)	1:357:A:GLU:HB2	1:412:A:LEU:HD23	1	0.53
(1,52)	1:357:A:GLU:HB3	1:412:A:LEU:HD21	1	0.53
(1,52)	1:357:A:GLU:HB3	1:412:A:LEU:HD22	1	0.53
(1,52)	1:357:A:GLU:HB3	1:412:A:LEU:HD23	1	0.53
(1,14)	1:345:A:LEU:HA	1:354:A:ILE:HG21	2	0.53
(1,14)	1:345:A:LEU:HA	1:354:A:ILE:HG22	2	0.53
(1,14)	1:345:A:LEU:HA	1:354:A:ILE:HG23	2	0.53
(1,1343)	1:348:A:SER:HA	1:351:A:GLU:HB2	8	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1343)	1:348:A:SER:HA	1:351:A:GLU:HB3	8	0.52
(1,1305)	1:344:A:LEU:HD11	1:347:A:ASP:HB2	2	0.52
(1,1305)	1:344:A:LEU:HD12	1:347:A:ASP:HB2	2	0.52
(1,1305)	1:344:A:LEU:HD13	1:347:A:ASP:HB2	2	0.52
(1,1305)	1:344:A:LEU:HD21	1:347:A:ASP:HB2	2	0.52
(1,1305)	1:344:A:LEU:HD22	1:347:A:ASP:HB2	2	0.52
(1,1305)	1:344:A:LEU:HD23	1:347:A:ASP:HB2	2	0.52
(1,1290)	1:341:A:VAL:HG11	1:364:A:PHE:HE2	9	0.52
(1,1290)	1:341:A:VAL:HG12	1:364:A:PHE:HE2	9	0.52
(1,1290)	1:341:A:VAL:HG13	1:364:A:PHE:HE2	9	0.52
(1,1290)	1:341:A:VAL:HG21	1:364:A:PHE:HE2	9	0.52
(1,1290)	1:341:A:VAL:HG22	1:364:A:PHE:HE2	9	0.52
(1,1290)	1:341:A:VAL:HG23	1:364:A:PHE:HE2	9	0.52
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD11	7	0.52
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD12	7	0.52
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD13	7	0.52
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD21	7	0.52
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD22	7	0.52
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD23	7	0.52
(1,1250)	1:337:A:LEU:HB2	1:341:A:VAL:HB	8	0.52
(1,1250)	1:337:A:LEU:HB3	1:341:A:VAL:HB	8	0.52
(1,1222)	1:366:A:ILE:HG12	1:387:A:TYR:HE2	4	0.52
(1,1222)	1:366:A:ILE:HG13	1:387:A:TYR:HE2	4	0.52
(1,1114)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG21	10	0.52
(1,1114)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG22	10	0.52
(1,1114)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG23	10	0.52
(1,883)	1:401:A:ASN:H	1:402:A:ILE:HD11	5	0.52
(1,883)	1:401:A:ASN:H	1:402:A:ILE:HD12	5	0.52
(1,883)	1:401:A:ASN:H	1:402:A:ILE:HD13	5	0.52
(1,883)	1:401:A:ASN:H	1:402:A:ILE:HD11	9	0.52
(1,883)	1:401:A:ASN:H	1:402:A:ILE:HD12	9	0.52
(1,883)	1:401:A:ASN:H	1:402:A:ILE:HD13	9	0.52
(1,760)	1:345:A:LEU:HB3	1:356:A:TRP:H	10	0.52
(1,666)	1:366:A:ILE:H	1:413:A:PHE:HZ	8	0.52
(1,645)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HB3	10	0.52
(1,401)	1:353:A:PHE:HB3	1:366:A:ILE:HG21	8	0.52
(1,401)	1:353:A:PHE:HB3	1:366:A:ILE:HG22	8	0.52
(1,401)	1:353:A:PHE:HB3	1:366:A:ILE:HG23	8	0.52
(1,393)	1:366:A:ILE:HG21	1:372:A:LEU:H	7	0.52
(1,393)	1:366:A:ILE:HG22	1:372:A:LEU:H	7	0.52
(1,393)	1:366:A:ILE:HG23	1:372:A:LEU:H	7	0.52
(1,377)	1:373:A:ALA:HB1	1:385:A:MET:HB3	2	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,377)	1:373:A:ALA:HB2	1:385:A:MET:HB3	2	0.52
(1,377)	1:373:A:ALA:HB3	1:385:A:MET:HB3	2	0.52
(1,377)	1:373:A:ALA:HB1	1:385:A:MET:HB2	2	0.52
(1,377)	1:373:A:ALA:HB2	1:385:A:MET:HB2	2	0.52
(1,377)	1:373:A:ALA:HB3	1:385:A:MET:HB2	2	0.52
(1,263)	1:348:A:SER:HA	1:351:A:GLU:HG2	10	0.52
(1,263)	1:348:A:SER:HA	1:351:A:GLU:HG3	10	0.52
(1,215)	1:380:A:LYS:HA	1:380:A:LYS:HD2	7	0.52
(1,215)	1:380:A:LYS:HA	1:380:A:LYS:HD3	7	0.52
(1,172)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE1	10	0.52
(1,172)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE2	10	0.52
(1,172)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE3	10	0.52
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG12	1:394:A:LEU:HD11	9	0.51
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG12	1:394:A:LEU:HD12	9	0.51
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG12	1:394:A:LEU:HD13	9	0.51
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG12	1:394:A:LEU:HD21	9	0.51
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG12	1:394:A:LEU:HD22	9	0.51
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG12	1:394:A:LEU:HD23	9	0.51
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG13	1:394:A:LEU:HD11	9	0.51
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG13	1:394:A:LEU:HD12	9	0.51
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG13	1:394:A:LEU:HD13	9	0.51
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG13	1:394:A:LEU:HD21	9	0.51
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG13	1:394:A:LEU:HD22	9	0.51
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG13	1:394:A:LEU:HD23	9	0.51
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD11	1:357:A:GLU:H	10	0.51
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD12	1:357:A:GLU:H	10	0.51
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD13	1:357:A:GLU:H	10	0.51
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD21	1:357:A:GLU:H	10	0.51
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD22	1:357:A:GLU:H	10	0.51
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD23	1:357:A:GLU:H	10	0.51
(1,1325)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:H	5	0.51
(1,1325)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:H	5	0.51
(1,1325)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:H	5	0.51
(1,1325)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:H	5	0.51
(1,1325)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:H	5	0.51
(1,1325)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:H	5	0.51
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD11	1:390:A:MET:HE1	9	0.51
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD11	1:390:A:MET:HE2	9	0.51
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD11	1:390:A:MET:HE3	9	0.51
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD12	1:390:A:MET:HE1	9	0.51
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD12	1:390:A:MET:HE2	9	0.51
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD12	1:390:A:MET:HE3	9	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD13	1:390:A:MET:HE1	9	0.51
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD13	1:390:A:MET:HE2	9	0.51
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD13	1:390:A:MET:HE3	9	0.51
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD21	1:390:A:MET:HE1	9	0.51
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD21	1:390:A:MET:HE2	9	0.51
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD21	1:390:A:MET:HE3	9	0.51
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD22	1:390:A:MET:HE1	9	0.51
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD22	1:390:A:MET:HE2	9	0.51
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD22	1:390:A:MET:HE3	9	0.51
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD23	1:390:A:MET:HE1	9	0.51
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD23	1:390:A:MET:HE2	9	0.51
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD23	1:390:A:MET:HE3	9	0.51
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD11	1:350:A:TYR:HE1	1	0.51
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD12	1:350:A:TYR:HE1	1	0.51
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD13	1:350:A:TYR:HE1	1	0.51
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD21	1:350:A:TYR:HE1	1	0.51
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD22	1:350:A:TYR:HE1	1	0.51
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD23	1:350:A:TYR:HE1	1	0.51
(1,1106)	1:352:A:ASN:HA	1:354:A:ILE:H	5	0.51
(1,1104)	1:354:A:ILE:H	1:366:A:ILE:HA	1	0.51
(1,1104)	1:354:A:ILE:H	1:366:A:ILE:HA	7	0.51
(1,1038)	1:358:A:ASP:HA	1:360:A:GLU:H	5	0.51
(1,1038)	1:358:A:ASP:HA	1:360:A:GLU:H	6	0.51
(1,883)	1:401:A:ASN:H	1:402:A:ILE:HD11	4	0.51
(1,883)	1:401:A:ASN:H	1:402:A:ILE:HD12	4	0.51
(1,883)	1:401:A:ASN:H	1:402:A:ILE:HD13	4	0.51
(1,848)	1:361:A:SER:H	1:363:A:ILE:HB	8	0.51
(1,848)	1:361:A:SER:H	1:363:A:ILE:HB	10	0.51
(1,820)	1:366:A:ILE:HG21	1:371:A:GLY:H	4	0.51
(1,820)	1:366:A:ILE:HG22	1:371:A:GLY:H	4	0.51
(1,820)	1:366:A:ILE:HG23	1:371:A:GLY:H	4	0.51
(1,802)	1:354:A:ILE:HD11	1:365:A:ARG:H	5	0.51
(1,802)	1:354:A:ILE:HD12	1:365:A:ARG:H	5	0.51
(1,802)	1:354:A:ILE:HD13	1:365:A:ARG:H	5	0.51
(1,798)	1:365:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HD3	4	0.51
(1,798)	1:365:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HD2	4	0.51
(1,701)	1:363:A:ILE:HD11	1:415:A:PHE:H	2	0.51
(1,701)	1:363:A:ILE:HD12	1:415:A:PHE:H	2	0.51
(1,701)	1:363:A:ILE:HD13	1:415:A:PHE:H	2	0.51
(1,666)	1:366:A:ILE:H	1:413:A:PHE:HZ	4	0.51
(1,640)	1:406:A:GLU:H	1:413:A:PHE:HA	4	0.51
(1,590)	1:369:A:PRO:HA	1:372:A:LEU:HB2	2	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,448)	1:374:A:ARG:H	1:385:A:MET:HB3	8	0.51
(1,410)	1:353:A:PHE:HA	1:367:A:VAL:HA	7	0.51
(1,327)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD11	10	0.51
(1,327)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD12	10	0.51
(1,327)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD13	10	0.51
(1,52)	1:357:A:GLU:HB2	1:412:A:LEU:HD21	7	0.51
(1,52)	1:357:A:GLU:HB2	1:412:A:LEU:HD22	7	0.51
(1,52)	1:357:A:GLU:HB2	1:412:A:LEU:HD23	7	0.51
(1,52)	1:357:A:GLU:HB3	1:412:A:LEU:HD21	7	0.51
(1,52)	1:357:A:GLU:HB3	1:412:A:LEU:HD22	7	0.51
(1,52)	1:357:A:GLU:HB3	1:412:A:LEU:HD23	7	0.51
(1,10)	1:376:A:TRP:HZ2	1:385:A:MET:HE1	2	0.51
(1,10)	1:376:A:TRP:HZ2	1:385:A:MET:HE2	2	0.51
(1,10)	1:376:A:TRP:HZ2	1:385:A:MET:HE3	2	0.51
(1,1434)	1:376:A:TRP:HZ2	1:380:A:LYS:HE2	5	0.5
(1,1434)	1:376:A:TRP:HZ2	1:380:A:LYS:HE3	5	0.5
(1,1325)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:H	3	0.5
(1,1325)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:H	3	0.5
(1,1325)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:H	3	0.5
(1,1325)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:H	3	0.5
(1,1325)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:H	3	0.5
(1,1325)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:H	3	0.5
(1,1218)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HG	7	0.5
(1,1117)	1:330:A:ARG:H	1:330:A:ARG:HG2	3	0.5
(1,1117)	1:330:A:ARG:H	1:330:A:ARG:HG3	3	0.5
(1,1070)	1:417:A:LYS:HE2	1:421:A:GLU:H	7	0.5
(1,1070)	1:417:A:LYS:HE3	1:421:A:GLU:H	7	0.5
(1,897)	1:353:A:PHE:H	1:367:A:VAL:HB	7	0.5
(1,883)	1:401:A:ASN:H	1:402:A:ILE:HD11	1	0.5
(1,883)	1:401:A:ASN:H	1:402:A:ILE:HD12	1	0.5
(1,883)	1:401:A:ASN:H	1:402:A:ILE:HD13	1	0.5
(1,883)	1:401:A:ASN:H	1:402:A:ILE:HD11	2	0.5
(1,883)	1:401:A:ASN:H	1:402:A:ILE:HD12	2	0.5
(1,883)	1:401:A:ASN:H	1:402:A:ILE:HD13	2	0.5
(1,872)	1:352:A:ASN:H	1:354:A:ILE:HG21	2	0.5
(1,872)	1:352:A:ASN:H	1:354:A:ILE:HG22	2	0.5
(1,872)	1:352:A:ASN:H	1:354:A:ILE:HG23	2	0.5
(1,848)	1:361:A:SER:H	1:363:A:ILE:HB	1	0.5
(1,820)	1:366:A:ILE:HG21	1:371:A:GLY:H	6	0.5
(1,820)	1:366:A:ILE:HG22	1:371:A:GLY:H	6	0.5
(1,820)	1:366:A:ILE:HG23	1:371:A:GLY:H	6	0.5
(1,813)	1:425:A:GLY:H	1:426:A:ARG:H	10	0.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,631)	1:365:A:ARG:HD3	1:367:A:VAL:H	7	0.5
(1,499)	1:369:A:PRO:HA	1:411:A:LEU:HD11	9	0.5
(1,499)	1:369:A:PRO:HA	1:411:A:LEU:HD12	9	0.5
(1,499)	1:369:A:PRO:HA	1:411:A:LEU:HD13	9	0.5
(1,359)	1:403:A:ILE:HG21	1:415:A:PHE:HE1	4	0.5
(1,359)	1:403:A:ILE:HG22	1:415:A:PHE:HE1	4	0.5
(1,359)	1:403:A:ILE:HG23	1:415:A:PHE:HE1	4	0.5
(1,339)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:HG21	1	0.5
(1,339)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:HG22	1	0.5
(1,339)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:HG23	1	0.5
(1,339)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:HG21	1	0.5
(1,339)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:HG22	1	0.5
(1,339)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:HG23	1	0.5
(1,339)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:HG21	4	0.5
(1,339)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:HG22	4	0.5
(1,339)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:HG23	4	0.5
(1,339)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:HG21	4	0.5
(1,339)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:HG22	4	0.5
(1,339)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:HG23	4	0.5
(1,339)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:HG21	7	0.5
(1,339)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:HG22	7	0.5
(1,339)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:HG23	7	0.5
(1,339)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:HG21	7	0.5
(1,339)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:HG22	7	0.5
(1,339)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:HG23	7	0.5
(1,192)	1:332:A:ALA:HA	1:333:A:ASP:HB2	2	0.5
(1,192)	1:332:A:ALA:HA	1:333:A:ASP:HB3	2	0.5
(1,173)	1:353:A:PHE:HA	1:368:A:ASP:HA	3	0.5
(1,146)	1:355:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HD2	6	0.5
(1,1508)	1:409:A:GLN:HB2	1:412:A:LEU:HG	7	0.49
(1,1508)	1:409:A:GLN:HB3	1:412:A:LEU:HG	7	0.49
(1,1390)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD11	6	0.49
(1,1390)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD12	6	0.49
(1,1390)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD13	6	0.49
(1,1390)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD21	6	0.49
(1,1390)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD22	6	0.49
(1,1390)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD23	6	0.49
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD11	9	0.49
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD12	9	0.49
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD13	9	0.49
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD21	9	0.49
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD22	9	0.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD23	9	0.49
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD11	1:390:A:MET:HE1	2	0.49
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD11	1:390:A:MET:HE2	2	0.49
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD11	1:390:A:MET:HE3	2	0.49
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD12	1:390:A:MET:HE1	2	0.49
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD12	1:390:A:MET:HE2	2	0.49
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD12	1:390:A:MET:HE3	2	0.49
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD13	1:390:A:MET:HE1	2	0.49
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD13	1:390:A:MET:HE2	2	0.49
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD13	1:390:A:MET:HE3	2	0.49
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD21	1:390:A:MET:HE1	2	0.49
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD21	1:390:A:MET:HE2	2	0.49
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD21	1:390:A:MET:HE3	2	0.49
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD22	1:390:A:MET:HE1	2	0.49
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD22	1:390:A:MET:HE2	2	0.49
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD22	1:390:A:MET:HE3	2	0.49
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD23	1:390:A:MET:HE1	2	0.49
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD23	1:390:A:MET:HE2	2	0.49
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD23	1:390:A:MET:HE3	2	0.49
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD11	2	0.49
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD12	2	0.49
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD13	2	0.49
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD21	2	0.49
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD22	2	0.49
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD23	2	0.49
(1,1265)	1:337:A:LEU:HD11	1:390:A:MET:HA	4	0.49
(1,1265)	1:337:A:LEU:HD12	1:390:A:MET:HA	4	0.49
(1,1265)	1:337:A:LEU:HD13	1:390:A:MET:HA	4	0.49
(1,1265)	1:337:A:LEU:HD21	1:390:A:MET:HA	4	0.49
(1,1265)	1:337:A:LEU:HD22	1:390:A:MET:HA	4	0.49
(1,1265)	1:337:A:LEU:HD23	1:390:A:MET:HA	4	0.49
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD11	1:338:A:TRP:HH2	6	0.49
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD12	1:338:A:TRP:HH2	6	0.49
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD13	1:338:A:TRP:HH2	6	0.49
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HH2	6	0.49
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HH2	6	0.49
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HH2	6	0.49
(1,973)	1:394:A:LEU:H	1:394:A:LEU:HG	1	0.49
(1,943)	1:400:A:LEU:H	1:400:A:LEU:HG	6	0.49
(1,937)	1:348:A:SER:HA	1:350:A:TYR:H	3	0.49
(1,842)	1:358:A:ASP:HA	1:361:A:SER:H	7	0.49
(1,829)	1:417:A:LYS:HG2	1:418:A:THR:H	7	0.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,829)	1:417:A:LYS:HG3	1:418:A:THR:H	7	0.49
(1,449)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:HA	7	0.49
(1,426)	1:410:A:ARG:HA	1:410:A:ARG:HD2	1	0.49
(1,426)	1:410:A:ARG:HA	1:410:A:ARG:HD3	1	0.49
(1,214)	1:373:A:ALA:HB1	1:385:A:MET:HA	1	0.49
(1,214)	1:373:A:ALA:HB2	1:385:A:MET:HA	1	0.49
(1,214)	1:373:A:ALA:HB3	1:385:A:MET:HA	1	0.49
(1,47)	1:418:A:THR:HG21	1:419:A:PRO:HB3	2	0.49
(1,47)	1:418:A:THR:HG22	1:419:A:PRO:HB3	2	0.49
(1,47)	1:418:A:THR:HG23	1:419:A:PRO:HB3	2	0.49
(1,20)	1:345:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG21	3	0.49
(1,20)	1:345:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG22	3	0.49
(1,20)	1:345:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG23	3	0.49
(1,20)	1:345:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG21	5	0.49
(1,20)	1:345:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG22	5	0.49
(1,20)	1:345:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG23	5	0.49
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HG2	6	0.48
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HG3	6	0.48
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HG2	6	0.48
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HG3	6	0.48
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HG2	6	0.48
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HG3	6	0.48
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HG2	6	0.48
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HG3	6	0.48
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HG2	6	0.48
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HG3	6	0.48
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HG2	6	0.48
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HG3	6	0.48
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HB2	7	0.48
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HB3	7	0.48
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HB2	7	0.48
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HB3	7	0.48
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HB2	7	0.48
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HB3	7	0.48
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HB2	7	0.48
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HB3	7	0.48
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HB2	7	0.48
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HB3	7	0.48
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HB2	7	0.48
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HB3	7	0.48
(1,1321)	1:345:A:LEU:HD11	1:354:A:ILE:HA	10	0.48
(1,1321)	1:345:A:LEU:HD12	1:354:A:ILE:HA	10	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1321)	1:345:A:LEU:HD13	1:354:A:ILE:HA	10	0.48
(1,1321)	1:345:A:LEU:HD21	1:354:A:ILE:HA	10	0.48
(1,1321)	1:345:A:LEU:HD22	1:354:A:ILE:HA	10	0.48
(1,1321)	1:345:A:LEU:HD23	1:354:A:ILE:HA	10	0.48
(1,1305)	1:344:A:LEU:HD11	1:347:A:ASP:HB2	9	0.48
(1,1305)	1:344:A:LEU:HD12	1:347:A:ASP:HB2	9	0.48
(1,1305)	1:344:A:LEU:HD13	1:347:A:ASP:HB2	9	0.48
(1,1305)	1:344:A:LEU:HD21	1:347:A:ASP:HB2	9	0.48
(1,1305)	1:344:A:LEU:HD22	1:347:A:ASP:HB2	9	0.48
(1,1305)	1:344:A:LEU:HD23	1:347:A:ASP:HB2	9	0.48
(1,1186)	1:356:A:TRP:HD1	1:359:A:LYS:HE2	7	0.48
(1,1186)	1:356:A:TRP:HD1	1:359:A:LYS:HE3	7	0.48
(1,1109)	1:354:A:ILE:H	1:355:A:ARG:HE	10	0.48
(1,1104)	1:354:A:ILE:H	1:366:A:ILE:HA	9	0.48
(1,1038)	1:358:A:ASP:HA	1:360:A:GLU:H	4	0.48
(1,973)	1:394:A:LEU:H	1:394:A:LEU:HG	9	0.48
(1,897)	1:353:A:PHE:H	1:367:A:VAL:HB	4	0.48
(1,883)	1:401:A:ASN:H	1:402:A:ILE:HD11	8	0.48
(1,883)	1:401:A:ASN:H	1:402:A:ILE:HD12	8	0.48
(1,883)	1:401:A:ASN:H	1:402:A:ILE:HD13	8	0.48
(1,842)	1:358:A:ASP:HA	1:361:A:SER:H	6	0.48
(1,702)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:H	1	0.48
(1,666)	1:366:A:ILE:H	1:413:A:PHE:HZ	9	0.48
(1,569)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG11	2	0.48
(1,569)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG12	2	0.48
(1,569)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG13	2	0.48
(1,503)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD21	10	0.48
(1,503)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD22	10	0.48
(1,503)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD23	10	0.48
(1,449)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:HA	4	0.48
(1,410)	1:353:A:PHE:HA	1:367:A:VAL:HA	3	0.48
(1,380)	1:363:A:ILE:HG21	1:364:A:PHE:HD1	9	0.48
(1,380)	1:363:A:ILE:HG22	1:364:A:PHE:HD1	9	0.48
(1,380)	1:363:A:ILE:HG23	1:364:A:PHE:HD1	9	0.48
(1,339)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:HG21	2	0.48
(1,339)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:HG22	2	0.48
(1,339)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:HG23	2	0.48
(1,339)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:HG21	2	0.48
(1,339)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:HG22	2	0.48
(1,339)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:HG23	2	0.48
(1,204)	1:355:A:ARG:HA	1:367:A:VAL:HG21	10	0.48
(1,204)	1:355:A:ARG:HA	1:367:A:VAL:HG22	10	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,204)	1:355:A:ARG:HA	1:367:A:VAL:HG23	10	0.48
(1,37)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HE1	8	0.48
(1,37)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HE2	8	0.48
(1,37)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HE3	8	0.48
(1,34)	1:372:A:LEU:H	1:390:A:MET:HE1	4	0.48
(1,34)	1:372:A:LEU:H	1:390:A:MET:HE2	4	0.48
(1,34)	1:372:A:LEU:H	1:390:A:MET:HE3	4	0.48
(1,1469)	1:394:A:LEU:HD11	1:397:A:TYR:HD2	4	0.47
(1,1469)	1:394:A:LEU:HD12	1:397:A:TYR:HD2	4	0.47
(1,1469)	1:394:A:LEU:HD13	1:397:A:TYR:HD2	4	0.47
(1,1469)	1:394:A:LEU:HD21	1:397:A:TYR:HD2	4	0.47
(1,1469)	1:394:A:LEU:HD22	1:397:A:TYR:HD2	4	0.47
(1,1469)	1:394:A:LEU:HD23	1:397:A:TYR:HD2	4	0.47
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD11	2	0.47
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD12	2	0.47
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD13	2	0.47
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD21	2	0.47
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD22	2	0.47
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD23	2	0.47
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD11	2	0.47
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD12	2	0.47
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD13	2	0.47
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD21	2	0.47
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD22	2	0.47
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD23	2	0.47
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD11	2	0.47
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD12	2	0.47
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD13	2	0.47
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD21	2	0.47
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD22	2	0.47
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD23	2	0.47
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD11	7	0.47
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD12	7	0.47
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD13	7	0.47
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD21	7	0.47
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD22	7	0.47
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD23	7	0.47
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HD2	3	0.47
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HD3	3	0.47
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HD2	3	0.47
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HD3	3	0.47
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HD2	3	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HD3	3	0.47
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HD2	3	0.47
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HD3	3	0.47
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HD2	3	0.47
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HD3	3	0.47
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HD2	3	0.47
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HD3	3	0.47
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HB2	9	0.47
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HB3	9	0.47
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HB2	9	0.47
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HB3	9	0.47
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HB2	9	0.47
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HB3	9	0.47
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HB2	9	0.47
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HB3	9	0.47
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HB2	9	0.47
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HB3	9	0.47
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HB2	9	0.47
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HB3	9	0.47
(1,1038)	1:358:A:ASP:HA	1:360:A:GLU:H	10	0.47
(1,1009)	1:412:A:LEU:H	1:413:A:PHE:HZ	8	0.47
(1,921)	1:397:A:TYR:H	1:402:A:ILE:HD11	7	0.47
(1,921)	1:397:A:TYR:H	1:402:A:ILE:HD12	7	0.47
(1,921)	1:397:A:TYR:H	1:402:A:ILE:HD13	7	0.47
(1,897)	1:353:A:PHE:H	1:367:A:VAL:HB	8	0.47
(1,804)	1:355:A:ARG:HB2	1:365:A:ARG:H	7	0.47
(1,804)	1:355:A:ARG:HB3	1:365:A:ARG:H	7	0.47
(1,689)	1:426:A:ARG:H	1:426:A:ARG:HD2	7	0.47
(1,689)	1:426:A:ARG:H	1:426:A:ARG:HD3	7	0.47
(1,640)	1:406:A:GLU:H	1:413:A:PHE:HA	7	0.47
(1,587)	1:353:A:PHE:HB3	1:369:A:PRO:HA	8	0.47
(1,534)	1:345:A:LEU:HD11	1:364:A:PHE:HD2	4	0.47
(1,534)	1:345:A:LEU:HD12	1:364:A:PHE:HD2	4	0.47
(1,534)	1:345:A:LEU:HD13	1:364:A:PHE:HD2	4	0.47
(1,410)	1:353:A:PHE:HA	1:367:A:VAL:HA	4	0.47
(1,393)	1:366:A:ILE:HG21	1:372:A:LEU:H	5	0.47
(1,393)	1:366:A:ILE:HG22	1:372:A:LEU:H	5	0.47
(1,393)	1:366:A:ILE:HG23	1:372:A:LEU:H	5	0.47
(1,365)	1:364:A:PHE:HE1	1:403:A:ILE:HG21	7	0.47
(1,365)	1:364:A:PHE:HE1	1:403:A:ILE:HG22	7	0.47
(1,365)	1:364:A:PHE:HE1	1:403:A:ILE:HG23	7	0.47
(1,344)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG21	5	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,344)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG22	5	0.47
(1,344)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG23	5	0.47
(1,330)	1:358:A:ASP:HA	1:361:A:SER:HB2	8	0.47
(1,248)	1:376:A:TRP:HD1	1:390:A:MET:HA	1	0.47
(1,215)	1:380:A:LYS:HA	1:380:A:LYS:HD2	4	0.47
(1,215)	1:380:A:LYS:HA	1:380:A:LYS:HD3	4	0.47
(1,172)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE1	3	0.47
(1,172)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE2	3	0.47
(1,172)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE3	3	0.47
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD11	7	0.46
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD12	7	0.46
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD13	7	0.46
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD21	7	0.46
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD22	7	0.46
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD23	7	0.46
(1,1370)	1:354:A:ILE:H	1:375:A:LEU:HD11	5	0.46
(1,1370)	1:354:A:ILE:H	1:375:A:LEU:HD12	5	0.46
(1,1370)	1:354:A:ILE:H	1:375:A:LEU:HD13	5	0.46
(1,1370)	1:354:A:ILE:H	1:375:A:LEU:HD21	5	0.46
(1,1370)	1:354:A:ILE:H	1:375:A:LEU:HD22	5	0.46
(1,1370)	1:354:A:ILE:H	1:375:A:LEU:HD23	5	0.46
(1,1366)	1:353:A:PHE:HB3	1:375:A:LEU:HD11	5	0.46
(1,1366)	1:353:A:PHE:HB3	1:375:A:LEU:HD12	5	0.46
(1,1366)	1:353:A:PHE:HB3	1:375:A:LEU:HD13	5	0.46
(1,1366)	1:353:A:PHE:HB3	1:375:A:LEU:HD21	5	0.46
(1,1366)	1:353:A:PHE:HB3	1:375:A:LEU:HD22	5	0.46
(1,1366)	1:353:A:PHE:HB3	1:375:A:LEU:HD23	5	0.46
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD11	1:354:A:ILE:HD11	4	0.46
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD11	1:354:A:ILE:HD12	4	0.46
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD11	1:354:A:ILE:HD13	4	0.46
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD12	1:354:A:ILE:HD11	4	0.46
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD12	1:354:A:ILE:HD12	4	0.46
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD12	1:354:A:ILE:HD13	4	0.46
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD13	1:354:A:ILE:HD11	4	0.46
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD13	1:354:A:ILE:HD12	4	0.46
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD13	1:354:A:ILE:HD13	4	0.46
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD21	1:354:A:ILE:HD11	4	0.46
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD21	1:354:A:ILE:HD12	4	0.46
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD21	1:354:A:ILE:HD13	4	0.46
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD22	1:354:A:ILE:HD11	4	0.46
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD22	1:354:A:ILE:HD12	4	0.46
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD22	1:354:A:ILE:HD13	4	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD23	1:354:A:ILE:HD11	4	0.46
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD23	1:354:A:ILE:HD12	4	0.46
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD23	1:354:A:ILE:HD13	4	0.46
(1,1174)	1:394:A:LEU:HG	1:397:A:TYR:HD2	10	0.46
(1,1098)	1:395:A:ARG:H	1:395:A:ARG:HD2	8	0.46
(1,1098)	1:395:A:ARG:H	1:395:A:ARG:HD3	8	0.46
(1,908)	1:366:A:ILE:HA	1:368:A:ASP:H	9	0.46
(1,904)	1:366:A:ILE:H	1:368:A:ASP:H	3	0.46
(1,883)	1:401:A:ASN:H	1:402:A:ILE:HD11	6	0.46
(1,883)	1:401:A:ASN:H	1:402:A:ILE:HD12	6	0.46
(1,883)	1:401:A:ASN:H	1:402:A:ILE:HD13	6	0.46
(1,846)	1:361:A:SER:H	1:363:A:ILE:HD11	6	0.46
(1,846)	1:361:A:SER:H	1:363:A:ILE:HD12	6	0.46
(1,846)	1:361:A:SER:H	1:363:A:ILE:HD13	6	0.46
(1,842)	1:358:A:ASP:HA	1:361:A:SER:H	8	0.46
(1,755)	1:355:A:ARG:HG2	1:356:A:TRP:H	5	0.46
(1,755)	1:355:A:ARG:HG3	1:356:A:TRP:H	5	0.46
(1,673)	1:365:A:ARG:HD2	1:366:A:ILE:H	7	0.46
(1,673)	1:365:A:ARG:HD2	1:366:A:ILE:H	9	0.46
(1,645)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HB3	8	0.46
(1,631)	1:365:A:ARG:HD3	1:367:A:VAL:H	3	0.46
(1,569)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG11	7	0.46
(1,569)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG12	7	0.46
(1,569)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG13	7	0.46
(1,425)	1:339:A:ASP:HA	1:342:A:TYR:HB2	8	0.46
(1,393)	1:366:A:ILE:HG21	1:372:A:LEU:H	4	0.46
(1,393)	1:366:A:ILE:HG22	1:372:A:LEU:H	4	0.46
(1,393)	1:366:A:ILE:HG23	1:372:A:LEU:H	4	0.46
(1,380)	1:363:A:ILE:HG21	1:364:A:PHE:HD1	2	0.46
(1,380)	1:363:A:ILE:HG22	1:364:A:PHE:HD1	2	0.46
(1,380)	1:363:A:ILE:HG23	1:364:A:PHE:HD1	2	0.46
(1,248)	1:376:A:TRP:HD1	1:390:A:MET:HA	6	0.46
(1,94)	1:366:A:ILE:HB	1:413:A:PHE:HZ	6	0.46
(1,1502)	1:406:A:GLU:HG2	1:414:A:ARG:H	10	0.45
(1,1502)	1:406:A:GLU:HG3	1:414:A:ARG:H	10	0.45
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD11	1:338:A:TRP:HD1	5	0.45
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD12	1:338:A:TRP:HD1	5	0.45
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD13	1:338:A:TRP:HD1	5	0.45
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HD1	5	0.45
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HD1	5	0.45
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HD1	5	0.45
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD21	6	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD22	6	0.45
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD23	6	0.45
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD11	6	0.45
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD12	6	0.45
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD13	6	0.45
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD21	9	0.45
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD22	9	0.45
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD23	9	0.45
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD11	9	0.45
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD12	9	0.45
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD13	9	0.45
(1,1174)	1:394:A:LEU:HG	1:397:A:TYR:HD2	7	0.45
(1,1113)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HB	3	0.45
(1,1035)	1:358:A:ASP:HB2	1:360:A:GLU:H	1	0.45
(1,1035)	1:358:A:ASP:HB3	1:360:A:GLU:H	1	0.45
(1,1034)	1:356:A:TRP:HB3	1:360:A:GLU:H	4	0.45
(1,946)	1:358:A:ASP:H	1:363:A:ILE:HG21	8	0.45
(1,946)	1:358:A:ASP:H	1:363:A:ILE:HG22	8	0.45
(1,946)	1:358:A:ASP:H	1:363:A:ILE:HG23	8	0.45
(1,842)	1:358:A:ASP:HA	1:361:A:SER:H	10	0.45
(1,820)	1:366:A:ILE:HG21	1:371:A:GLY:H	5	0.45
(1,820)	1:366:A:ILE:HG22	1:371:A:GLY:H	5	0.45
(1,820)	1:366:A:ILE:HG23	1:371:A:GLY:H	5	0.45
(1,380)	1:363:A:ILE:HG21	1:364:A:PHE:HD1	8	0.45
(1,380)	1:363:A:ILE:HG22	1:364:A:PHE:HD1	8	0.45
(1,380)	1:363:A:ILE:HG23	1:364:A:PHE:HD1	8	0.45
(1,339)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:HG21	10	0.45
(1,339)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:HG22	10	0.45
(1,339)	1:355:A:ARG:HB2	1:367:A:VAL:HG23	10	0.45
(1,339)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:HG21	10	0.45
(1,339)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:HG22	10	0.45
(1,339)	1:355:A:ARG:HB3	1:367:A:VAL:HG23	10	0.45
(1,330)	1:358:A:ASP:HA	1:361:A:SER:HB2	5	0.45
(1,215)	1:380:A:LYS:HA	1:380:A:LYS:HD2	2	0.45
(1,215)	1:380:A:LYS:HA	1:380:A:LYS:HD3	2	0.45
(1,173)	1:353:A:PHE:HA	1:368:A:ASP:HA	1	0.45
(1,152)	1:354:A:ILE:H	1:355:A:ARG:HD2	5	0.45
(1,152)	1:354:A:ILE:H	1:355:A:ARG:HD3	5	0.45
(1,46)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:HG21	9	0.45
(1,46)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:HG22	9	0.45
(1,46)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:HG23	9	0.45
(1,1218)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HG	9	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD21	2	0.44
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD22	2	0.44
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD23	2	0.44
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD11	2	0.44
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD12	2	0.44
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD13	2	0.44
(1,1114)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG21	7	0.44
(1,1114)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG22	7	0.44
(1,1114)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG23	7	0.44
(1,1113)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HB	10	0.44
(1,1038)	1:358:A:ASP:HA	1:360:A:GLU:H	9	0.44
(1,908)	1:366:A:ILE:HA	1:368:A:ASP:H	7	0.44
(1,860)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:H	7	0.44
(1,844)	1:359:A:LYS:HA	1:361:A:SER:H	8	0.44
(1,842)	1:358:A:ASP:HA	1:361:A:SER:H	1	0.44
(1,820)	1:366:A:ILE:HG21	1:371:A:GLY:H	9	0.44
(1,820)	1:366:A:ILE:HG22	1:371:A:GLY:H	9	0.44
(1,820)	1:366:A:ILE:HG23	1:371:A:GLY:H	9	0.44
(1,701)	1:363:A:ILE:HD11	1:415:A:PHE:H	6	0.44
(1,701)	1:363:A:ILE:HD12	1:415:A:PHE:H	6	0.44
(1,701)	1:363:A:ILE:HD13	1:415:A:PHE:H	6	0.44
(1,567)	1:386:A:THR:HG21	1:387:A:TYR:HB3	9	0.44
(1,567)	1:386:A:THR:HG22	1:387:A:TYR:HB3	9	0.44
(1,567)	1:386:A:THR:HG23	1:387:A:TYR:HB3	9	0.44
(1,563)	1:386:A:THR:HG21	1:389:A:LYS:H	6	0.44
(1,563)	1:386:A:THR:HG22	1:389:A:LYS:H	6	0.44
(1,563)	1:386:A:THR:HG23	1:389:A:LYS:H	6	0.44
(1,385)	1:358:A:ASP:HA	1:363:A:ILE:HG21	4	0.44
(1,385)	1:358:A:ASP:HA	1:363:A:ILE:HG22	4	0.44
(1,385)	1:358:A:ASP:HA	1:363:A:ILE:HG23	4	0.44
(1,248)	1:376:A:TRP:HD1	1:390:A:MET:HA	10	0.44
(1,215)	1:380:A:LYS:HA	1:380:A:LYS:HD2	10	0.44
(1,215)	1:380:A:LYS:HA	1:380:A:LYS:HD3	10	0.44
(1,197)	1:363:A:ILE:HD11	1:414:A:ARG:HA	4	0.44
(1,197)	1:363:A:ILE:HD12	1:414:A:ARG:HA	4	0.44
(1,197)	1:363:A:ILE:HD13	1:414:A:ARG:HA	4	0.44
(1,197)	1:363:A:ILE:HD11	1:414:A:ARG:HA	10	0.44
(1,197)	1:363:A:ILE:HD12	1:414:A:ARG:HA	10	0.44
(1,197)	1:363:A:ILE:HD13	1:414:A:ARG:HA	10	0.44
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD11	7	0.43
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD12	7	0.43
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD13	7	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD21	7	0.43
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD22	7	0.43
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD23	7	0.43
(1,1331)	1:345:A:LEU:HD11	1:356:A:TRP:H	8	0.43
(1,1331)	1:345:A:LEU:HD12	1:356:A:TRP:H	8	0.43
(1,1331)	1:345:A:LEU:HD13	1:356:A:TRP:H	8	0.43
(1,1331)	1:345:A:LEU:HD21	1:356:A:TRP:H	8	0.43
(1,1331)	1:345:A:LEU:HD22	1:356:A:TRP:H	8	0.43
(1,1331)	1:345:A:LEU:HD23	1:356:A:TRP:H	8	0.43
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD11	1:341:A:VAL:HA	6	0.43
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD12	1:341:A:VAL:HA	6	0.43
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD13	1:341:A:VAL:HA	6	0.43
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD21	1:341:A:VAL:HA	6	0.43
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD22	1:341:A:VAL:HA	6	0.43
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD23	1:341:A:VAL:HA	6	0.43
(1,1175)	1:397:A:TYR:HD1	1:402:A:ILE:HB	2	0.43
(1,1168)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG21	2	0.43
(1,1168)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG22	2	0.43
(1,1168)	1:398:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG23	2	0.43
(1,1104)	1:354:A:ILE:H	1:366:A:ILE:HA	4	0.43
(1,897)	1:353:A:PHE:H	1:367:A:VAL:HB	2	0.43
(1,869)	1:391:A:SER:H	1:394:A:LEU:HG	1	0.43
(1,842)	1:358:A:ASP:HA	1:361:A:SER:H	4	0.43
(1,832)	1:418:A:THR:H	1:422:A:ILE:H	8	0.43
(1,764)	1:364:A:PHE:HE1	1:413:A:PHE:H	4	0.43
(1,645)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HB3	7	0.43
(1,518)	1:402:A:ILE:HG21	1:417:A:LYS:HG2	8	0.43
(1,518)	1:402:A:ILE:HG21	1:417:A:LYS:HG3	8	0.43
(1,518)	1:402:A:ILE:HG22	1:417:A:LYS:HG2	8	0.43
(1,518)	1:402:A:ILE:HG22	1:417:A:LYS:HG3	8	0.43
(1,518)	1:402:A:ILE:HG23	1:417:A:LYS:HG2	8	0.43
(1,518)	1:402:A:ILE:HG23	1:417:A:LYS:HG3	8	0.43
(1,517)	1:355:A:ARG:HG2	1:367:A:VAL:HG21	2	0.43
(1,517)	1:355:A:ARG:HG2	1:367:A:VAL:HG22	2	0.43
(1,517)	1:355:A:ARG:HG2	1:367:A:VAL:HG23	2	0.43
(1,517)	1:355:A:ARG:HG3	1:367:A:VAL:HG21	2	0.43
(1,517)	1:355:A:ARG:HG3	1:367:A:VAL:HG22	2	0.43
(1,517)	1:355:A:ARG:HG3	1:367:A:VAL:HG23	2	0.43
(1,344)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG21	10	0.43
(1,344)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG22	10	0.43
(1,344)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG23	10	0.43
(1,327)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD11	2	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,327)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD12	2	0.43
(1,327)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD13	2	0.43
(1,220)	1:356:A:TRP:HB2	1:359:A:LYS:HD2	8	0.43
(1,220)	1:356:A:TRP:HB2	1:359:A:LYS:HD3	8	0.43
(1,215)	1:380:A:LYS:HA	1:380:A:LYS:HD2	1	0.43
(1,215)	1:380:A:LYS:HA	1:380:A:LYS:HD3	1	0.43
(1,215)	1:380:A:LYS:HA	1:380:A:LYS:HD2	8	0.43
(1,215)	1:380:A:LYS:HA	1:380:A:LYS:HD3	8	0.43
(1,172)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE1	9	0.43
(1,172)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE2	9	0.43
(1,172)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE3	9	0.43
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD11	1:390:A:MET:HE1	1	0.42
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD11	1:390:A:MET:HE2	1	0.42
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD11	1:390:A:MET:HE3	1	0.42
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD12	1:390:A:MET:HE1	1	0.42
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD12	1:390:A:MET:HE2	1	0.42
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD12	1:390:A:MET:HE3	1	0.42
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD13	1:390:A:MET:HE1	1	0.42
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD13	1:390:A:MET:HE2	1	0.42
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD13	1:390:A:MET:HE3	1	0.42
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD21	1:390:A:MET:HE1	1	0.42
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD21	1:390:A:MET:HE2	1	0.42
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD21	1:390:A:MET:HE3	1	0.42
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD22	1:390:A:MET:HE1	1	0.42
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD22	1:390:A:MET:HE2	1	0.42
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD22	1:390:A:MET:HE3	1	0.42
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD23	1:390:A:MET:HE1	1	0.42
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD23	1:390:A:MET:HE2	1	0.42
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD23	1:390:A:MET:HE3	1	0.42
(1,1379)	1:362:A:LYS:H	1:362:A:LYS:HE2	3	0.42
(1,1379)	1:362:A:LYS:H	1:362:A:LYS:HE3	3	0.42
(1,1370)	1:354:A:ILE:H	1:375:A:LEU:HD11	4	0.42
(1,1370)	1:354:A:ILE:H	1:375:A:LEU:HD12	4	0.42
(1,1370)	1:354:A:ILE:H	1:375:A:LEU:HD13	4	0.42
(1,1370)	1:354:A:ILE:H	1:375:A:LEU:HD21	4	0.42
(1,1370)	1:354:A:ILE:H	1:375:A:LEU:HD22	4	0.42
(1,1370)	1:354:A:ILE:H	1:375:A:LEU:HD23	4	0.42
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD11	6	0.42
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD12	6	0.42
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD13	6	0.42
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD21	6	0.42
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD22	6	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD23	6	0.42
(1,1268)	1:337:A:LEU:HD11	1:393:A:ALA:HA	2	0.42
(1,1268)	1:337:A:LEU:HD12	1:393:A:ALA:HA	2	0.42
(1,1268)	1:337:A:LEU:HD13	1:393:A:ALA:HA	2	0.42
(1,1268)	1:337:A:LEU:HD21	1:393:A:ALA:HA	2	0.42
(1,1268)	1:337:A:LEU:HD22	1:393:A:ALA:HA	2	0.42
(1,1268)	1:337:A:LEU:HD23	1:393:A:ALA:HA	2	0.42
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD11	1:338:A:TRP:HZ2	10	0.42
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD12	1:338:A:TRP:HZ2	10	0.42
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD13	1:338:A:TRP:HZ2	10	0.42
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HZ2	10	0.42
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HZ2	10	0.42
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HZ2	10	0.42
(1,1204)	1:398:A:TYR:HE1	1:404:A:ARG:HA	1	0.42
(1,1130)	1:340:A:TYR:H	1:340:A:TYR:HD2	6	0.42
(1,992)	1:359:A:LYS:HA	1:363:A:ILE:H	9	0.42
(1,973)	1:394:A:LEU:H	1:394:A:LEU:HG	5	0.42
(1,860)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:H	5	0.42
(1,829)	1:417:A:LYS:HG2	1:418:A:THR:H	9	0.42
(1,829)	1:417:A:LYS:HG3	1:418:A:THR:H	9	0.42
(1,764)	1:364:A:PHE:HE1	1:413:A:PHE:H	10	0.42
(1,755)	1:355:A:ARG:HG2	1:356:A:TRP:H	3	0.42
(1,755)	1:355:A:ARG:HG3	1:356:A:TRP:H	3	0.42
(1,626)	1:355:A:ARG:H	1:367:A:VAL:H	9	0.42
(1,597)	1:356:A:TRP:HE1	1:359:A:LYS:HE2	9	0.42
(1,597)	1:356:A:TRP:HE1	1:359:A:LYS:HE3	9	0.42
(1,542)	1:369:A:PRO:HA	1:411:A:LEU:HD21	7	0.42
(1,542)	1:369:A:PRO:HA	1:411:A:LEU:HD22	7	0.42
(1,542)	1:369:A:PRO:HA	1:411:A:LEU:HD23	7	0.42
(1,449)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:HA	3	0.42
(1,426)	1:410:A:ARG:HA	1:410:A:ARG:HD2	5	0.42
(1,426)	1:410:A:ARG:HA	1:410:A:ARG:HD3	5	0.42
(1,421)	1:405:A:LYS:HA	1:413:A:PHE:HB3	1	0.42
(1,384)	1:363:A:ILE:HG21	1:412:A:LEU:HA	10	0.42
(1,384)	1:363:A:ILE:HG22	1:412:A:LEU:HA	10	0.42
(1,384)	1:363:A:ILE:HG23	1:412:A:LEU:HA	10	0.42
(1,380)	1:363:A:ILE:HG21	1:364:A:PHE:HD1	3	0.42
(1,380)	1:363:A:ILE:HG22	1:364:A:PHE:HD1	3	0.42
(1,380)	1:363:A:ILE:HG23	1:364:A:PHE:HD1	3	0.42
(1,378)	1:337:A:LEU:HG	1:393:A:ALA:HB1	2	0.42
(1,378)	1:337:A:LEU:HG	1:393:A:ALA:HB2	2	0.42
(1,378)	1:337:A:LEU:HG	1:393:A:ALA:HB3	2	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,377)	1:373:A:ALA:HB1	1:385:A:MET:HB3	9	0.42
(1,377)	1:373:A:ALA:HB2	1:385:A:MET:HB3	9	0.42
(1,377)	1:373:A:ALA:HB3	1:385:A:MET:HB3	9	0.42
(1,377)	1:373:A:ALA:HB1	1:385:A:MET:HB2	9	0.42
(1,377)	1:373:A:ALA:HB2	1:385:A:MET:HB2	9	0.42
(1,377)	1:373:A:ALA:HB3	1:385:A:MET:HB2	9	0.42
(1,330)	1:358:A:ASP:HA	1:361:A:SER:HB2	9	0.42
(1,182)	1:383:A:THR:HB	1:384:A:ASN:HA	3	0.42
(1,161)	1:409:A:GLN:HG2	1:412:A:LEU:HB3	5	0.42
(1,161)	1:409:A:GLN:HG3	1:412:A:LEU:HB3	5	0.42
(1,151)	1:365:A:ARG:HD3	1:366:A:ILE:H	6	0.42
(1,88)	1:370:A:ASN:HA	1:387:A:TYR:HB3	4	0.42
(1,84)	1:358:A:ASP:HA	1:360:A:GLU:HG2	2	0.42
(1,84)	1:358:A:ASP:HA	1:360:A:GLU:HG3	2	0.42
(1,53)	1:386:A:THR:HG21	1:389:A:LYS:HB2	6	0.42
(1,53)	1:386:A:THR:HG21	1:389:A:LYS:HB3	6	0.42
(1,53)	1:386:A:THR:HG22	1:389:A:LYS:HB2	6	0.42
(1,53)	1:386:A:THR:HG22	1:389:A:LYS:HB3	6	0.42
(1,53)	1:386:A:THR:HG23	1:389:A:LYS:HB2	6	0.42
(1,53)	1:386:A:THR:HG23	1:389:A:LYS:HB3	6	0.42
(1,47)	1:418:A:THR:HG21	1:419:A:PRO:HB3	9	0.42
(1,47)	1:418:A:THR:HG22	1:419:A:PRO:HB3	9	0.42
(1,47)	1:418:A:THR:HG23	1:419:A:PRO:HB3	9	0.42
(1,19)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG21	4	0.42
(1,19)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG22	4	0.42
(1,19)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG23	4	0.42
(1,1494)	1:405:A:LYS:HG2	1:413:A:PHE:HE2	5	0.41
(1,1494)	1:405:A:LYS:HG3	1:413:A:PHE:HE2	5	0.41
(1,1395)	1:369:A:PRO:HB3	1:411:A:LEU:HD11	4	0.41
(1,1395)	1:369:A:PRO:HB3	1:411:A:LEU:HD12	4	0.41
(1,1395)	1:369:A:PRO:HB3	1:411:A:LEU:HD13	4	0.41
(1,1395)	1:369:A:PRO:HB3	1:411:A:LEU:HD21	4	0.41
(1,1395)	1:369:A:PRO:HB3	1:411:A:LEU:HD22	4	0.41
(1,1395)	1:369:A:PRO:HB3	1:411:A:LEU:HD23	4	0.41
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD11	1:338:A:TRP:HD1	2	0.41
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD12	1:338:A:TRP:HD1	2	0.41
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD13	1:338:A:TRP:HD1	2	0.41
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HD1	2	0.41
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HD1	2	0.41
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HD1	2	0.41
(1,1209)	1:398:A:TYR:HE1	1:405:A:LYS:HB2	7	0.41
(1,1209)	1:398:A:TYR:HE1	1:405:A:LYS:HB3	7	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1145)	1:343:A:GLN:HA	1:343:A:GLN:HE22	3	0.41
(1,1057)	1:373:A:ALA:H	1:376:A:TRP:HB2	8	0.41
(1,1057)	1:373:A:ALA:H	1:376:A:TRP:HB3	8	0.41
(1,948)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD11	2	0.41
(1,948)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD12	2	0.41
(1,948)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD13	2	0.41
(1,936)	1:358:A:ASP:H	1:364:A:PHE:HA	7	0.41
(1,846)	1:361:A:SER:H	1:363:A:ILE:HD11	5	0.41
(1,846)	1:361:A:SER:H	1:363:A:ILE:HD12	5	0.41
(1,846)	1:361:A:SER:H	1:363:A:ILE:HD13	5	0.41
(1,842)	1:358:A:ASP:HA	1:361:A:SER:H	3	0.41
(1,721)	1:347:A:ASP:HB3	1:349:A:ARG:H	2	0.41
(1,715)	1:349:A:ARG:H	1:351:A:GLU:H	8	0.41
(1,546)	1:336:A:LEU:HD11	1:338:A:TRP:HH2	10	0.41
(1,546)	1:336:A:LEU:HD12	1:338:A:TRP:HH2	10	0.41
(1,546)	1:336:A:LEU:HD13	1:338:A:TRP:HH2	10	0.41
(1,517)	1:355:A:ARG:HG2	1:367:A:VAL:HG21	10	0.41
(1,517)	1:355:A:ARG:HG2	1:367:A:VAL:HG22	10	0.41
(1,517)	1:355:A:ARG:HG2	1:367:A:VAL:HG23	10	0.41
(1,517)	1:355:A:ARG:HG3	1:367:A:VAL:HG21	10	0.41
(1,517)	1:355:A:ARG:HG3	1:367:A:VAL:HG22	10	0.41
(1,517)	1:355:A:ARG:HG3	1:367:A:VAL:HG23	10	0.41
(1,344)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG21	8	0.41
(1,344)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG22	8	0.41
(1,344)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG23	8	0.41
(1,326)	1:341:A:VAL:HA	1:354:A:ILE:HD11	10	0.41
(1,326)	1:341:A:VAL:HA	1:354:A:ILE:HD12	10	0.41
(1,326)	1:341:A:VAL:HA	1:354:A:ILE:HD13	10	0.41
(1,173)	1:353:A:PHE:HA	1:368:A:ASP:HA	9	0.41
(1,157)	1:363:A:ILE:HD11	1:414:A:ARG:HD2	5	0.41
(1,157)	1:363:A:ILE:HD12	1:414:A:ARG:HD2	5	0.41
(1,157)	1:363:A:ILE:HD13	1:414:A:ARG:HD2	5	0.41
(1,61)	1:343:A:GLN:H	1:343:A:GLN:HG2	6	0.41
(1,61)	1:343:A:GLN:H	1:343:A:GLN:HG3	6	0.41
(1,48)	1:385:A:MET:HB2	1:386:A:THR:HA	10	0.41
(1,19)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG21	9	0.41
(1,19)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG22	9	0.41
(1,19)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG23	9	0.41
(1,8)	1:377:A:GLY:H	1:385:A:MET:HE1	3	0.41
(1,8)	1:377:A:GLY:H	1:385:A:MET:HE2	3	0.41
(1,8)	1:377:A:GLY:H	1:385:A:MET:HE3	3	0.41
(1,1280)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD11	1	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1280)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD12	1	0.4
(1,1280)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD13	1	0.4
(1,1280)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD21	1	0.4
(1,1280)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD22	1	0.4
(1,1280)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD23	1	0.4
(1,1214)	1:340:A:TYR:HB2	1:340:A:TYR:HE2	2	0.4
(1,1191)	1:336:A:LEU:HB2	1:338:A:TRP:HD1	2	0.4
(1,1191)	1:336:A:LEU:HB3	1:338:A:TRP:HD1	2	0.4
(1,992)	1:359:A:LYS:HA	1:363:A:ILE:H	3	0.4
(1,982)	1:394:A:LEU:H	1:396:A:HIS:HB2	6	0.4
(1,982)	1:394:A:LEU:H	1:396:A:HIS:HB3	6	0.4
(1,929)	1:358:A:ASP:H	1:364:A:PHE:H	7	0.4
(1,860)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:H	2	0.4
(1,846)	1:361:A:SER:H	1:363:A:ILE:HD11	8	0.4
(1,846)	1:361:A:SER:H	1:363:A:ILE:HD12	8	0.4
(1,846)	1:361:A:SER:H	1:363:A:ILE:HD13	8	0.4
(1,832)	1:418:A:THR:H	1:422:A:ILE:H	10	0.4
(1,804)	1:355:A:ARG:HB2	1:365:A:ARG:H	5	0.4
(1,804)	1:355:A:ARG:HB3	1:365:A:ARG:H	5	0.4
(1,804)	1:355:A:ARG:HB2	1:365:A:ARG:H	10	0.4
(1,804)	1:355:A:ARG:HB3	1:365:A:ARG:H	10	0.4
(1,798)	1:365:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HD3	6	0.4
(1,798)	1:365:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HD2	6	0.4
(1,410)	1:353:A:PHE:HA	1:367:A:VAL:HA	9	0.4
(1,358)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HG21	9	0.4
(1,358)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HG22	9	0.4
(1,358)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HG23	9	0.4
(1,323)	1:345:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD11	1	0.4
(1,323)	1:345:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD12	1	0.4
(1,323)	1:345:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD13	1	0.4
(1,184)	1:365:A:ARG:HA	1:413:A:PHE:HE1	7	0.4
(1,172)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE1	8	0.4
(1,172)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE2	8	0.4
(1,172)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE3	8	0.4
(1,82)	1:352:A:ASN:HB2	1:367:A:VAL:HG11	6	0.4
(1,82)	1:352:A:ASN:HB2	1:367:A:VAL:HG12	6	0.4
(1,82)	1:352:A:ASN:HB2	1:367:A:VAL:HG13	6	0.4
(1,61)	1:343:A:GLN:H	1:343:A:GLN:HG2	7	0.4
(1,61)	1:343:A:GLN:H	1:343:A:GLN:HG3	7	0.4
(1,47)	1:418:A:THR:HG21	1:419:A:PRO:HB3	5	0.4
(1,47)	1:418:A:THR:HG22	1:419:A:PRO:HB3	5	0.4
(1,47)	1:418:A:THR:HG23	1:419:A:PRO:HB3	5	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1513)	1:410:A:ARG:HB2	1:411:A:LEU:HD11	4	0.39
(1,1513)	1:410:A:ARG:HB2	1:411:A:LEU:HD12	4	0.39
(1,1513)	1:410:A:ARG:HB2	1:411:A:LEU:HD13	4	0.39
(1,1513)	1:410:A:ARG:HB2	1:411:A:LEU:HD21	4	0.39
(1,1513)	1:410:A:ARG:HB2	1:411:A:LEU:HD22	4	0.39
(1,1513)	1:410:A:ARG:HB2	1:411:A:LEU:HD23	4	0.39
(1,1513)	1:410:A:ARG:HB3	1:411:A:LEU:HD11	4	0.39
(1,1513)	1:410:A:ARG:HB3	1:411:A:LEU:HD12	4	0.39
(1,1513)	1:410:A:ARG:HB3	1:411:A:LEU:HD13	4	0.39
(1,1513)	1:410:A:ARG:HB3	1:411:A:LEU:HD21	4	0.39
(1,1513)	1:410:A:ARG:HB3	1:411:A:LEU:HD22	4	0.39
(1,1513)	1:410:A:ARG:HB3	1:411:A:LEU:HD23	4	0.39
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD11	2	0.39
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD12	2	0.39
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD13	2	0.39
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD21	2	0.39
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD22	2	0.39
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD23	2	0.39
(1,1413)	1:372:A:LEU:HD11	1:376:A:TRP:H	1	0.39
(1,1413)	1:372:A:LEU:HD12	1:376:A:TRP:H	1	0.39
(1,1413)	1:372:A:LEU:HD13	1:376:A:TRP:H	1	0.39
(1,1413)	1:372:A:LEU:HD21	1:376:A:TRP:H	1	0.39
(1,1413)	1:372:A:LEU:HD22	1:376:A:TRP:H	1	0.39
(1,1413)	1:372:A:LEU:HD23	1:376:A:TRP:H	1	0.39
(1,1388)	1:365:A:ARG:HA	1:411:A:LEU:HD11	6	0.39
(1,1388)	1:365:A:ARG:HA	1:411:A:LEU:HD12	6	0.39
(1,1388)	1:365:A:ARG:HA	1:411:A:LEU:HD13	6	0.39
(1,1388)	1:365:A:ARG:HA	1:411:A:LEU:HD21	6	0.39
(1,1388)	1:365:A:ARG:HA	1:411:A:LEU:HD22	6	0.39
(1,1388)	1:365:A:ARG:HA	1:411:A:LEU:HD23	6	0.39
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD11	9	0.39
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD12	9	0.39
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD13	9	0.39
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD21	9	0.39
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD22	9	0.39
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD23	9	0.39
(1,1338)	1:345:A:LEU:HD11	1:364:A:PHE:HA	5	0.39
(1,1338)	1:345:A:LEU:HD12	1:364:A:PHE:HA	5	0.39
(1,1338)	1:345:A:LEU:HD13	1:364:A:PHE:HA	5	0.39
(1,1338)	1:345:A:LEU:HD21	1:364:A:PHE:HA	5	0.39
(1,1338)	1:345:A:LEU:HD22	1:364:A:PHE:HA	5	0.39
(1,1338)	1:345:A:LEU:HD23	1:364:A:PHE:HA	5	0.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1331)	1:345:A:LEU:HD11	1:356:A:TRP:H	9	0.39
(1,1331)	1:345:A:LEU:HD12	1:356:A:TRP:H	9	0.39
(1,1331)	1:345:A:LEU:HD13	1:356:A:TRP:H	9	0.39
(1,1331)	1:345:A:LEU:HD21	1:356:A:TRP:H	9	0.39
(1,1331)	1:345:A:LEU:HD22	1:356:A:TRP:H	9	0.39
(1,1331)	1:345:A:LEU:HD23	1:356:A:TRP:H	9	0.39
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HB2	8	0.39
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HB3	8	0.39
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HB2	8	0.39
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HB3	8	0.39
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HB2	8	0.39
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HB3	8	0.39
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HB2	8	0.39
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HB3	8	0.39
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HB2	8	0.39
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HB3	8	0.39
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HB2	8	0.39
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HB3	8	0.39
(1,1290)	1:341:A:VAL:HG11	1:364:A:PHE:HE2	4	0.39
(1,1290)	1:341:A:VAL:HG12	1:364:A:PHE:HE2	4	0.39
(1,1290)	1:341:A:VAL:HG13	1:364:A:PHE:HE2	4	0.39
(1,1290)	1:341:A:VAL:HG21	1:364:A:PHE:HE2	4	0.39
(1,1290)	1:341:A:VAL:HG22	1:364:A:PHE:HE2	4	0.39
(1,1290)	1:341:A:VAL:HG23	1:364:A:PHE:HE2	4	0.39
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD11	1	0.39
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD12	1	0.39
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD13	1	0.39
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD21	1	0.39
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD22	1	0.39
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD23	1	0.39
(1,1214)	1:340:A:TYR:HB2	1:340:A:TYR:HE2	5	0.39
(1,1161)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HB2	8	0.39
(1,1161)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:HB3	8	0.39
(1,1057)	1:373:A:ALA:H	1:376:A:TRP:HB2	9	0.39
(1,1057)	1:373:A:ALA:H	1:376:A:TRP:HB3	9	0.39
(1,982)	1:394:A:LEU:H	1:396:A:HIS:HB2	2	0.39
(1,982)	1:394:A:LEU:H	1:396:A:HIS:HB3	2	0.39
(1,937)	1:348:A:SER:HA	1:350:A:TYR:H	7	0.39
(1,908)	1:366:A:ILE:HA	1:368:A:ASP:H	10	0.39
(1,798)	1:365:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HD3	7	0.39
(1,798)	1:365:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HD2	7	0.39
(1,785)	1:355:A:ARG:H	1:366:A:ILE:HA	1	0.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,763)	1:364:A:PHE:HD1	1:413:A:PHE:H	4	0.39
(1,701)	1:363:A:ILE:HD11	1:415:A:PHE:H	1	0.39
(1,701)	1:363:A:ILE:HD12	1:415:A:PHE:H	1	0.39
(1,701)	1:363:A:ILE:HD13	1:415:A:PHE:H	1	0.39
(1,626)	1:355:A:ARG:H	1:367:A:VAL:H	1	0.39
(1,481)	1:355:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HG2	4	0.39
(1,376)	1:373:A:ALA:HB1	1:376:A:TRP:HB3	6	0.39
(1,376)	1:373:A:ALA:HB2	1:376:A:TRP:HB3	6	0.39
(1,376)	1:373:A:ALA:HB3	1:376:A:TRP:HB3	6	0.39
(1,316)	1:354:A:ILE:HD11	1:355:A:ARG:H	5	0.39
(1,316)	1:354:A:ILE:HD12	1:355:A:ARG:H	5	0.39
(1,316)	1:354:A:ILE:HD13	1:355:A:ARG:H	5	0.39
(1,192)	1:332:A:ALA:HA	1:333:A:ASP:HB2	7	0.39
(1,192)	1:332:A:ALA:HA	1:333:A:ASP:HB3	7	0.39
(1,61)	1:343:A:GLN:H	1:343:A:GLN:HG2	5	0.39
(1,61)	1:343:A:GLN:H	1:343:A:GLN:HG3	5	0.39
(1,48)	1:385:A:MET:HB2	1:386:A:THR:HA	6	0.39
(1,37)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HE1	6	0.39
(1,37)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HE2	6	0.39
(1,37)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HE3	6	0.39
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD11	7	0.38
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD12	7	0.38
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD13	7	0.38
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD21	7	0.38
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD22	7	0.38
(1,1450)	1:387:A:TYR:HE2	1:394:A:LEU:HD23	7	0.38
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA2	1:385:A:MET:HE1	8	0.38
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA2	1:385:A:MET:HE2	8	0.38
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA2	1:385:A:MET:HE3	8	0.38
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE1	8	0.38
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE2	8	0.38
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE3	8	0.38
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG12	1:394:A:LEU:HD11	1	0.38
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG12	1:394:A:LEU:HD12	1	0.38
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG12	1:394:A:LEU:HD13	1	0.38
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG12	1:394:A:LEU:HD21	1	0.38
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG12	1:394:A:LEU:HD22	1	0.38
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG12	1:394:A:LEU:HD23	1	0.38
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG13	1:394:A:LEU:HD11	1	0.38
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG13	1:394:A:LEU:HD12	1	0.38
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG13	1:394:A:LEU:HD13	1	0.38
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG13	1:394:A:LEU:HD21	1	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG13	1:394:A:LEU:HD22	1	0.38
(1,1392)	1:366:A:ILE:HG13	1:394:A:LEU:HD23	1	0.38
(1,1363)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HD11	2	0.38
(1,1363)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HD12	2	0.38
(1,1363)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HD13	2	0.38
(1,1363)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HD21	2	0.38
(1,1363)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HD22	2	0.38
(1,1363)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HD23	2	0.38
(1,1363)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HD11	8	0.38
(1,1363)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HD12	8	0.38
(1,1363)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HD13	8	0.38
(1,1363)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HD21	8	0.38
(1,1363)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HD22	8	0.38
(1,1363)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HD23	8	0.38
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD11	10	0.38
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD12	10	0.38
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD13	10	0.38
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD21	10	0.38
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD22	10	0.38
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD23	10	0.38
(1,1350)	1:349:A:ARG:HD2	1:350:A:TYR:H	8	0.38
(1,1350)	1:349:A:ARG:HD3	1:350:A:TYR:H	8	0.38
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD11	1:367:A:VAL:HG21	1	0.38
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD11	1:367:A:VAL:HG22	1	0.38
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD11	1:367:A:VAL:HG23	1	0.38
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD12	1:367:A:VAL:HG21	1	0.38
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD12	1:367:A:VAL:HG22	1	0.38
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD12	1:367:A:VAL:HG23	1	0.38
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD13	1:367:A:VAL:HG21	1	0.38
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD13	1:367:A:VAL:HG22	1	0.38
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD13	1:367:A:VAL:HG23	1	0.38
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD21	1:367:A:VAL:HG21	1	0.38
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD21	1:367:A:VAL:HG22	1	0.38
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD21	1:367:A:VAL:HG23	1	0.38
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD22	1:367:A:VAL:HG21	1	0.38
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD22	1:367:A:VAL:HG22	1	0.38
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD22	1:367:A:VAL:HG23	1	0.38
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD23	1:367:A:VAL:HG21	1	0.38
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD23	1:367:A:VAL:HG22	1	0.38
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD23	1:367:A:VAL:HG23	1	0.38
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD11	1:354:A:ILE:HD11	5	0.38
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD11	1:354:A:ILE:HD12	5	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD11	1:354:A:ILE:HD13	5	0.38
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD12	1:354:A:ILE:HD11	5	0.38
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD12	1:354:A:ILE:HD12	5	0.38
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD12	1:354:A:ILE:HD13	5	0.38
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD13	1:354:A:ILE:HD11	5	0.38
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD13	1:354:A:ILE:HD12	5	0.38
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD13	1:354:A:ILE:HD13	5	0.38
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD21	1:354:A:ILE:HD11	5	0.38
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD21	1:354:A:ILE:HD12	5	0.38
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD21	1:354:A:ILE:HD13	5	0.38
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD22	1:354:A:ILE:HD11	5	0.38
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD22	1:354:A:ILE:HD12	5	0.38
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD22	1:354:A:ILE:HD13	5	0.38
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD23	1:354:A:ILE:HD11	5	0.38
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD23	1:354:A:ILE:HD12	5	0.38
(1,1311)	1:344:A:LEU:HD23	1:354:A:ILE:HD13	5	0.38
(1,1295)	1:343:A:GLN:HA	1:343:A:GLN:HE21	8	0.38
(1,1295)	1:343:A:GLN:HA	1:343:A:GLN:HE22	8	0.38
(1,1247)	1:336:A:LEU:HD11	1:339:A:ASP:HA	2	0.38
(1,1247)	1:336:A:LEU:HD12	1:339:A:ASP:HA	2	0.38
(1,1247)	1:336:A:LEU:HD13	1:339:A:ASP:HA	2	0.38
(1,1247)	1:336:A:LEU:HD21	1:339:A:ASP:HA	2	0.38
(1,1247)	1:336:A:LEU:HD22	1:339:A:ASP:HA	2	0.38
(1,1247)	1:336:A:LEU:HD23	1:339:A:ASP:HA	2	0.38
(1,1216)	1:340:A:TYR:HE2	1:379:A:HIS:HB2	10	0.38
(1,1216)	1:340:A:TYR:HE2	1:379:A:HIS:HB3	10	0.38
(1,1214)	1:340:A:TYR:HB2	1:340:A:TYR:HE2	4	0.38
(1,1113)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HB	4	0.38
(1,1110)	1:327:A:HIS:HE1	1:328:A:MET:H	10	0.38
(1,1035)	1:358:A:ASP:HB2	1:360:A:GLU:H	3	0.38
(1,1035)	1:358:A:ASP:HB3	1:360:A:GLU:H	3	0.38
(1,1034)	1:356:A:TRP:HB3	1:360:A:GLU:H	7	0.38
(1,1034)	1:356:A:TRP:HB3	1:360:A:GLU:H	8	0.38
(1,992)	1:359:A:LYS:HA	1:363:A:ILE:H	7	0.38
(1,590)	1:369:A:PRO:HA	1:372:A:LEU:HB2	9	0.38
(1,512)	1:365:A:ARG:HA	1:412:A:LEU:HD11	4	0.38
(1,512)	1:365:A:ARG:HA	1:412:A:LEU:HD12	4	0.38
(1,512)	1:365:A:ARG:HA	1:412:A:LEU:HD13	4	0.38
(1,477)	1:425:A:GLY:H	1:426:A:ARG:HG2	4	0.38
(1,477)	1:425:A:GLY:H	1:426:A:ARG:HG3	4	0.38
(1,448)	1:374:A:ARG:H	1:385:A:MET:HB3	2	0.38
(1,361)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG21	8	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,361)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG22	8	0.38
(1,361)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG23	8	0.38
(1,329)	1:348:A:SER:HB2	1:351:A:GLU:HG2	2	0.38
(1,329)	1:348:A:SER:HB2	1:351:A:GLU:HG3	2	0.38
(1,329)	1:348:A:SER:HB3	1:351:A:GLU:HG2	2	0.38
(1,329)	1:348:A:SER:HB3	1:351:A:GLU:HG3	2	0.38
(1,296)	1:340:A:TYR:HA	1:340:A:TYR:HD2	9	0.38
(1,230)	1:376:A:TRP:HA	1:376:A:TRP:HZ3	9	0.38
(1,204)	1:355:A:ARG:HA	1:367:A:VAL:HG21	5	0.38
(1,204)	1:355:A:ARG:HA	1:367:A:VAL:HG22	5	0.38
(1,204)	1:355:A:ARG:HA	1:367:A:VAL:HG23	5	0.38
(1,136)	1:356:A:TRP:HZ2	1:359:A:LYS:HE2	4	0.38
(1,136)	1:356:A:TRP:HZ2	1:359:A:LYS:HE3	4	0.38
(1,88)	1:370:A:ASN:HA	1:387:A:TYR:HB3	3	0.38
(1,84)	1:358:A:ASP:HA	1:360:A:GLU:HG2	10	0.38
(1,84)	1:358:A:ASP:HA	1:360:A:GLU:HG3	10	0.38
(1,73)	1:388:A:GLU:HA	1:388:A:GLU:HG2	2	0.38
(1,73)	1:388:A:GLU:HA	1:388:A:GLU:HG3	2	0.38
(1,10)	1:376:A:TRP:HZ2	1:385:A:MET:HE1	1	0.38
(1,10)	1:376:A:TRP:HZ2	1:385:A:MET:HE2	1	0.38
(1,10)	1:376:A:TRP:HZ2	1:385:A:MET:HE3	1	0.38
(1,1537)	1:426:A:ARG:H	1:426:A:ARG:HB2	2	0.37
(1,1537)	1:426:A:ARG:H	1:426:A:ARG:HB3	2	0.37
(1,1513)	1:410:A:ARG:HB2	1:411:A:LEU:HD11	1	0.37
(1,1513)	1:410:A:ARG:HB2	1:411:A:LEU:HD12	1	0.37
(1,1513)	1:410:A:ARG:HB2	1:411:A:LEU:HD13	1	0.37
(1,1513)	1:410:A:ARG:HB2	1:411:A:LEU:HD21	1	0.37
(1,1513)	1:410:A:ARG:HB2	1:411:A:LEU:HD22	1	0.37
(1,1513)	1:410:A:ARG:HB2	1:411:A:LEU:HD23	1	0.37
(1,1513)	1:410:A:ARG:HB3	1:411:A:LEU:HD11	1	0.37
(1,1513)	1:410:A:ARG:HB3	1:411:A:LEU:HD12	1	0.37
(1,1513)	1:410:A:ARG:HB3	1:411:A:LEU:HD13	1	0.37
(1,1513)	1:410:A:ARG:HB3	1:411:A:LEU:HD21	1	0.37
(1,1513)	1:410:A:ARG:HB3	1:411:A:LEU:HD22	1	0.37
(1,1513)	1:410:A:ARG:HB3	1:411:A:LEU:HD23	1	0.37
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD11	1	0.37
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD12	1	0.37
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD13	1	0.37
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD21	1	0.37
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD22	1	0.37
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD23	1	0.37
(1,1332)	1:345:A:LEU:HD11	1:356:A:TRP:HB2	7	0.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1332)	1:345:A:LEU:HD12	1:356:A:TRP:HB2	7	0.37
(1,1332)	1:345:A:LEU:HD13	1:356:A:TRP:HB2	7	0.37
(1,1332)	1:345:A:LEU:HD21	1:356:A:TRP:HB2	7	0.37
(1,1332)	1:345:A:LEU:HD22	1:356:A:TRP:HB2	7	0.37
(1,1332)	1:345:A:LEU:HD23	1:356:A:TRP:HB2	7	0.37
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD11	1:338:A:TRP:HD1	10	0.37
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD12	1:338:A:TRP:HD1	10	0.37
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD13	1:338:A:TRP:HD1	10	0.37
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HD1	10	0.37
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HD1	10	0.37
(1,1243)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HD1	10	0.37
(1,1226)	1:376:A:TRP:HZ2	1:380:A:LYS:HD2	6	0.37
(1,1226)	1:376:A:TRP:HZ2	1:380:A:LYS:HD3	6	0.37
(1,1187)	1:356:A:TRP:HD1	1:359:A:LYS:HD2	1	0.37
(1,1187)	1:356:A:TRP:HD1	1:359:A:LYS:HD3	1	0.37
(1,1130)	1:340:A:TYR:H	1:340:A:TYR:HD2	3	0.37
(1,896)	1:353:A:PHE:H	1:354:A:ILE:HB	4	0.37
(1,832)	1:418:A:THR:H	1:422:A:ILE:H	2	0.37
(1,701)	1:363:A:ILE:HD11	1:415:A:PHE:H	10	0.37
(1,701)	1:363:A:ILE:HD12	1:415:A:PHE:H	10	0.37
(1,701)	1:363:A:ILE:HD13	1:415:A:PHE:H	10	0.37
(1,628)	1:353:A:PHE:HA	1:367:A:VAL:H	6	0.37
(1,626)	1:355:A:ARG:H	1:367:A:VAL:H	6	0.37
(1,597)	1:356:A:TRP:HE1	1:359:A:LYS:HE2	8	0.37
(1,597)	1:356:A:TRP:HE1	1:359:A:LYS:HE3	8	0.37
(1,387)	1:358:A:ASP:HB2	1:363:A:ILE:HG21	8	0.37
(1,387)	1:358:A:ASP:HB2	1:363:A:ILE:HG22	8	0.37
(1,387)	1:358:A:ASP:HB2	1:363:A:ILE:HG23	8	0.37
(1,387)	1:358:A:ASP:HB3	1:363:A:ILE:HG21	8	0.37
(1,387)	1:358:A:ASP:HB3	1:363:A:ILE:HG22	8	0.37
(1,387)	1:358:A:ASP:HB3	1:363:A:ILE:HG23	8	0.37
(1,380)	1:363:A:ILE:HG21	1:364:A:PHE:HD1	1	0.37
(1,380)	1:363:A:ILE:HG22	1:364:A:PHE:HD1	1	0.37
(1,380)	1:363:A:ILE:HG23	1:364:A:PHE:HD1	1	0.37
(1,380)	1:363:A:ILE:HG21	1:364:A:PHE:HD1	7	0.37
(1,380)	1:363:A:ILE:HG22	1:364:A:PHE:HD1	7	0.37
(1,380)	1:363:A:ILE:HG23	1:364:A:PHE:HD1	7	0.37
(1,358)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HG21	3	0.37
(1,358)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HG22	3	0.37
(1,358)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HG23	3	0.37
(1,344)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG21	4	0.37
(1,344)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG22	4	0.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,344)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG23	4	0.37
(1,246)	1:392:A:ARG:HA	1:392:A:ARG:HD2	4	0.37
(1,246)	1:392:A:ARG:HA	1:392:A:ARG:HD3	4	0.37
(1,230)	1:376:A:TRP:HA	1:376:A:TRP:HZ3	8	0.37
(1,49)	1:366:A:ILE:HG21	1:369:A:PRO:HB2	8	0.37
(1,49)	1:366:A:ILE:HG22	1:369:A:PRO:HB2	8	0.37
(1,49)	1:366:A:ILE:HG23	1:369:A:PRO:HB2	8	0.37
(1,48)	1:385:A:MET:HB2	1:386:A:THR:HA	9	0.37
(1,4)	1:377:A:GLY:HA2	1:385:A:MET:HE1	6	0.37
(1,4)	1:377:A:GLY:HA2	1:385:A:MET:HE2	6	0.37
(1,4)	1:377:A:GLY:HA2	1:385:A:MET:HE3	6	0.37
(1,1448)	1:386:A:THR:HA	1:389:A:LYS:HG2	1	0.36
(1,1448)	1:386:A:THR:HA	1:389:A:LYS:HG3	1	0.36
(1,1413)	1:372:A:LEU:HD11	1:376:A:TRP:H	5	0.36
(1,1413)	1:372:A:LEU:HD12	1:376:A:TRP:H	5	0.36
(1,1413)	1:372:A:LEU:HD13	1:376:A:TRP:H	5	0.36
(1,1413)	1:372:A:LEU:HD21	1:376:A:TRP:H	5	0.36
(1,1413)	1:372:A:LEU:HD22	1:376:A:TRP:H	5	0.36
(1,1413)	1:372:A:LEU:HD23	1:376:A:TRP:H	5	0.36
(1,1413)	1:372:A:LEU:HD11	1:376:A:TRP:H	7	0.36
(1,1413)	1:372:A:LEU:HD12	1:376:A:TRP:H	7	0.36
(1,1413)	1:372:A:LEU:HD13	1:376:A:TRP:H	7	0.36
(1,1413)	1:372:A:LEU:HD21	1:376:A:TRP:H	7	0.36
(1,1413)	1:372:A:LEU:HD22	1:376:A:TRP:H	7	0.36
(1,1413)	1:372:A:LEU:HD23	1:376:A:TRP:H	7	0.36
(1,1331)	1:345:A:LEU:HD11	1:356:A:TRP:H	6	0.36
(1,1331)	1:345:A:LEU:HD12	1:356:A:TRP:H	6	0.36
(1,1331)	1:345:A:LEU:HD13	1:356:A:TRP:H	6	0.36
(1,1331)	1:345:A:LEU:HD21	1:356:A:TRP:H	6	0.36
(1,1331)	1:345:A:LEU:HD22	1:356:A:TRP:H	6	0.36
(1,1331)	1:345:A:LEU:HD23	1:356:A:TRP:H	6	0.36
(1,1264)	1:337:A:LEU:HD11	1:385:A:MET:HE1	2	0.36
(1,1264)	1:337:A:LEU:HD11	1:385:A:MET:HE2	2	0.36
(1,1264)	1:337:A:LEU:HD11	1:385:A:MET:HE3	2	0.36
(1,1264)	1:337:A:LEU:HD12	1:385:A:MET:HE1	2	0.36
(1,1264)	1:337:A:LEU:HD12	1:385:A:MET:HE2	2	0.36
(1,1264)	1:337:A:LEU:HD12	1:385:A:MET:HE3	2	0.36
(1,1264)	1:337:A:LEU:HD13	1:385:A:MET:HE1	2	0.36
(1,1264)	1:337:A:LEU:HD13	1:385:A:MET:HE2	2	0.36
(1,1264)	1:337:A:LEU:HD13	1:385:A:MET:HE3	2	0.36
(1,1264)	1:337:A:LEU:HD21	1:385:A:MET:HE1	2	0.36
(1,1264)	1:337:A:LEU:HD21	1:385:A:MET:HE2	2	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1264)	1:337:A:LEU:HD21	1:385:A:MET:HE3	2	0.36
(1,1264)	1:337:A:LEU:HD22	1:385:A:MET:HE1	2	0.36
(1,1264)	1:337:A:LEU:HD22	1:385:A:MET:HE2	2	0.36
(1,1264)	1:337:A:LEU:HD22	1:385:A:MET:HE3	2	0.36
(1,1264)	1:337:A:LEU:HD23	1:385:A:MET:HE1	2	0.36
(1,1264)	1:337:A:LEU:HD23	1:385:A:MET:HE2	2	0.36
(1,1264)	1:337:A:LEU:HD23	1:385:A:MET:HE3	2	0.36
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD21	7	0.36
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD22	7	0.36
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD23	7	0.36
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD11	7	0.36
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD12	7	0.36
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD13	7	0.36
(1,1214)	1:340:A:TYR:HB2	1:340:A:TYR:HE2	7	0.36
(1,1214)	1:340:A:TYR:HB2	1:340:A:TYR:HE2	9	0.36
(1,1214)	1:340:A:TYR:HB2	1:340:A:TYR:HE2	10	0.36
(1,1174)	1:394:A:LEU:HG	1:397:A:TYR:HD2	3	0.36
(1,1140)	1:375:A:LEU:HA	1:378:A:ASN:HD22	8	0.36
(1,1130)	1:340:A:TYR:H	1:340:A:TYR:HD2	1	0.36
(1,1129)	1:398:A:TYR:H	1:402:A:ILE:HD11	10	0.36
(1,1129)	1:398:A:TYR:H	1:402:A:ILE:HD12	10	0.36
(1,1129)	1:398:A:TYR:H	1:402:A:ILE:HD13	10	0.36
(1,1114)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG21	2	0.36
(1,1114)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG22	2	0.36
(1,1114)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG23	2	0.36
(1,1104)	1:354:A:ILE:H	1:366:A:ILE:HA	5	0.36
(1,950)	1:350:A:TYR:H	1:351:A:GLU:HG2	8	0.36
(1,950)	1:350:A:TYR:H	1:351:A:GLU:HG3	8	0.36
(1,896)	1:353:A:PHE:H	1:354:A:ILE:HB	3	0.36
(1,869)	1:391:A:SER:H	1:394:A:LEU:HG	9	0.36
(1,860)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:H	4	0.36
(1,848)	1:361:A:SER:H	1:363:A:ILE:HB	4	0.36
(1,832)	1:418:A:THR:H	1:422:A:ILE:H	4	0.36
(1,762)	1:413:A:PHE:H	1:413:A:PHE:HD1	10	0.36
(1,726)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:H	2	0.36
(1,701)	1:363:A:ILE:HD11	1:415:A:PHE:H	8	0.36
(1,701)	1:363:A:ILE:HD12	1:415:A:PHE:H	8	0.36
(1,701)	1:363:A:ILE:HD13	1:415:A:PHE:H	8	0.36
(1,640)	1:406:A:GLU:H	1:413:A:PHE:HA	2	0.36
(1,605)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HG2	2	0.36
(1,605)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HG3	2	0.36
(1,574)	1:353:A:PHE:HA	1:367:A:VAL:HG11	4	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,574)	1:353:A:PHE:HA	1:367:A:VAL:HG12	4	0.36
(1,574)	1:353:A:PHE:HA	1:367:A:VAL:HG13	4	0.36
(1,574)	1:353:A:PHE:HA	1:367:A:VAL:HG11	5	0.36
(1,574)	1:353:A:PHE:HA	1:367:A:VAL:HG12	5	0.36
(1,574)	1:353:A:PHE:HA	1:367:A:VAL:HG13	5	0.36
(1,506)	1:365:A:ARG:HD3	1:412:A:LEU:HD21	6	0.36
(1,506)	1:365:A:ARG:HD3	1:412:A:LEU:HD22	6	0.36
(1,506)	1:365:A:ARG:HD3	1:412:A:LEU:HD23	6	0.36
(1,358)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HG21	7	0.36
(1,358)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HG22	7	0.36
(1,358)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HG23	7	0.36
(1,335)	1:361:A:SER:HB3	1:363:A:ILE:HB	8	0.36
(1,172)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE1	7	0.36
(1,172)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE2	7	0.36
(1,172)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE3	7	0.36
(1,1)	1:373:A:ALA:HB1	1:385:A:MET:HE1	3	0.36
(1,1)	1:373:A:ALA:HB1	1:385:A:MET:HE2	3	0.36
(1,1)	1:373:A:ALA:HB1	1:385:A:MET:HE3	3	0.36
(1,1)	1:373:A:ALA:HB2	1:385:A:MET:HE1	3	0.36
(1,1)	1:373:A:ALA:HB2	1:385:A:MET:HE2	3	0.36
(1,1)	1:373:A:ALA:HB2	1:385:A:MET:HE3	3	0.36
(1,1)	1:373:A:ALA:HB3	1:385:A:MET:HE1	3	0.36
(1,1)	1:373:A:ALA:HB3	1:385:A:MET:HE2	3	0.36
(1,1)	1:373:A:ALA:HB3	1:385:A:MET:HE3	3	0.36
(1,1501)	1:406:A:GLU:HG2	1:412:A:LEU:HB2	7	0.35
(1,1501)	1:406:A:GLU:HG3	1:412:A:LEU:HB2	7	0.35
(1,1501)	1:406:A:GLU:HG2	1:412:A:LEU:HB3	7	0.35
(1,1501)	1:406:A:GLU:HG3	1:412:A:LEU:HB3	7	0.35
(1,1413)	1:372:A:LEU:HD11	1:376:A:TRP:H	8	0.35
(1,1413)	1:372:A:LEU:HD12	1:376:A:TRP:H	8	0.35
(1,1413)	1:372:A:LEU:HD13	1:376:A:TRP:H	8	0.35
(1,1413)	1:372:A:LEU:HD21	1:376:A:TRP:H	8	0.35
(1,1413)	1:372:A:LEU:HD22	1:376:A:TRP:H	8	0.35
(1,1413)	1:372:A:LEU:HD23	1:376:A:TRP:H	8	0.35
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD11	7	0.35
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD12	7	0.35
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD13	7	0.35
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD21	7	0.35
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD22	7	0.35
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD11	1:394:A:LEU:HD23	7	0.35
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD11	7	0.35
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD12	7	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD13	7	0.35
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD21	7	0.35
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD22	7	0.35
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD12	1:394:A:LEU:HD23	7	0.35
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD11	7	0.35
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD12	7	0.35
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD13	7	0.35
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD21	7	0.35
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD22	7	0.35
(1,1393)	1:366:A:ILE:HD13	1:394:A:LEU:HD23	7	0.35
(1,1365)	1:353:A:PHE:HB3	1:372:A:LEU:HD11	3	0.35
(1,1365)	1:353:A:PHE:HB3	1:372:A:LEU:HD12	3	0.35
(1,1365)	1:353:A:PHE:HB3	1:372:A:LEU:HD13	3	0.35
(1,1365)	1:353:A:PHE:HB3	1:372:A:LEU:HD21	3	0.35
(1,1365)	1:353:A:PHE:HB3	1:372:A:LEU:HD22	3	0.35
(1,1365)	1:353:A:PHE:HB3	1:372:A:LEU:HD23	3	0.35
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD11	1:367:A:VAL:HG21	9	0.35
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD11	1:367:A:VAL:HG22	9	0.35
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD11	1:367:A:VAL:HG23	9	0.35
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD12	1:367:A:VAL:HG21	9	0.35
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD12	1:367:A:VAL:HG22	9	0.35
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD12	1:367:A:VAL:HG23	9	0.35
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD13	1:367:A:VAL:HG21	9	0.35
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD13	1:367:A:VAL:HG22	9	0.35
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD13	1:367:A:VAL:HG23	9	0.35
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD21	1:367:A:VAL:HG21	9	0.35
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD21	1:367:A:VAL:HG22	9	0.35
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD21	1:367:A:VAL:HG23	9	0.35
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD22	1:367:A:VAL:HG21	9	0.35
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD22	1:367:A:VAL:HG22	9	0.35
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD22	1:367:A:VAL:HG23	9	0.35
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD23	1:367:A:VAL:HG21	9	0.35
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD23	1:367:A:VAL:HG22	9	0.35
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD23	1:367:A:VAL:HG23	9	0.35
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD11	1:390:A:MET:HE1	8	0.35
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD11	1:390:A:MET:HE2	8	0.35
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD11	1:390:A:MET:HE3	8	0.35
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD12	1:390:A:MET:HE1	8	0.35
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD12	1:390:A:MET:HE2	8	0.35
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD12	1:390:A:MET:HE3	8	0.35
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD13	1:390:A:MET:HE1	8	0.35
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD13	1:390:A:MET:HE2	8	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD13	1:390:A:MET:HE3	8	0.35
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD21	1:390:A:MET:HE1	8	0.35
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD21	1:390:A:MET:HE2	8	0.35
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD21	1:390:A:MET:HE3	8	0.35
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD22	1:390:A:MET:HE1	8	0.35
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD22	1:390:A:MET:HE2	8	0.35
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD22	1:390:A:MET:HE3	8	0.35
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD23	1:390:A:MET:HE1	8	0.35
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD23	1:390:A:MET:HE2	8	0.35
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD23	1:390:A:MET:HE3	8	0.35
(1,1291)	1:341:A:VAL:HG11	1:364:A:PHE:HD2	8	0.35
(1,1291)	1:341:A:VAL:HG12	1:364:A:PHE:HD2	8	0.35
(1,1291)	1:341:A:VAL:HG13	1:364:A:PHE:HD2	8	0.35
(1,1291)	1:341:A:VAL:HG21	1:364:A:PHE:HD2	8	0.35
(1,1291)	1:341:A:VAL:HG22	1:364:A:PHE:HD2	8	0.35
(1,1291)	1:341:A:VAL:HG23	1:364:A:PHE:HD2	8	0.35
(1,1268)	1:337:A:LEU:HD11	1:393:A:ALA:HA	8	0.35
(1,1268)	1:337:A:LEU:HD12	1:393:A:ALA:HA	8	0.35
(1,1268)	1:337:A:LEU:HD13	1:393:A:ALA:HA	8	0.35
(1,1268)	1:337:A:LEU:HD21	1:393:A:ALA:HA	8	0.35
(1,1268)	1:337:A:LEU:HD22	1:393:A:ALA:HA	8	0.35
(1,1268)	1:337:A:LEU:HD23	1:393:A:ALA:HA	8	0.35
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD11	1:338:A:TRP:HZ2	7	0.35
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD12	1:338:A:TRP:HZ2	7	0.35
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD13	1:338:A:TRP:HZ2	7	0.35
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HZ2	7	0.35
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HZ2	7	0.35
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HZ2	7	0.35
(1,1239)	1:330:A:ARG:HG2	1:331:A:ILE:HG12	1	0.35
(1,1239)	1:330:A:ARG:HG2	1:331:A:ILE:HG13	1	0.35
(1,1239)	1:330:A:ARG:HG3	1:331:A:ILE:HG12	1	0.35
(1,1239)	1:330:A:ARG:HG3	1:331:A:ILE:HG13	1	0.35
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD21	5	0.35
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD22	5	0.35
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD23	5	0.35
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD11	5	0.35
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD12	5	0.35
(1,1210)	1:350:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HD13	5	0.35
(1,1205)	1:395:A:ARG:HD2	1:398:A:TYR:HE2	8	0.35
(1,1205)	1:395:A:ARG:HD3	1:398:A:TYR:HE2	8	0.35
(1,1129)	1:398:A:TYR:H	1:402:A:ILE:HD11	6	0.35
(1,1129)	1:398:A:TYR:H	1:402:A:ILE:HD12	6	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1129)	1:398:A:TYR:H	1:402:A:ILE:HD13	6	0.35
(1,1114)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG21	6	0.35
(1,1114)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG22	6	0.35
(1,1114)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG23	6	0.35
(1,1034)	1:356:A:TRP:HB3	1:360:A:GLU:H	1	0.35
(1,1013)	1:409:A:GLN:HG2	1:412:A:LEU:H	5	0.35
(1,1013)	1:409:A:GLN:HG3	1:412:A:LEU:H	5	0.35
(1,762)	1:413:A:PHE:H	1:413:A:PHE:HD1	2	0.35
(1,587)	1:353:A:PHE:HB3	1:369:A:PRO:HA	9	0.35
(1,376)	1:373:A:ALA:HB1	1:376:A:TRP:HB3	7	0.35
(1,376)	1:373:A:ALA:HB2	1:376:A:TRP:HB3	7	0.35
(1,376)	1:373:A:ALA:HB3	1:376:A:TRP:HB3	7	0.35
(1,315)	1:345:A:LEU:HA	1:354:A:ILE:HD11	4	0.35
(1,315)	1:345:A:LEU:HA	1:354:A:ILE:HD12	4	0.35
(1,315)	1:345:A:LEU:HA	1:354:A:ILE:HD13	4	0.35
(1,315)	1:345:A:LEU:HA	1:354:A:ILE:HD11	5	0.35
(1,315)	1:345:A:LEU:HA	1:354:A:ILE:HD12	5	0.35
(1,315)	1:345:A:LEU:HA	1:354:A:ILE:HD13	5	0.35
(1,296)	1:340:A:TYR:HA	1:340:A:TYR:HD2	3	0.35
(1,215)	1:380:A:LYS:HA	1:380:A:LYS:HD2	5	0.35
(1,215)	1:380:A:LYS:HA	1:380:A:LYS:HD3	5	0.35
(1,214)	1:373:A:ALA:HB1	1:385:A:MET:HA	7	0.35
(1,214)	1:373:A:ALA:HB2	1:385:A:MET:HA	7	0.35
(1,214)	1:373:A:ALA:HB3	1:385:A:MET:HA	7	0.35
(1,47)	1:418:A:THR:HG21	1:419:A:PRO:HB3	3	0.35
(1,47)	1:418:A:THR:HG22	1:419:A:PRO:HB3	3	0.35
(1,47)	1:418:A:THR:HG23	1:419:A:PRO:HB3	3	0.35
(1,1451)	1:387:A:TYR:HD2	1:394:A:LEU:HD11	4	0.34
(1,1451)	1:387:A:TYR:HD2	1:394:A:LEU:HD12	4	0.34
(1,1451)	1:387:A:TYR:HD2	1:394:A:LEU:HD13	4	0.34
(1,1451)	1:387:A:TYR:HD2	1:394:A:LEU:HD21	4	0.34
(1,1451)	1:387:A:TYR:HD2	1:394:A:LEU:HD22	4	0.34
(1,1451)	1:387:A:TYR:HD2	1:394:A:LEU:HD23	4	0.34
(1,1394)	1:368:A:ASP:HA	1:411:A:LEU:HD11	4	0.34
(1,1394)	1:368:A:ASP:HA	1:411:A:LEU:HD12	4	0.34
(1,1394)	1:368:A:ASP:HA	1:411:A:LEU:HD13	4	0.34
(1,1394)	1:368:A:ASP:HA	1:411:A:LEU:HD21	4	0.34
(1,1394)	1:368:A:ASP:HA	1:411:A:LEU:HD22	4	0.34
(1,1394)	1:368:A:ASP:HA	1:411:A:LEU:HD23	4	0.34
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD11	1:357:A:GLU:H	4	0.34
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD12	1:357:A:GLU:H	4	0.34
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD13	1:357:A:GLU:H	4	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD21	1:357:A:GLU:H	4	0.34
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD22	1:357:A:GLU:H	4	0.34
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD23	1:357:A:GLU:H	4	0.34
(1,1272)	1:339:A:ASP:HA	1:342:A:TYR:HB2	8	0.34
(1,1272)	1:339:A:ASP:HA	1:342:A:TYR:HB3	8	0.34
(1,1127)	1:348:A:SER:H	1:350:A:TYR:H	3	0.34
(1,1110)	1:327:A:HIS:HE1	1:328:A:MET:H	1	0.34
(1,981)	1:374:A:ARG:H	1:374:A:ARG:HD2	7	0.34
(1,981)	1:374:A:ARG:H	1:374:A:ARG:HD3	7	0.34
(1,946)	1:358:A:ASP:H	1:363:A:ILE:HG21	5	0.34
(1,946)	1:358:A:ASP:H	1:363:A:ILE:HG22	5	0.34
(1,946)	1:358:A:ASP:H	1:363:A:ILE:HG23	5	0.34
(1,937)	1:348:A:SER:HA	1:350:A:TYR:H	6	0.34
(1,923)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HB	10	0.34
(1,813)	1:425:A:GLY:H	1:426:A:ARG:H	3	0.34
(1,640)	1:406:A:GLU:H	1:413:A:PHE:HA	3	0.34
(1,483)	1:363:A:ILE:HD11	1:414:A:ARG:HG2	9	0.34
(1,483)	1:363:A:ILE:HD11	1:414:A:ARG:HG3	9	0.34
(1,483)	1:363:A:ILE:HD12	1:414:A:ARG:HG2	9	0.34
(1,483)	1:363:A:ILE:HD12	1:414:A:ARG:HG3	9	0.34
(1,483)	1:363:A:ILE:HD13	1:414:A:ARG:HG2	9	0.34
(1,483)	1:363:A:ILE:HD13	1:414:A:ARG:HG3	9	0.34
(1,435)	1:370:A:ASN:HA	1:387:A:TYR:HB2	3	0.34
(1,426)	1:410:A:ARG:HA	1:410:A:ARG:HD2	8	0.34
(1,426)	1:410:A:ARG:HA	1:410:A:ARG:HD3	8	0.34
(1,389)	1:363:A:ILE:HG21	1:412:A:LEU:HG	5	0.34
(1,389)	1:363:A:ILE:HG22	1:412:A:LEU:HG	5	0.34
(1,389)	1:363:A:ILE:HG23	1:412:A:LEU:HG	5	0.34
(1,363)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HG21	2	0.34
(1,363)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HG22	2	0.34
(1,363)	1:398:A:TYR:HE2	1:403:A:ILE:HG23	2	0.34
(1,358)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HG21	8	0.34
(1,358)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HG22	8	0.34
(1,358)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HG23	8	0.34
(1,326)	1:341:A:VAL:HA	1:354:A:ILE:HD11	7	0.34
(1,326)	1:341:A:VAL:HA	1:354:A:ILE:HD12	7	0.34
(1,326)	1:341:A:VAL:HA	1:354:A:ILE:HD13	7	0.34
(1,276)	1:358:A:ASP:HB2	1:363:A:ILE:HD11	7	0.34
(1,276)	1:358:A:ASP:HB2	1:363:A:ILE:HD12	7	0.34
(1,276)	1:358:A:ASP:HB2	1:363:A:ILE:HD13	7	0.34
(1,276)	1:358:A:ASP:HB3	1:363:A:ILE:HD11	7	0.34
(1,276)	1:358:A:ASP:HB3	1:363:A:ILE:HD12	7	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,276)	1:358:A:ASP:HB3	1:363:A:ILE:HD13	7	0.34
(1,204)	1:355:A:ARG:HA	1:367:A:VAL:HG21	3	0.34
(1,204)	1:355:A:ARG:HA	1:367:A:VAL:HG22	3	0.34
(1,204)	1:355:A:ARG:HA	1:367:A:VAL:HG23	3	0.34
(1,172)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE1	1	0.34
(1,172)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE2	1	0.34
(1,172)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE3	1	0.34
(1,136)	1:356:A:TRP:HZ2	1:359:A:LYS:HE2	10	0.34
(1,136)	1:356:A:TRP:HZ2	1:359:A:LYS:HE3	10	0.34
(1,99)	1:375:A:LEU:HB2	1:378:A:ASN:HB2	10	0.34
(1,99)	1:375:A:LEU:HB3	1:378:A:ASN:HB2	10	0.34
(1,47)	1:418:A:THR:HG21	1:419:A:PRO:HB3	8	0.34
(1,47)	1:418:A:THR:HG22	1:419:A:PRO:HB3	8	0.34
(1,47)	1:418:A:THR:HG23	1:419:A:PRO:HB3	8	0.34
(1,11)	1:376:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HE1	5	0.34
(1,11)	1:376:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HE2	5	0.34
(1,11)	1:376:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HE3	5	0.34
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD11	1:390:A:MET:HE1	9	0.33
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD11	1:390:A:MET:HE2	9	0.33
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD11	1:390:A:MET:HE3	9	0.33
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD12	1:390:A:MET:HE1	9	0.33
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD12	1:390:A:MET:HE2	9	0.33
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD12	1:390:A:MET:HE3	9	0.33
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD13	1:390:A:MET:HE1	9	0.33
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD13	1:390:A:MET:HE2	9	0.33
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD13	1:390:A:MET:HE3	9	0.33
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD21	1:390:A:MET:HE1	9	0.33
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD21	1:390:A:MET:HE2	9	0.33
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD21	1:390:A:MET:HE3	9	0.33
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD22	1:390:A:MET:HE1	9	0.33
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD22	1:390:A:MET:HE2	9	0.33
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD22	1:390:A:MET:HE3	9	0.33
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD23	1:390:A:MET:HE1	9	0.33
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD23	1:390:A:MET:HE2	9	0.33
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD23	1:390:A:MET:HE3	9	0.33
(1,1396)	1:369:A:PRO:HG2	1:411:A:LEU:HD11	7	0.33
(1,1396)	1:369:A:PRO:HG2	1:411:A:LEU:HD12	7	0.33
(1,1396)	1:369:A:PRO:HG2	1:411:A:LEU:HD13	7	0.33
(1,1396)	1:369:A:PRO:HG2	1:411:A:LEU:HD21	7	0.33
(1,1396)	1:369:A:PRO:HG2	1:411:A:LEU:HD22	7	0.33
(1,1396)	1:369:A:PRO:HG2	1:411:A:LEU:HD23	7	0.33
(1,1396)	1:369:A:PRO:HG3	1:411:A:LEU:HD11	7	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1396)	1:369:A:PRO:HG3	1:411:A:LEU:HD12	7	0.33
(1,1396)	1:369:A:PRO:HG3	1:411:A:LEU:HD13	7	0.33
(1,1396)	1:369:A:PRO:HG3	1:411:A:LEU:HD21	7	0.33
(1,1396)	1:369:A:PRO:HG3	1:411:A:LEU:HD22	7	0.33
(1,1396)	1:369:A:PRO:HG3	1:411:A:LEU:HD23	7	0.33
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD21	1	0.33
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD22	1	0.33
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD23	1	0.33
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD11	1	0.33
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD12	1	0.33
(1,1217)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HD13	1	0.33
(1,1214)	1:340:A:TYR:HB2	1:340:A:TYR:HE2	1	0.33
(1,1140)	1:375:A:LEU:HA	1:378:A:ASN:HD22	9	0.33
(1,973)	1:394:A:LEU:H	1:394:A:LEU:HG	4	0.33
(1,866)	1:352:A:ASN:H	1:352:A:ASN:HD21	2	0.33
(1,804)	1:355:A:ARG:HB2	1:365:A:ARG:H	8	0.33
(1,804)	1:355:A:ARG:HB3	1:365:A:ARG:H	8	0.33
(1,640)	1:406:A:GLU:H	1:413:A:PHE:HA	8	0.33
(1,567)	1:386:A:THR:HG21	1:387:A:TYR:HB3	7	0.33
(1,567)	1:386:A:THR:HG22	1:387:A:TYR:HB3	7	0.33
(1,567)	1:386:A:THR:HG23	1:387:A:TYR:HB3	7	0.33
(1,435)	1:370:A:ASN:HA	1:387:A:TYR:HB2	1	0.33
(1,421)	1:405:A:LYS:HA	1:413:A:PHE:HB3	8	0.33
(1,411)	1:365:A:ARG:HD3	1:367:A:VAL:HA	4	0.33
(1,411)	1:365:A:ARG:HD2	1:367:A:VAL:HA	4	0.33
(1,398)	1:354:A:ILE:HA	1:366:A:ILE:HG21	6	0.33
(1,398)	1:354:A:ILE:HA	1:366:A:ILE:HG22	6	0.33
(1,398)	1:354:A:ILE:HA	1:366:A:ILE:HG23	6	0.33
(1,323)	1:345:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD11	2	0.33
(1,323)	1:345:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD12	2	0.33
(1,323)	1:345:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD13	2	0.33
(1,316)	1:354:A:ILE:HD11	1:355:A:ARG:H	3	0.33
(1,316)	1:354:A:ILE:HD12	1:355:A:ARG:H	3	0.33
(1,316)	1:354:A:ILE:HD13	1:355:A:ARG:H	3	0.33
(1,10)	1:376:A:TRP:HZ2	1:385:A:MET:HE1	8	0.33
(1,10)	1:376:A:TRP:HZ2	1:385:A:MET:HE2	8	0.33
(1,10)	1:376:A:TRP:HZ2	1:385:A:MET:HE3	8	0.33
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA2	1:385:A:MET:HE1	10	0.32
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA2	1:385:A:MET:HE2	10	0.32
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA2	1:385:A:MET:HE3	10	0.32
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE1	10	0.32
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE2	10	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE3	10	0.32
(1,1413)	1:372:A:LEU:HD11	1:376:A:TRP:H	4	0.32
(1,1413)	1:372:A:LEU:HD12	1:376:A:TRP:H	4	0.32
(1,1413)	1:372:A:LEU:HD13	1:376:A:TRP:H	4	0.32
(1,1413)	1:372:A:LEU:HD21	1:376:A:TRP:H	4	0.32
(1,1413)	1:372:A:LEU:HD22	1:376:A:TRP:H	4	0.32
(1,1413)	1:372:A:LEU:HD23	1:376:A:TRP:H	4	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD11	1:375:A:LEU:HD11	5	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD11	1:375:A:LEU:HD12	5	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD11	1:375:A:LEU:HD13	5	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD11	1:375:A:LEU:HD21	5	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD11	1:375:A:LEU:HD22	5	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD11	1:375:A:LEU:HD23	5	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD12	1:375:A:LEU:HD11	5	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD12	1:375:A:LEU:HD12	5	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD12	1:375:A:LEU:HD13	5	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD12	1:375:A:LEU:HD21	5	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD12	1:375:A:LEU:HD22	5	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD12	1:375:A:LEU:HD23	5	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD13	1:375:A:LEU:HD11	5	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD13	1:375:A:LEU:HD12	5	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD13	1:375:A:LEU:HD13	5	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD13	1:375:A:LEU:HD21	5	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD13	1:375:A:LEU:HD22	5	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD13	1:375:A:LEU:HD23	5	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD21	1:375:A:LEU:HD11	5	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD21	1:375:A:LEU:HD12	5	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD21	1:375:A:LEU:HD13	5	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD21	1:375:A:LEU:HD21	5	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD21	1:375:A:LEU:HD22	5	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD21	1:375:A:LEU:HD23	5	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD22	1:375:A:LEU:HD11	5	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD22	1:375:A:LEU:HD12	5	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD22	1:375:A:LEU:HD13	5	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD22	1:375:A:LEU:HD21	5	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD22	1:375:A:LEU:HD22	5	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD22	1:375:A:LEU:HD23	5	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD23	1:375:A:LEU:HD11	5	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD23	1:375:A:LEU:HD12	5	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD23	1:375:A:LEU:HD13	5	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD23	1:375:A:LEU:HD21	5	0.32
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD23	1:375:A:LEU:HD22	5	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD23	1:375:A:LEU:HD23	5	0.32
(1,1377)	1:361:A:SER:H	1:362:A:LYS:HG2	10	0.32
(1,1377)	1:361:A:SER:H	1:362:A:LYS:HG3	10	0.32
(1,1370)	1:354:A:ILE:H	1:375:A:LEU:HD11	10	0.32
(1,1370)	1:354:A:ILE:H	1:375:A:LEU:HD12	10	0.32
(1,1370)	1:354:A:ILE:H	1:375:A:LEU:HD13	10	0.32
(1,1370)	1:354:A:ILE:H	1:375:A:LEU:HD21	10	0.32
(1,1370)	1:354:A:ILE:H	1:375:A:LEU:HD22	10	0.32
(1,1370)	1:354:A:ILE:H	1:375:A:LEU:HD23	10	0.32
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD11	1:367:A:VAL:HG21	8	0.32
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD11	1:367:A:VAL:HG22	8	0.32
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD11	1:367:A:VAL:HG23	8	0.32
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD12	1:367:A:VAL:HG21	8	0.32
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD12	1:367:A:VAL:HG22	8	0.32
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD12	1:367:A:VAL:HG23	8	0.32
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD13	1:367:A:VAL:HG21	8	0.32
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD13	1:367:A:VAL:HG22	8	0.32
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD13	1:367:A:VAL:HG23	8	0.32
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD21	1:367:A:VAL:HG21	8	0.32
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD21	1:367:A:VAL:HG22	8	0.32
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD21	1:367:A:VAL:HG23	8	0.32
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD22	1:367:A:VAL:HG21	8	0.32
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD22	1:367:A:VAL:HG22	8	0.32
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD22	1:367:A:VAL:HG23	8	0.32
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD23	1:367:A:VAL:HG21	8	0.32
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD23	1:367:A:VAL:HG22	8	0.32
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD23	1:367:A:VAL:HG23	8	0.32
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD11	1:390:A:MET:HE1	1	0.32
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD11	1:390:A:MET:HE2	1	0.32
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD11	1:390:A:MET:HE3	1	0.32
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD12	1:390:A:MET:HE1	1	0.32
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD12	1:390:A:MET:HE2	1	0.32
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD12	1:390:A:MET:HE3	1	0.32
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD13	1:390:A:MET:HE1	1	0.32
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD13	1:390:A:MET:HE2	1	0.32
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD13	1:390:A:MET:HE3	1	0.32
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD21	1:390:A:MET:HE1	1	0.32
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD21	1:390:A:MET:HE2	1	0.32
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD21	1:390:A:MET:HE3	1	0.32
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD22	1:390:A:MET:HE1	1	0.32
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD22	1:390:A:MET:HE2	1	0.32
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD22	1:390:A:MET:HE3	1	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD23	1:390:A:MET:HE1	1	0.32
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD23	1:390:A:MET:HE2	1	0.32
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD23	1:390:A:MET:HE3	1	0.32
(1,1218)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HG	6	0.32
(1,1214)	1:340:A:TYR:HB2	1:340:A:TYR:HE2	6	0.32
(1,1214)	1:340:A:TYR:HB2	1:340:A:TYR:HE2	8	0.32
(1,1191)	1:336:A:LEU:HB2	1:338:A:TRP:HD1	10	0.32
(1,1191)	1:336:A:LEU:HB3	1:338:A:TRP:HD1	10	0.32
(1,1114)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG21	1	0.32
(1,1114)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG22	1	0.32
(1,1114)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG23	1	0.32
(1,1104)	1:354:A:ILE:H	1:366:A:ILE:HA	8	0.32
(1,1009)	1:412:A:LEU:H	1:413:A:PHE:HZ	1	0.32
(1,872)	1:352:A:ASN:H	1:354:A:ILE:HG21	5	0.32
(1,872)	1:352:A:ASN:H	1:354:A:ILE:HG22	5	0.32
(1,872)	1:352:A:ASN:H	1:354:A:ILE:HG23	5	0.32
(1,844)	1:359:A:LYS:HA	1:361:A:SER:H	3	0.32
(1,763)	1:364:A:PHE:HD1	1:413:A:PHE:H	10	0.32
(1,712)	1:404:A:ARG:H	1:416:A:MET:HG2	7	0.32
(1,712)	1:404:A:ARG:H	1:416:A:MET:HG3	7	0.32
(1,703)	1:404:A:ARG:H	1:413:A:PHE:HD2	3	0.32
(1,673)	1:365:A:ARG:HD2	1:366:A:ILE:H	3	0.32
(1,666)	1:366:A:ILE:H	1:413:A:PHE:HZ	5	0.32
(1,483)	1:363:A:ILE:HD11	1:414:A:ARG:HG2	4	0.32
(1,483)	1:363:A:ILE:HD11	1:414:A:ARG:HG3	4	0.32
(1,483)	1:363:A:ILE:HD12	1:414:A:ARG:HG2	4	0.32
(1,483)	1:363:A:ILE:HD12	1:414:A:ARG:HG3	4	0.32
(1,483)	1:363:A:ILE:HD13	1:414:A:ARG:HG2	4	0.32
(1,483)	1:363:A:ILE:HD13	1:414:A:ARG:HG3	4	0.32
(1,384)	1:363:A:ILE:HG21	1:412:A:LEU:HA	7	0.32
(1,384)	1:363:A:ILE:HG22	1:412:A:LEU:HA	7	0.32
(1,384)	1:363:A:ILE:HG23	1:412:A:LEU:HA	7	0.32
(1,330)	1:358:A:ASP:HA	1:361:A:SER:HB2	10	0.32
(1,327)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD11	6	0.32
(1,327)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD12	6	0.32
(1,327)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD13	6	0.32
(1,296)	1:340:A:TYR:HA	1:340:A:TYR:HD2	8	0.32
(1,173)	1:353:A:PHE:HA	1:368:A:ASP:HA	7	0.32
(1,149)	1:355:A:ARG:HD2	1:356:A:TRP:H	6	0.32
(1,149)	1:355:A:ARG:HD3	1:356:A:TRP:H	6	0.32
(1,118)	1:353:A:PHE:HB3	1:372:A:LEU:HG	9	0.32
(1,73)	1:388:A:GLU:HA	1:388:A:GLU:HG2	3	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,73)	1:388:A:GLU:HA	1:388:A:GLU:HG3	3	0.32
(1,47)	1:418:A:THR:HG21	1:419:A:PRO:HB3	10	0.32
(1,47)	1:418:A:THR:HG22	1:419:A:PRO:HB3	10	0.32
(1,47)	1:418:A:THR:HG23	1:419:A:PRO:HB3	10	0.32
(1,1512)	1:410:A:ARG:HA	1:411:A:LEU:HD11	1	0.31
(1,1512)	1:410:A:ARG:HA	1:411:A:LEU:HD12	1	0.31
(1,1512)	1:410:A:ARG:HA	1:411:A:LEU:HD13	1	0.31
(1,1512)	1:410:A:ARG:HA	1:411:A:LEU:HD21	1	0.31
(1,1512)	1:410:A:ARG:HA	1:411:A:LEU:HD22	1	0.31
(1,1512)	1:410:A:ARG:HA	1:411:A:LEU:HD23	1	0.31
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD11	1:375:A:LEU:HD11	10	0.31
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD11	1:375:A:LEU:HD12	10	0.31
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD11	1:375:A:LEU:HD13	10	0.31
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD11	1:375:A:LEU:HD21	10	0.31
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD11	1:375:A:LEU:HD22	10	0.31
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD11	1:375:A:LEU:HD23	10	0.31
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD12	1:375:A:LEU:HD11	10	0.31
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD12	1:375:A:LEU:HD12	10	0.31
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD12	1:375:A:LEU:HD13	10	0.31
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD12	1:375:A:LEU:HD21	10	0.31
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD12	1:375:A:LEU:HD22	10	0.31
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD12	1:375:A:LEU:HD23	10	0.31
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD13	1:375:A:LEU:HD11	10	0.31
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD13	1:375:A:LEU:HD12	10	0.31
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD13	1:375:A:LEU:HD13	10	0.31
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD13	1:375:A:LEU:HD21	10	0.31
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD13	1:375:A:LEU:HD22	10	0.31
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD13	1:375:A:LEU:HD23	10	0.31
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD21	1:375:A:LEU:HD11	10	0.31
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD21	1:375:A:LEU:HD12	10	0.31
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD21	1:375:A:LEU:HD13	10	0.31
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD21	1:375:A:LEU:HD21	10	0.31
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD21	1:375:A:LEU:HD22	10	0.31
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD21	1:375:A:LEU:HD23	10	0.31
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD22	1:375:A:LEU:HD11	10	0.31
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD22	1:375:A:LEU:HD12	10	0.31
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD22	1:375:A:LEU:HD13	10	0.31
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD22	1:375:A:LEU:HD21	10	0.31
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD22	1:375:A:LEU:HD22	10	0.31
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD22	1:375:A:LEU:HD23	10	0.31
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD23	1:375:A:LEU:HD11	10	0.31
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD23	1:375:A:LEU:HD12	10	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD23	1:375:A:LEU:HD13	10	0.31
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD23	1:375:A:LEU:HD21	10	0.31
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD23	1:375:A:LEU:HD22	10	0.31
(1,1412)	1:372:A:LEU:HD23	1:375:A:LEU:HD23	10	0.31
(1,1410)	1:372:A:LEU:HD11	1:375:A:LEU:H	7	0.31
(1,1410)	1:372:A:LEU:HD12	1:375:A:LEU:H	7	0.31
(1,1410)	1:372:A:LEU:HD13	1:375:A:LEU:H	7	0.31
(1,1410)	1:372:A:LEU:HD21	1:375:A:LEU:H	7	0.31
(1,1410)	1:372:A:LEU:HD22	1:375:A:LEU:H	7	0.31
(1,1410)	1:372:A:LEU:HD23	1:375:A:LEU:H	7	0.31
(1,1390)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD11	7	0.31
(1,1390)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD12	7	0.31
(1,1390)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD13	7	0.31
(1,1390)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD21	7	0.31
(1,1390)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD22	7	0.31
(1,1390)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD23	7	0.31
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD11	4	0.31
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD12	4	0.31
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD13	4	0.31
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD21	4	0.31
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD22	4	0.31
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD23	4	0.31
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD11	5	0.31
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD12	5	0.31
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD13	5	0.31
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD21	5	0.31
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD22	5	0.31
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD23	5	0.31
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD11	1:357:A:GLU:H	9	0.31
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD12	1:357:A:GLU:H	9	0.31
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD13	1:357:A:GLU:H	9	0.31
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD21	1:357:A:GLU:H	9	0.31
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD22	1:357:A:GLU:H	9	0.31
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD23	1:357:A:GLU:H	9	0.31
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HD2	1	0.31
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HD3	1	0.31
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HD2	1	0.31
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HD3	1	0.31
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HD2	1	0.31
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HD3	1	0.31
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HD2	1	0.31
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HD3	1	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HD2	1	0.31
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HD3	1	0.31
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HD2	1	0.31
(1,1329)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HD3	1	0.31
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD11	1:341:A:VAL:HA	9	0.31
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD12	1:341:A:VAL:HA	9	0.31
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD13	1:341:A:VAL:HA	9	0.31
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD21	1:341:A:VAL:HA	9	0.31
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD22	1:341:A:VAL:HA	9	0.31
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD23	1:341:A:VAL:HA	9	0.31
(1,1186)	1:356:A:TRP:HD1	1:359:A:LYS:HE2	5	0.31
(1,1186)	1:356:A:TRP:HD1	1:359:A:LYS:HE3	5	0.31
(1,1176)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HB	7	0.31
(1,948)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD11	10	0.31
(1,948)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD12	10	0.31
(1,948)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD13	10	0.31
(1,911)	1:366:A:ILE:HG21	1:368:A:ASP:H	6	0.31
(1,911)	1:366:A:ILE:HG22	1:368:A:ASP:H	6	0.31
(1,911)	1:366:A:ILE:HG23	1:368:A:ASP:H	6	0.31
(1,896)	1:353:A:PHE:H	1:354:A:ILE:HB	2	0.31
(1,762)	1:413:A:PHE:H	1:413:A:PHE:HD1	1	0.31
(1,762)	1:413:A:PHE:H	1:413:A:PHE:HD1	5	0.31
(1,604)	1:376:A:TRP:HE1	1:393:A:ALA:HB1	8	0.31
(1,604)	1:376:A:TRP:HE1	1:393:A:ALA:HB2	8	0.31
(1,604)	1:376:A:TRP:HE1	1:393:A:ALA:HB3	8	0.31
(1,569)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG11	9	0.31
(1,569)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG12	9	0.31
(1,569)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG13	9	0.31
(1,559)	1:417:A:LYS:HE2	1:418:A:THR:HG21	3	0.31
(1,559)	1:417:A:LYS:HE2	1:418:A:THR:HG22	3	0.31
(1,559)	1:417:A:LYS:HE2	1:418:A:THR:HG23	3	0.31
(1,559)	1:417:A:LYS:HE3	1:418:A:THR:HG21	3	0.31
(1,559)	1:417:A:LYS:HE3	1:418:A:THR:HG22	3	0.31
(1,559)	1:417:A:LYS:HE3	1:418:A:THR:HG23	3	0.31
(1,472)	1:354:A:ILE:HG12	1:367:A:VAL:H	5	0.31
(1,197)	1:363:A:ILE:HD11	1:414:A:ARG:HA	6	0.31
(1,197)	1:363:A:ILE:HD12	1:414:A:ARG:HA	6	0.31
(1,197)	1:363:A:ILE:HD13	1:414:A:ARG:HA	6	0.31
(1,36)	1:376:A:TRP:H	1:390:A:MET:HE1	3	0.31
(1,36)	1:376:A:TRP:H	1:390:A:MET:HE2	3	0.31
(1,36)	1:376:A:TRP:H	1:390:A:MET:HE3	3	0.31
(1,32)	1:373:A:ALA:H	1:390:A:MET:HE1	4	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,32)	1:373:A:ALA:H	1:390:A:MET:HE2	4	0.31
(1,32)	1:373:A:ALA:H	1:390:A:MET:HE3	4	0.31
(1,19)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG21	3	0.31
(1,19)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG22	3	0.31
(1,19)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG23	3	0.31
(1,19)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG21	8	0.31
(1,19)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG22	8	0.31
(1,19)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG23	8	0.31
(1,10)	1:376:A:TRP:HZ2	1:385:A:MET:HE1	7	0.31
(1,10)	1:376:A:TRP:HZ2	1:385:A:MET:HE2	7	0.31
(1,10)	1:376:A:TRP:HZ2	1:385:A:MET:HE3	7	0.31
(1,1522)	1:416:A:MET:H	1:417:A:LYS:HB2	2	0.3
(1,1522)	1:416:A:MET:H	1:417:A:LYS:HB3	2	0.3
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD11	1:357:A:GLU:H	3	0.3
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD12	1:357:A:GLU:H	3	0.3
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD13	1:357:A:GLU:H	3	0.3
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD21	1:357:A:GLU:H	3	0.3
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD22	1:357:A:GLU:H	3	0.3
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD23	1:357:A:GLU:H	3	0.3
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD11	1:390:A:MET:HE1	4	0.3
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD11	1:390:A:MET:HE2	4	0.3
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD11	1:390:A:MET:HE3	4	0.3
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD12	1:390:A:MET:HE1	4	0.3
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD12	1:390:A:MET:HE2	4	0.3
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD12	1:390:A:MET:HE3	4	0.3
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD13	1:390:A:MET:HE1	4	0.3
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD13	1:390:A:MET:HE2	4	0.3
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD13	1:390:A:MET:HE3	4	0.3
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD21	1:390:A:MET:HE1	4	0.3
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD21	1:390:A:MET:HE2	4	0.3
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD21	1:390:A:MET:HE3	4	0.3
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD22	1:390:A:MET:HE1	4	0.3
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD22	1:390:A:MET:HE2	4	0.3
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD22	1:390:A:MET:HE3	4	0.3
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD23	1:390:A:MET:HE1	4	0.3
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD23	1:390:A:MET:HE2	4	0.3
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD23	1:390:A:MET:HE3	4	0.3
(1,1250)	1:337:A:LEU:HB2	1:341:A:VAL:HB	1	0.3
(1,1250)	1:337:A:LEU:HB3	1:341:A:VAL:HB	1	0.3
(1,1216)	1:340:A:TYR:HE2	1:379:A:HIS:HB2	4	0.3
(1,1216)	1:340:A:TYR:HE2	1:379:A:HIS:HB3	4	0.3
(1,1214)	1:340:A:TYR:HB2	1:340:A:TYR:HE2	3	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1174)	1:394:A:LEU:HG	1:397:A:TYR:HD2	5	0.3
(1,1160)	1:387:A:TYR:HB2	1:387:A:TYR:HD2	8	0.3
(1,1130)	1:340:A:TYR:H	1:340:A:TYR:HD2	8	0.3
(1,1110)	1:327:A:HIS:HE1	1:328:A:MET:H	8	0.3
(1,1104)	1:354:A:ILE:H	1:366:A:ILE:HA	3	0.3
(1,1038)	1:358:A:ASP:HA	1:360:A:GLU:H	2	0.3
(1,1036)	1:403:A:ILE:HA	1:414:A:ARG:H	10	0.3
(1,982)	1:394:A:LEU:H	1:396:A:HIS:HB2	9	0.3
(1,982)	1:394:A:LEU:H	1:396:A:HIS:HB3	9	0.3
(1,844)	1:359:A:LYS:HA	1:361:A:SER:H	6	0.3
(1,722)	1:349:A:ARG:H	1:349:A:ARG:HG2	4	0.3
(1,722)	1:349:A:ARG:H	1:349:A:ARG:HG3	4	0.3
(1,673)	1:365:A:ARG:HD2	1:366:A:ILE:H	8	0.3
(1,574)	1:353:A:PHE:HA	1:367:A:VAL:HG11	10	0.3
(1,574)	1:353:A:PHE:HA	1:367:A:VAL:HG12	10	0.3
(1,574)	1:353:A:PHE:HA	1:367:A:VAL:HG13	10	0.3
(1,528)	1:362:A:LYS:H	1:362:A:LYS:HG3	10	0.3
(1,504)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD21	6	0.3
(1,504)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD22	6	0.3
(1,504)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD23	6	0.3
(1,449)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:HA	1	0.3
(1,448)	1:374:A:ARG:H	1:385:A:MET:HB3	10	0.3
(1,361)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG21	5	0.3
(1,361)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG22	5	0.3
(1,361)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HG23	5	0.3
(1,327)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD11	7	0.3
(1,327)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD12	7	0.3
(1,327)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD13	7	0.3
(1,300)	1:383:A:THR:HA	1:385:A:MET:H	7	0.3
(1,233)	1:397:A:TYR:HA	1:397:A:TYR:HD1	2	0.3
(1,46)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:HG21	7	0.3
(1,46)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:HG22	7	0.3
(1,46)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:HG23	7	0.3
(1,20)	1:345:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG21	1	0.3
(1,20)	1:345:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG22	1	0.3
(1,20)	1:345:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG23	1	0.3
(1,14)	1:345:A:LEU:HA	1:354:A:ILE:HG21	10	0.3
(1,14)	1:345:A:LEU:HA	1:354:A:ILE:HG22	10	0.3
(1,14)	1:345:A:LEU:HA	1:354:A:ILE:HG23	10	0.3
(1,1512)	1:410:A:ARG:HA	1:411:A:LEU:HD11	4	0.29
(1,1512)	1:410:A:ARG:HA	1:411:A:LEU:HD12	4	0.29
(1,1512)	1:410:A:ARG:HA	1:411:A:LEU:HD13	4	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1512)	1:410:A:ARG:HA	1:411:A:LEU:HD21	4	0.29
(1,1512)	1:410:A:ARG:HA	1:411:A:LEU:HD22	4	0.29
(1,1512)	1:410:A:ARG:HA	1:411:A:LEU:HD23	4	0.29
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA2	1:385:A:MET:HE1	1	0.29
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA2	1:385:A:MET:HE2	1	0.29
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA2	1:385:A:MET:HE3	1	0.29
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE1	1	0.29
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE2	1	0.29
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE3	1	0.29
(1,1374)	1:357:A:GLU:HG2	1:363:A:ILE:HG21	9	0.29
(1,1374)	1:357:A:GLU:HG2	1:363:A:ILE:HG22	9	0.29
(1,1374)	1:357:A:GLU:HG2	1:363:A:ILE:HG23	9	0.29
(1,1374)	1:357:A:GLU:HG3	1:363:A:ILE:HG21	9	0.29
(1,1374)	1:357:A:GLU:HG3	1:363:A:ILE:HG22	9	0.29
(1,1374)	1:357:A:GLU:HG3	1:363:A:ILE:HG23	9	0.29
(1,1360)	1:352:A:ASN:HB2	1:367:A:VAL:HB	8	0.29
(1,1360)	1:352:A:ASN:HB3	1:367:A:VAL:HB	8	0.29
(1,1325)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:H	6	0.29
(1,1325)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:H	6	0.29
(1,1325)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:H	6	0.29
(1,1325)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:H	6	0.29
(1,1325)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:H	6	0.29
(1,1325)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:H	6	0.29
(1,1222)	1:366:A:ILE:HG12	1:387:A:TYR:HE2	9	0.29
(1,1222)	1:366:A:ILE:HG13	1:387:A:TYR:HE2	9	0.29
(1,1160)	1:387:A:TYR:HB2	1:387:A:TYR:HD2	2	0.29
(1,1160)	1:387:A:TYR:HB2	1:387:A:TYR:HD2	3	0.29
(1,1127)	1:348:A:SER:H	1:350:A:TYR:H	4	0.29
(1,1057)	1:373:A:ALA:H	1:376:A:TRP:HB2	4	0.29
(1,1057)	1:373:A:ALA:H	1:376:A:TRP:HB3	4	0.29
(1,1011)	1:388:A:GLU:HG2	1:389:A:LYS:H	7	0.29
(1,1011)	1:388:A:GLU:HG3	1:389:A:LYS:H	7	0.29
(1,896)	1:353:A:PHE:H	1:354:A:ILE:HB	5	0.29
(1,844)	1:359:A:LYS:HA	1:361:A:SER:H	5	0.29
(1,684)	1:398:A:TYR:HE1	1:405:A:LYS:H	10	0.29
(1,643)	1:406:A:GLU:H	1:413:A:PHE:HB3	9	0.29
(1,517)	1:355:A:ARG:HG2	1:367:A:VAL:HG21	4	0.29
(1,517)	1:355:A:ARG:HG2	1:367:A:VAL:HG22	4	0.29
(1,517)	1:355:A:ARG:HG2	1:367:A:VAL:HG23	4	0.29
(1,517)	1:355:A:ARG:HG3	1:367:A:VAL:HG21	4	0.29
(1,517)	1:355:A:ARG:HG3	1:367:A:VAL:HG22	4	0.29
(1,517)	1:355:A:ARG:HG3	1:367:A:VAL:HG23	4	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,448)	1:374:A:ARG:H	1:385:A:MET:HB3	9	0.29
(1,410)	1:353:A:PHE:HA	1:367:A:VAL:HA	8	0.29
(1,335)	1:361:A:SER:HB3	1:363:A:ILE:HB	3	0.29
(1,316)	1:354:A:ILE:HD11	1:355:A:ARG:H	7	0.29
(1,316)	1:354:A:ILE:HD12	1:355:A:ARG:H	7	0.29
(1,316)	1:354:A:ILE:HD13	1:355:A:ARG:H	7	0.29
(1,296)	1:340:A:TYR:HA	1:340:A:TYR:HD2	1	0.29
(1,248)	1:376:A:TRP:HD1	1:390:A:MET:HA	7	0.29
(1,230)	1:376:A:TRP:HA	1:376:A:TRP:HZ3	7	0.29
(1,203)	1:345:A:LEU:HG	1:355:A:ARG:HA	1	0.29
(1,121)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HB2	4	0.29
(1,121)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HB3	4	0.29
(1,61)	1:343:A:GLN:H	1:343:A:GLN:HG2	3	0.29
(1,61)	1:343:A:GLN:H	1:343:A:GLN:HG3	3	0.29
(1,48)	1:385:A:MET:HB2	1:386:A:THR:HA	8	0.29
(1,20)	1:345:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG21	10	0.29
(1,20)	1:345:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG22	10	0.29
(1,20)	1:345:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG23	10	0.29
(1,11)	1:376:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HE1	4	0.29
(1,11)	1:376:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HE2	4	0.29
(1,11)	1:376:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HE3	4	0.29
(1,1376)	1:359:A:LYS:HA	1:362:A:LYS:HG2	9	0.28
(1,1376)	1:359:A:LYS:HA	1:362:A:LYS:HG3	9	0.28
(1,1340)	1:345:A:LEU:HD11	1:365:A:ARG:H	1	0.28
(1,1340)	1:345:A:LEU:HD12	1:365:A:ARG:H	1	0.28
(1,1340)	1:345:A:LEU:HD13	1:365:A:ARG:H	1	0.28
(1,1340)	1:345:A:LEU:HD21	1:365:A:ARG:H	1	0.28
(1,1340)	1:345:A:LEU:HD22	1:365:A:ARG:H	1	0.28
(1,1340)	1:345:A:LEU:HD23	1:365:A:ARG:H	1	0.28
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD11	1:357:A:GLU:H	1	0.28
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD12	1:357:A:GLU:H	1	0.28
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD13	1:357:A:GLU:H	1	0.28
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD21	1:357:A:GLU:H	1	0.28
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD22	1:357:A:GLU:H	1	0.28
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD23	1:357:A:GLU:H	1	0.28
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HG2	8	0.28
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HG3	8	0.28
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HG2	8	0.28
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HG3	8	0.28
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HG2	8	0.28
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HG3	8	0.28
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HG2	8	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HG3	8	0.28
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HG2	8	0.28
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HG3	8	0.28
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HG2	8	0.28
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HG3	8	0.28
(1,1234)	1:327:A:HIS:HB2	1:328:A:MET:H	7	0.28
(1,1234)	1:327:A:HIS:HB3	1:328:A:MET:H	7	0.28
(1,1204)	1:398:A:TYR:HE1	1:404:A:ARG:HA	9	0.28
(1,1160)	1:387:A:TYR:HB2	1:387:A:TYR:HD2	6	0.28
(1,1130)	1:340:A:TYR:H	1:340:A:TYR:HD2	2	0.28
(1,1130)	1:340:A:TYR:H	1:340:A:TYR:HD2	10	0.28
(1,1104)	1:354:A:ILE:H	1:366:A:ILE:HA	10	0.28
(1,1070)	1:417:A:LYS:HE2	1:421:A:GLU:H	1	0.28
(1,1070)	1:417:A:LYS:HE3	1:421:A:GLU:H	1	0.28
(1,1057)	1:373:A:ALA:H	1:376:A:TRP:HB2	2	0.28
(1,1057)	1:373:A:ALA:H	1:376:A:TRP:HB3	2	0.28
(1,896)	1:353:A:PHE:H	1:354:A:ILE:HB	1	0.28
(1,895)	1:353:A:PHE:H	1:354:A:ILE:HG21	4	0.28
(1,895)	1:353:A:PHE:H	1:354:A:ILE:HG22	4	0.28
(1,895)	1:353:A:PHE:H	1:354:A:ILE:HG23	4	0.28
(1,702)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:H	7	0.28
(1,701)	1:363:A:ILE:HD11	1:415:A:PHE:H	5	0.28
(1,701)	1:363:A:ILE:HD12	1:415:A:PHE:H	5	0.28
(1,701)	1:363:A:ILE:HD13	1:415:A:PHE:H	5	0.28
(1,503)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD21	8	0.28
(1,503)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD22	8	0.28
(1,503)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD23	8	0.28
(1,495)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD11	7	0.28
(1,495)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD12	7	0.28
(1,495)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD13	7	0.28
(1,378)	1:337:A:LEU:HG	1:393:A:ALA:HB1	8	0.28
(1,378)	1:337:A:LEU:HG	1:393:A:ALA:HB2	8	0.28
(1,378)	1:337:A:LEU:HG	1:393:A:ALA:HB3	8	0.28
(1,376)	1:373:A:ALA:HB1	1:376:A:TRP:HB3	2	0.28
(1,376)	1:373:A:ALA:HB2	1:376:A:TRP:HB3	2	0.28
(1,376)	1:373:A:ALA:HB3	1:376:A:TRP:HB3	2	0.28
(1,359)	1:403:A:ILE:HG21	1:415:A:PHE:HE1	6	0.28
(1,359)	1:403:A:ILE:HG22	1:415:A:PHE:HE1	6	0.28
(1,359)	1:403:A:ILE:HG23	1:415:A:PHE:HE1	6	0.28
(1,296)	1:340:A:TYR:HA	1:340:A:TYR:HD2	7	0.28
(1,220)	1:356:A:TRP:HB2	1:359:A:LYS:HD2	2	0.28
(1,220)	1:356:A:TRP:HB2	1:359:A:LYS:HD3	2	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,199)	1:345:A:LEU:HA	1:355:A:ARG:HA	10	0.28
(1,182)	1:383:A:THR:HB	1:384:A:ASN:HA	7	0.28
(1,61)	1:343:A:GLN:H	1:343:A:GLN:HG2	1	0.28
(1,61)	1:343:A:GLN:H	1:343:A:GLN:HG3	1	0.28
(1,48)	1:385:A:MET:HB2	1:386:A:THR:HA	1	0.28
(1,1532)	1:420:A:ASP:HB2	1:421:A:GLU:H	4	0.27
(1,1532)	1:420:A:ASP:HB3	1:421:A:GLU:H	4	0.27
(1,1522)	1:416:A:MET:H	1:417:A:LYS:HB2	8	0.27
(1,1522)	1:416:A:MET:H	1:417:A:LYS:HB3	8	0.27
(1,1501)	1:406:A:GLU:HG2	1:412:A:LEU:HB2	1	0.27
(1,1501)	1:406:A:GLU:HG3	1:412:A:LEU:HB2	1	0.27
(1,1501)	1:406:A:GLU:HG2	1:412:A:LEU:HB3	1	0.27
(1,1501)	1:406:A:GLU:HG3	1:412:A:LEU:HB3	1	0.27
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA2	1:385:A:MET:HE1	9	0.27
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA2	1:385:A:MET:HE2	9	0.27
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA2	1:385:A:MET:HE3	9	0.27
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE1	9	0.27
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE2	9	0.27
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE3	9	0.27
(1,1234)	1:327:A:HIS:HB2	1:328:A:MET:H	4	0.27
(1,1234)	1:327:A:HIS:HB3	1:328:A:MET:H	4	0.27
(1,1202)	1:397:A:TYR:HA	1:397:A:TYR:HE1	9	0.27
(1,1201)	1:394:A:LEU:HG	1:397:A:TYR:HE2	3	0.27
(1,1172)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HG	9	0.27
(1,1057)	1:373:A:ALA:H	1:376:A:TRP:HB2	10	0.27
(1,1057)	1:373:A:ALA:H	1:376:A:TRP:HB3	10	0.27
(1,1035)	1:358:A:ASP:HB2	1:360:A:GLU:H	2	0.27
(1,1035)	1:358:A:ASP:HB3	1:360:A:GLU:H	2	0.27
(1,920)	1:362:A:LYS:H	1:362:A:LYS:HG2	2	0.27
(1,908)	1:366:A:ILE:HA	1:368:A:ASP:H	6	0.27
(1,846)	1:361:A:SER:H	1:363:A:ILE:HD11	1	0.27
(1,846)	1:361:A:SER:H	1:363:A:ILE:HD12	1	0.27
(1,846)	1:361:A:SER:H	1:363:A:ILE:HD13	1	0.27
(1,802)	1:354:A:ILE:HD11	1:365:A:ARG:H	3	0.27
(1,802)	1:354:A:ILE:HD12	1:365:A:ARG:H	3	0.27
(1,802)	1:354:A:ILE:HD13	1:365:A:ARG:H	3	0.27
(1,643)	1:406:A:GLU:H	1:413:A:PHE:HB3	5	0.27
(1,609)	1:398:A:TYR:H	1:403:A:ILE:H	7	0.27
(1,534)	1:345:A:LEU:HD11	1:364:A:PHE:HD2	5	0.27
(1,534)	1:345:A:LEU:HD12	1:364:A:PHE:HD2	5	0.27
(1,534)	1:345:A:LEU:HD13	1:364:A:PHE:HD2	5	0.27
(1,499)	1:369:A:PRO:HA	1:411:A:LEU:HD11	1	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,499)	1:369:A:PRO:HA	1:411:A:LEU:HD12	1	0.27
(1,499)	1:369:A:PRO:HA	1:411:A:LEU:HD13	1	0.27
(1,421)	1:405:A:LYS:HA	1:413:A:PHE:HB3	4	0.27
(1,393)	1:366:A:ILE:HG21	1:372:A:LEU:H	6	0.27
(1,393)	1:366:A:ILE:HG22	1:372:A:LEU:H	6	0.27
(1,393)	1:366:A:ILE:HG23	1:372:A:LEU:H	6	0.27
(1,393)	1:366:A:ILE:HG21	1:372:A:LEU:H	9	0.27
(1,393)	1:366:A:ILE:HG22	1:372:A:LEU:H	9	0.27
(1,393)	1:366:A:ILE:HG23	1:372:A:LEU:H	9	0.27
(1,380)	1:363:A:ILE:HG21	1:364:A:PHE:HD1	4	0.27
(1,380)	1:363:A:ILE:HG22	1:364:A:PHE:HD1	4	0.27
(1,380)	1:363:A:ILE:HG23	1:364:A:PHE:HD1	4	0.27
(1,121)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HB2	10	0.27
(1,121)	1:340:A:TYR:HE1	1:375:A:LEU:HB3	10	0.27
(1,1)	1:373:A:ALA:HB1	1:385:A:MET:HE1	6	0.27
(1,1)	1:373:A:ALA:HB1	1:385:A:MET:HE2	6	0.27
(1,1)	1:373:A:ALA:HB1	1:385:A:MET:HE3	6	0.27
(1,1)	1:373:A:ALA:HB2	1:385:A:MET:HE1	6	0.27
(1,1)	1:373:A:ALA:HB2	1:385:A:MET:HE2	6	0.27
(1,1)	1:373:A:ALA:HB2	1:385:A:MET:HE3	6	0.27
(1,1)	1:373:A:ALA:HB3	1:385:A:MET:HE1	6	0.27
(1,1)	1:373:A:ALA:HB3	1:385:A:MET:HE2	6	0.27
(1,1)	1:373:A:ALA:HB3	1:385:A:MET:HE3	6	0.27
(1,1502)	1:406:A:GLU:HG2	1:414:A:ARG:H	4	0.26
(1,1502)	1:406:A:GLU:HG3	1:414:A:ARG:H	4	0.26
(1,1410)	1:372:A:LEU:HD11	1:375:A:LEU:H	4	0.26
(1,1410)	1:372:A:LEU:HD12	1:375:A:LEU:H	4	0.26
(1,1410)	1:372:A:LEU:HD13	1:375:A:LEU:H	4	0.26
(1,1410)	1:372:A:LEU:HD21	1:375:A:LEU:H	4	0.26
(1,1410)	1:372:A:LEU:HD22	1:375:A:LEU:H	4	0.26
(1,1410)	1:372:A:LEU:HD23	1:375:A:LEU:H	4	0.26
(1,1363)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HD11	1	0.26
(1,1363)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HD12	1	0.26
(1,1363)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HD13	1	0.26
(1,1363)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HD21	1	0.26
(1,1363)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HD22	1	0.26
(1,1363)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HD23	1	0.26
(1,1363)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HD11	7	0.26
(1,1363)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HD12	7	0.26
(1,1363)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HD13	7	0.26
(1,1363)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HD21	7	0.26
(1,1363)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HD22	7	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1363)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HD23	7	0.26
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD11	3	0.26
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD12	3	0.26
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD13	3	0.26
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD21	3	0.26
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD22	3	0.26
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD23	3	0.26
(1,1321)	1:345:A:LEU:HD11	1:354:A:ILE:HA	3	0.26
(1,1321)	1:345:A:LEU:HD12	1:354:A:ILE:HA	3	0.26
(1,1321)	1:345:A:LEU:HD13	1:354:A:ILE:HA	3	0.26
(1,1321)	1:345:A:LEU:HD21	1:354:A:ILE:HA	3	0.26
(1,1321)	1:345:A:LEU:HD22	1:354:A:ILE:HA	3	0.26
(1,1321)	1:345:A:LEU:HD23	1:354:A:ILE:HA	3	0.26
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD11	1:338:A:TRP:HH2	4	0.26
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD12	1:338:A:TRP:HH2	4	0.26
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD13	1:338:A:TRP:HH2	4	0.26
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HH2	4	0.26
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HH2	4	0.26
(1,1246)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HH2	4	0.26
(1,1180)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HA	8	0.26
(1,1160)	1:387:A:TYR:HB2	1:387:A:TYR:HD2	10	0.26
(1,1145)	1:343:A:GLN:HA	1:343:A:GLN:HE22	6	0.26
(1,1108)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:H	5	0.26
(1,1107)	1:328:A:MET:H	1:329:A:GLY:HA2	1	0.26
(1,1107)	1:328:A:MET:H	1:329:A:GLY:HA3	1	0.26
(1,1084)	1:376:A:TRP:H	1:378:A:ASN:HB2	3	0.26
(1,977)	1:402:A:ILE:HG21	1:417:A:LYS:H	5	0.26
(1,977)	1:402:A:ILE:HG22	1:417:A:LYS:H	5	0.26
(1,977)	1:402:A:ILE:HG23	1:417:A:LYS:H	5	0.26
(1,946)	1:358:A:ASP:H	1:363:A:ILE:HG21	9	0.26
(1,946)	1:358:A:ASP:H	1:363:A:ILE:HG22	9	0.26
(1,946)	1:358:A:ASP:H	1:363:A:ILE:HG23	9	0.26
(1,936)	1:358:A:ASP:H	1:364:A:PHE:HA	6	0.26
(1,908)	1:366:A:ILE:HA	1:368:A:ASP:H	1	0.26
(1,897)	1:353:A:PHE:H	1:367:A:VAL:HB	9	0.26
(1,896)	1:353:A:PHE:H	1:354:A:ILE:HB	7	0.26
(1,893)	1:369:A:PRO:HB2	1:370:A:ASN:H	7	0.26
(1,820)	1:366:A:ILE:HG21	1:371:A:GLY:H	1	0.26
(1,820)	1:366:A:ILE:HG22	1:371:A:GLY:H	1	0.26
(1,820)	1:366:A:ILE:HG23	1:371:A:GLY:H	1	0.26
(1,798)	1:365:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HD3	9	0.26
(1,798)	1:365:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HD2	9	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,798)	1:365:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HD3	10	0.26
(1,798)	1:365:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HD2	10	0.26
(1,715)	1:349:A:ARG:H	1:351:A:GLU:H	6	0.26
(1,673)	1:365:A:ARG:HD2	1:366:A:ILE:H	5	0.26
(1,626)	1:355:A:ARG:H	1:367:A:VAL:H	2	0.26
(1,326)	1:341:A:VAL:HA	1:354:A:ILE:HD11	6	0.26
(1,326)	1:341:A:VAL:HA	1:354:A:ILE:HD12	6	0.26
(1,326)	1:341:A:VAL:HA	1:354:A:ILE:HD13	6	0.26
(1,296)	1:340:A:TYR:HA	1:340:A:TYR:HD2	4	0.26
(1,296)	1:340:A:TYR:HA	1:340:A:TYR:HD2	10	0.26
(1,200)	1:355:A:ARG:HA	1:355:A:ARG:HD2	8	0.26
(1,200)	1:355:A:ARG:HA	1:355:A:ARG:HD3	8	0.26
(1,48)	1:385:A:MET:HB2	1:386:A:THR:HA	7	0.26
(1,1502)	1:406:A:GLU:HG2	1:414:A:ARG:H	6	0.25
(1,1502)	1:406:A:GLU:HG3	1:414:A:ARG:H	6	0.25
(1,1501)	1:406:A:GLU:HG2	1:412:A:LEU:HB2	3	0.25
(1,1501)	1:406:A:GLU:HG3	1:412:A:LEU:HB2	3	0.25
(1,1501)	1:406:A:GLU:HG2	1:412:A:LEU:HB3	3	0.25
(1,1501)	1:406:A:GLU:HG3	1:412:A:LEU:HB3	3	0.25
(1,1468)	1:394:A:LEU:HD11	1:397:A:TYR:HE2	4	0.25
(1,1468)	1:394:A:LEU:HD12	1:397:A:TYR:HE2	4	0.25
(1,1468)	1:394:A:LEU:HD13	1:397:A:TYR:HE2	4	0.25
(1,1468)	1:394:A:LEU:HD21	1:397:A:TYR:HE2	4	0.25
(1,1468)	1:394:A:LEU:HD22	1:397:A:TYR:HE2	4	0.25
(1,1468)	1:394:A:LEU:HD23	1:397:A:TYR:HE2	4	0.25
(1,1435)	1:376:A:TRP:HH2	1:380:A:LYS:HE2	4	0.25
(1,1435)	1:376:A:TRP:HH2	1:380:A:LYS:HE3	4	0.25
(1,1360)	1:352:A:ASN:HB2	1:367:A:VAL:HB	2	0.25
(1,1360)	1:352:A:ASN:HB3	1:367:A:VAL:HB	2	0.25
(1,1332)	1:345:A:LEU:HD11	1:356:A:TRP:HB2	10	0.25
(1,1332)	1:345:A:LEU:HD12	1:356:A:TRP:HB2	10	0.25
(1,1332)	1:345:A:LEU:HD13	1:356:A:TRP:HB2	10	0.25
(1,1332)	1:345:A:LEU:HD21	1:356:A:TRP:HB2	10	0.25
(1,1332)	1:345:A:LEU:HD22	1:356:A:TRP:HB2	10	0.25
(1,1332)	1:345:A:LEU:HD23	1:356:A:TRP:HB2	10	0.25
(1,1250)	1:337:A:LEU:HB2	1:341:A:VAL:HB	9	0.25
(1,1250)	1:337:A:LEU:HB3	1:341:A:VAL:HB	9	0.25
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD11	1:338:A:TRP:HZ2	5	0.25
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD12	1:338:A:TRP:HZ2	5	0.25
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD13	1:338:A:TRP:HZ2	5	0.25
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HZ2	5	0.25
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HZ2	5	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HZ2	5	0.25
(1,1244)	1:336:A:LEU:HD11	1:338:A:TRP:HE1	2	0.25
(1,1244)	1:336:A:LEU:HD12	1:338:A:TRP:HE1	2	0.25
(1,1244)	1:336:A:LEU:HD13	1:338:A:TRP:HE1	2	0.25
(1,1244)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HE1	2	0.25
(1,1244)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HE1	2	0.25
(1,1244)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HE1	2	0.25
(1,1196)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD21	10	0.25
(1,1196)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD22	10	0.25
(1,1196)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD23	10	0.25
(1,1129)	1:398:A:TYR:H	1:402:A:ILE:HD11	2	0.25
(1,1129)	1:398:A:TYR:H	1:402:A:ILE:HD12	2	0.25
(1,1129)	1:398:A:TYR:H	1:402:A:ILE:HD13	2	0.25
(1,992)	1:359:A:LYS:HA	1:363:A:ILE:H	4	0.25
(1,943)	1:400:A:LEU:H	1:400:A:LEU:HG	7	0.25
(1,908)	1:366:A:ILE:HA	1:368:A:ASP:H	8	0.25
(1,762)	1:413:A:PHE:H	1:413:A:PHE:HD1	6	0.25
(1,712)	1:404:A:ARG:H	1:416:A:MET:HG2	9	0.25
(1,712)	1:404:A:ARG:H	1:416:A:MET:HG3	9	0.25
(1,702)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:H	6	0.25
(1,677)	1:366:A:ILE:H	1:366:A:ILE:HD11	4	0.25
(1,677)	1:366:A:ILE:H	1:366:A:ILE:HD12	4	0.25
(1,677)	1:366:A:ILE:H	1:366:A:ILE:HD13	4	0.25
(1,594)	1:346:A:SER:HB2	1:356:A:TRP:HE1	10	0.25
(1,594)	1:346:A:SER:HB3	1:356:A:TRP:HE1	10	0.25
(1,569)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG11	6	0.25
(1,569)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG12	6	0.25
(1,569)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG13	6	0.25
(1,504)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD21	4	0.25
(1,504)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD22	4	0.25
(1,504)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD23	4	0.25
(1,472)	1:354:A:ILE:HG12	1:367:A:VAL:H	10	0.25
(1,358)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HG21	1	0.25
(1,358)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HG22	1	0.25
(1,358)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HG23	1	0.25
(1,357)	1:332:A:ALA:HB1	1:333:A:ASP:HB2	7	0.25
(1,357)	1:332:A:ALA:HB1	1:333:A:ASP:HB3	7	0.25
(1,357)	1:332:A:ALA:HB2	1:333:A:ASP:HB2	7	0.25
(1,357)	1:332:A:ALA:HB2	1:333:A:ASP:HB3	7	0.25
(1,357)	1:332:A:ALA:HB3	1:333:A:ASP:HB2	7	0.25
(1,357)	1:332:A:ALA:HB3	1:333:A:ASP:HB3	7	0.25
(1,344)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG21	3	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,344)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG22	3	0.25
(1,344)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG23	3	0.25
(1,323)	1:345:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD11	9	0.25
(1,323)	1:345:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD12	9	0.25
(1,323)	1:345:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HD13	9	0.25
(1,296)	1:340:A:TYR:HA	1:340:A:TYR:HD2	6	0.25
(1,250)	1:358:A:ASP:H	1:359:A:LYS:HA	7	0.25
(1,230)	1:376:A:TRP:HA	1:376:A:TRP:HZ3	10	0.25
(1,226)	1:349:A:ARG:HA	1:351:A:GLU:H	6	0.25
(1,116)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HG	6	0.25
(1,19)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG21	6	0.25
(1,19)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG22	6	0.25
(1,19)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG23	6	0.25
(1,19)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG21	7	0.25
(1,19)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG22	7	0.25
(1,19)	1:344:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG23	7	0.25
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA2	1:385:A:MET:HE1	7	0.24
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA2	1:385:A:MET:HE2	7	0.24
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA2	1:385:A:MET:HE3	7	0.24
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE1	7	0.24
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE2	7	0.24
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE3	7	0.24
(1,1435)	1:376:A:TRP:HH2	1:380:A:LYS:HE2	3	0.24
(1,1435)	1:376:A:TRP:HH2	1:380:A:LYS:HE3	3	0.24
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD2	1:411:A:LEU:HD11	1	0.24
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD2	1:411:A:LEU:HD12	1	0.24
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD2	1:411:A:LEU:HD13	1	0.24
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD2	1:411:A:LEU:HD21	1	0.24
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD2	1:411:A:LEU:HD22	1	0.24
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD2	1:411:A:LEU:HD23	1	0.24
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD3	1:411:A:LEU:HD11	1	0.24
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD3	1:411:A:LEU:HD12	1	0.24
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD3	1:411:A:LEU:HD13	1	0.24
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD3	1:411:A:LEU:HD21	1	0.24
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD3	1:411:A:LEU:HD22	1	0.24
(1,1397)	1:369:A:PRO:HD3	1:411:A:LEU:HD23	1	0.24
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HG2	9	0.24
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HG3	9	0.24
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HG2	9	0.24
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HG3	9	0.24
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HG2	9	0.24
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HG3	9	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HG2	9	0.24
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HG3	9	0.24
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HG2	9	0.24
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HG3	9	0.24
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HG2	9	0.24
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HG3	9	0.24
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD11	8	0.24
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD12	8	0.24
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD13	8	0.24
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD21	8	0.24
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD22	8	0.24
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD23	8	0.24
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD11	1:338:A:TRP:HZ2	9	0.24
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD12	1:338:A:TRP:HZ2	9	0.24
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD13	1:338:A:TRP:HZ2	9	0.24
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HZ2	9	0.24
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HZ2	9	0.24
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HZ2	9	0.24
(1,1206)	1:397:A:TYR:HB2	1:398:A:TYR:HE2	2	0.24
(1,1202)	1:397:A:TYR:HA	1:397:A:TYR:HE1	4	0.24
(1,1160)	1:387:A:TYR:HB2	1:387:A:TYR:HD2	9	0.24
(1,1127)	1:348:A:SER:H	1:350:A:TYR:H	5	0.24
(1,1108)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:H	6	0.24
(1,999)	1:331:A:ILE:HG21	1:333:A:ASP:H	2	0.24
(1,999)	1:331:A:ILE:HG22	1:333:A:ASP:H	2	0.24
(1,999)	1:331:A:ILE:HG23	1:333:A:ASP:H	2	0.24
(1,992)	1:359:A:LYS:HA	1:363:A:ILE:H	5	0.24
(1,981)	1:374:A:ARG:H	1:374:A:ARG:HD2	2	0.24
(1,981)	1:374:A:ARG:H	1:374:A:ARG:HD3	2	0.24
(1,981)	1:374:A:ARG:H	1:374:A:ARG:HD2	4	0.24
(1,981)	1:374:A:ARG:H	1:374:A:ARG:HD3	4	0.24
(1,946)	1:358:A:ASP:H	1:363:A:ILE:HG21	6	0.24
(1,946)	1:358:A:ASP:H	1:363:A:ILE:HG22	6	0.24
(1,946)	1:358:A:ASP:H	1:363:A:ILE:HG23	6	0.24
(1,920)	1:362:A:LYS:H	1:362:A:LYS:HG2	4	0.24
(1,911)	1:366:A:ILE:HG21	1:368:A:ASP:H	7	0.24
(1,911)	1:366:A:ILE:HG22	1:368:A:ASP:H	7	0.24
(1,911)	1:366:A:ILE:HG23	1:368:A:ASP:H	7	0.24
(1,844)	1:359:A:LYS:HA	1:361:A:SER:H	1	0.24
(1,844)	1:359:A:LYS:HA	1:361:A:SER:H	2	0.24
(1,842)	1:358:A:ASP:HA	1:361:A:SER:H	2	0.24
(1,802)	1:354:A:ILE:HD11	1:365:A:ARG:H	8	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,802)	1:354:A:ILE:HD12	1:365:A:ARG:H	8	0.24
(1,802)	1:354:A:ILE:HD13	1:365:A:ARG:H	8	0.24
(1,798)	1:365:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HD3	2	0.24
(1,798)	1:365:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HD2	2	0.24
(1,798)	1:365:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HD3	3	0.24
(1,798)	1:365:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HD2	3	0.24
(1,483)	1:363:A:ILE:HD11	1:414:A:ARG:HG2	10	0.24
(1,483)	1:363:A:ILE:HD11	1:414:A:ARG:HG3	10	0.24
(1,483)	1:363:A:ILE:HD12	1:414:A:ARG:HG2	10	0.24
(1,483)	1:363:A:ILE:HD12	1:414:A:ARG:HG3	10	0.24
(1,483)	1:363:A:ILE:HD13	1:414:A:ARG:HG2	10	0.24
(1,483)	1:363:A:ILE:HD13	1:414:A:ARG:HG3	10	0.24
(1,454)	1:396:A:HIS:HB2	1:399:A:LYS:HB2	7	0.24
(1,454)	1:396:A:HIS:HB2	1:399:A:LYS:HB3	7	0.24
(1,454)	1:396:A:HIS:HB3	1:399:A:LYS:HB2	7	0.24
(1,454)	1:396:A:HIS:HB3	1:399:A:LYS:HB3	7	0.24
(1,375)	1:373:A:ALA:HB1	1:374:A:ARG:HD2	7	0.24
(1,375)	1:373:A:ALA:HB1	1:374:A:ARG:HD3	7	0.24
(1,375)	1:373:A:ALA:HB2	1:374:A:ARG:HD2	7	0.24
(1,375)	1:373:A:ALA:HB2	1:374:A:ARG:HD3	7	0.24
(1,375)	1:373:A:ALA:HB3	1:374:A:ARG:HD2	7	0.24
(1,375)	1:373:A:ALA:HB3	1:374:A:ARG:HD3	7	0.24
(1,344)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG21	1	0.24
(1,344)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG22	1	0.24
(1,344)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG23	1	0.24
(1,330)	1:358:A:ASP:HA	1:361:A:SER:HB2	4	0.24
(1,300)	1:383:A:THR:HA	1:385:A:MET:H	10	0.24
(1,291)	1:397:A:TYR:HB2	1:403:A:ILE:HD11	7	0.24
(1,291)	1:397:A:TYR:HB2	1:403:A:ILE:HD12	7	0.24
(1,291)	1:397:A:TYR:HB2	1:403:A:ILE:HD13	7	0.24
(1,291)	1:397:A:TYR:HB3	1:403:A:ILE:HD11	7	0.24
(1,291)	1:397:A:TYR:HB3	1:403:A:ILE:HD12	7	0.24
(1,291)	1:397:A:TYR:HB3	1:403:A:ILE:HD13	7	0.24
(1,136)	1:356:A:TRP:HZ2	1:359:A:LYS:HE2	1	0.24
(1,136)	1:356:A:TRP:HZ2	1:359:A:LYS:HE3	1	0.24
(1,46)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:HG21	8	0.24
(1,46)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:HG22	8	0.24
(1,46)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:HG23	8	0.24
(1,14)	1:345:A:LEU:HA	1:354:A:ILE:HG21	4	0.24
(1,14)	1:345:A:LEU:HA	1:354:A:ILE:HG22	4	0.24
(1,14)	1:345:A:LEU:HA	1:354:A:ILE:HG23	4	0.24
(1,1)	1:373:A:ALA:HB1	1:385:A:MET:HE1	10	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1)	1:373:A:ALA:HB1	1:385:A:MET:HE2	10	0.24
(1,1)	1:373:A:ALA:HB1	1:385:A:MET:HE3	10	0.24
(1,1)	1:373:A:ALA:HB2	1:385:A:MET:HE1	10	0.24
(1,1)	1:373:A:ALA:HB2	1:385:A:MET:HE2	10	0.24
(1,1)	1:373:A:ALA:HB2	1:385:A:MET:HE3	10	0.24
(1,1)	1:373:A:ALA:HB3	1:385:A:MET:HE1	10	0.24
(1,1)	1:373:A:ALA:HB3	1:385:A:MET:HE2	10	0.24
(1,1)	1:373:A:ALA:HB3	1:385:A:MET:HE3	10	0.24
(1,1501)	1:406:A:GLU:HG2	1:412:A:LEU:HB2	4	0.23
(1,1501)	1:406:A:GLU:HG3	1:412:A:LEU:HB2	4	0.23
(1,1501)	1:406:A:GLU:HG2	1:412:A:LEU:HB3	4	0.23
(1,1501)	1:406:A:GLU:HG3	1:412:A:LEU:HB3	4	0.23
(1,1501)	1:406:A:GLU:HG2	1:412:A:LEU:HB2	6	0.23
(1,1501)	1:406:A:GLU:HG3	1:412:A:LEU:HB2	6	0.23
(1,1501)	1:406:A:GLU:HG2	1:412:A:LEU:HB3	6	0.23
(1,1501)	1:406:A:GLU:HG3	1:412:A:LEU:HB3	6	0.23
(1,1460)	1:392:A:ARG:H	1:392:A:ARG:HG2	2	0.23
(1,1460)	1:392:A:ARG:H	1:392:A:ARG:HG3	2	0.23
(1,1410)	1:372:A:LEU:HD11	1:375:A:LEU:H	5	0.23
(1,1410)	1:372:A:LEU:HD12	1:375:A:LEU:H	5	0.23
(1,1410)	1:372:A:LEU:HD13	1:375:A:LEU:H	5	0.23
(1,1410)	1:372:A:LEU:HD21	1:375:A:LEU:H	5	0.23
(1,1410)	1:372:A:LEU:HD22	1:375:A:LEU:H	5	0.23
(1,1410)	1:372:A:LEU:HD23	1:375:A:LEU:H	5	0.23
(1,1361)	1:352:A:ASN:HB2	1:367:A:VAL:HG11	6	0.23
(1,1361)	1:352:A:ASN:HB2	1:367:A:VAL:HG12	6	0.23
(1,1361)	1:352:A:ASN:HB2	1:367:A:VAL:HG13	6	0.23
(1,1361)	1:352:A:ASN:HB3	1:367:A:VAL:HG11	6	0.23
(1,1361)	1:352:A:ASN:HB3	1:367:A:VAL:HG12	6	0.23
(1,1361)	1:352:A:ASN:HB3	1:367:A:VAL:HG13	6	0.23
(1,1234)	1:327:A:HIS:HB2	1:328:A:MET:H	5	0.23
(1,1234)	1:327:A:HIS:HB3	1:328:A:MET:H	5	0.23
(1,1222)	1:366:A:ILE:HG12	1:387:A:TYR:HE2	5	0.23
(1,1222)	1:366:A:ILE:HG13	1:387:A:TYR:HE2	5	0.23
(1,1218)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HG	1	0.23
(1,1160)	1:387:A:TYR:HB2	1:387:A:TYR:HD2	5	0.23
(1,1107)	1:328:A:MET:H	1:329:A:GLY:HA2	2	0.23
(1,1107)	1:328:A:MET:H	1:329:A:GLY:HA3	2	0.23
(1,1034)	1:356:A:TRP:HB3	1:360:A:GLU:H	10	0.23
(1,981)	1:374:A:ARG:H	1:374:A:ARG:HD2	3	0.23
(1,981)	1:374:A:ARG:H	1:374:A:ARG:HD3	3	0.23
(1,981)	1:374:A:ARG:H	1:374:A:ARG:HD2	5	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,981)	1:374:A:ARG:H	1:374:A:ARG:HD3	5	0.23
(1,977)	1:402:A:ILE:HG21	1:417:A:LYS:H	9	0.23
(1,977)	1:402:A:ILE:HG22	1:417:A:LYS:H	9	0.23
(1,977)	1:402:A:ILE:HG23	1:417:A:LYS:H	9	0.23
(1,948)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD11	3	0.23
(1,948)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD12	3	0.23
(1,948)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD13	3	0.23
(1,948)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD11	7	0.23
(1,948)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD12	7	0.23
(1,948)	1:358:A:ASP:H	1:412:A:LEU:HD13	7	0.23
(1,946)	1:358:A:ASP:H	1:363:A:ILE:HG21	1	0.23
(1,946)	1:358:A:ASP:H	1:363:A:ILE:HG22	1	0.23
(1,946)	1:358:A:ASP:H	1:363:A:ILE:HG23	1	0.23
(1,844)	1:359:A:LYS:HA	1:361:A:SER:H	10	0.23
(1,824)	1:375:A:LEU:HB2	1:378:A:ASN:HD21	6	0.23
(1,824)	1:375:A:LEU:HB3	1:378:A:ASN:HD21	6	0.23
(1,791)	1:355:A:ARG:H	1:364:A:PHE:HD2	2	0.23
(1,712)	1:404:A:ARG:H	1:416:A:MET:HG2	4	0.23
(1,712)	1:404:A:ARG:H	1:416:A:MET:HG3	4	0.23
(1,686)	1:424:A:SER:HA	1:426:A:ARG:H	2	0.23
(1,626)	1:355:A:ARG:H	1:367:A:VAL:H	7	0.23
(1,590)	1:369:A:PRO:HA	1:372:A:LEU:HB2	4	0.23
(1,542)	1:369:A:PRO:HA	1:411:A:LEU:HD21	5	0.23
(1,542)	1:369:A:PRO:HA	1:411:A:LEU:HD22	5	0.23
(1,542)	1:369:A:PRO:HA	1:411:A:LEU:HD23	5	0.23
(1,499)	1:369:A:PRO:HA	1:411:A:LEU:HD11	8	0.23
(1,499)	1:369:A:PRO:HA	1:411:A:LEU:HD12	8	0.23
(1,499)	1:369:A:PRO:HA	1:411:A:LEU:HD13	8	0.23
(1,448)	1:374:A:ARG:H	1:385:A:MET:HB3	3	0.23
(1,359)	1:403:A:ILE:HG21	1:415:A:PHE:HE1	9	0.23
(1,359)	1:403:A:ILE:HG22	1:415:A:PHE:HE1	9	0.23
(1,359)	1:403:A:ILE:HG23	1:415:A:PHE:HE1	9	0.23
(1,344)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG21	2	0.23
(1,344)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG22	2	0.23
(1,344)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG23	2	0.23
(1,335)	1:361:A:SER:HB3	1:363:A:ILE:HB	5	0.23
(1,291)	1:397:A:TYR:HB2	1:403:A:ILE:HD11	10	0.23
(1,291)	1:397:A:TYR:HB2	1:403:A:ILE:HD12	10	0.23
(1,291)	1:397:A:TYR:HB2	1:403:A:ILE:HD13	10	0.23
(1,291)	1:397:A:TYR:HB3	1:403:A:ILE:HD11	10	0.23
(1,291)	1:397:A:TYR:HB3	1:403:A:ILE:HD12	10	0.23
(1,291)	1:397:A:TYR:HB3	1:403:A:ILE:HD13	10	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,204)	1:355:A:ARG:HA	1:367:A:VAL:HG21	1	0.23
(1,204)	1:355:A:ARG:HA	1:367:A:VAL:HG22	1	0.23
(1,204)	1:355:A:ARG:HA	1:367:A:VAL:HG23	1	0.23
(1,184)	1:365:A:ARG:HA	1:413:A:PHE:HE1	8	0.23
(1,99)	1:375:A:LEU:HB2	1:378:A:ASN:HB2	3	0.23
(1,99)	1:375:A:LEU:HB3	1:378:A:ASN:HB2	3	0.23
(1,99)	1:375:A:LEU:HB2	1:378:A:ASN:HB2	7	0.23
(1,99)	1:375:A:LEU:HB3	1:378:A:ASN:HB2	7	0.23
(1,94)	1:366:A:ILE:HB	1:413:A:PHE:HZ	2	0.23
(1,48)	1:385:A:MET:HB2	1:386:A:THR:HA	4	0.23
(1,48)	1:385:A:MET:HB2	1:386:A:THR:HA	5	0.23
(1,34)	1:372:A:LEU:H	1:390:A:MET:HE1	3	0.23
(1,34)	1:372:A:LEU:H	1:390:A:MET:HE2	3	0.23
(1,34)	1:372:A:LEU:H	1:390:A:MET:HE3	3	0.23
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD11	8	0.22
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD12	8	0.22
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD13	8	0.22
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD21	8	0.22
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD22	8	0.22
(1,1473)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD23	8	0.22
(1,1470)	1:394:A:LEU:HD11	1:413:A:PHE:HZ	10	0.22
(1,1470)	1:394:A:LEU:HD12	1:413:A:PHE:HZ	10	0.22
(1,1470)	1:394:A:LEU:HD13	1:413:A:PHE:HZ	10	0.22
(1,1470)	1:394:A:LEU:HD21	1:413:A:PHE:HZ	10	0.22
(1,1470)	1:394:A:LEU:HD22	1:413:A:PHE:HZ	10	0.22
(1,1470)	1:394:A:LEU:HD23	1:413:A:PHE:HZ	10	0.22
(1,1409)	1:372:A:LEU:HD11	1:374:A:ARG:H	7	0.22
(1,1409)	1:372:A:LEU:HD12	1:374:A:ARG:H	7	0.22
(1,1409)	1:372:A:LEU:HD13	1:374:A:ARG:H	7	0.22
(1,1409)	1:372:A:LEU:HD21	1:374:A:ARG:H	7	0.22
(1,1409)	1:372:A:LEU:HD22	1:374:A:ARG:H	7	0.22
(1,1409)	1:372:A:LEU:HD23	1:374:A:ARG:H	7	0.22
(1,1291)	1:341:A:VAL:HG11	1:364:A:PHE:HD2	4	0.22
(1,1291)	1:341:A:VAL:HG12	1:364:A:PHE:HD2	4	0.22
(1,1291)	1:341:A:VAL:HG13	1:364:A:PHE:HD2	4	0.22
(1,1291)	1:341:A:VAL:HG21	1:364:A:PHE:HD2	4	0.22
(1,1291)	1:341:A:VAL:HG22	1:364:A:PHE:HD2	4	0.22
(1,1291)	1:341:A:VAL:HG23	1:364:A:PHE:HD2	4	0.22
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD11	1:341:A:VAL:HA	7	0.22
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD12	1:341:A:VAL:HA	7	0.22
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD13	1:341:A:VAL:HA	7	0.22
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD21	1:341:A:VAL:HA	7	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD22	1:341:A:VAL:HA	7	0.22
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD23	1:341:A:VAL:HA	7	0.22
(1,1235)	1:328:A:MET:H	1:328:A:MET:HG2	4	0.22
(1,1235)	1:328:A:MET:H	1:328:A:MET:HG3	4	0.22
(1,1191)	1:336:A:LEU:HB2	1:338:A:TRP:HD1	4	0.22
(1,1191)	1:336:A:LEU:HB3	1:338:A:TRP:HD1	4	0.22
(1,1160)	1:387:A:TYR:HB2	1:387:A:TYR:HD2	7	0.22
(1,1141)	1:352:A:ASN:H	1:352:A:ASN:HD22	1	0.22
(1,1127)	1:348:A:SER:H	1:350:A:TYR:H	10	0.22
(1,1108)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:H	10	0.22
(1,1084)	1:376:A:TRP:H	1:378:A:ASN:HB2	8	0.22
(1,1084)	1:376:A:TRP:H	1:378:A:ASN:HB2	10	0.22
(1,1058)	1:373:A:ALA:H	1:387:A:TYR:HB2	7	0.22
(1,937)	1:348:A:SER:HA	1:350:A:TYR:H	2	0.22
(1,863)	1:386:A:THR:H	1:389:A:LYS:HE2	1	0.22
(1,863)	1:386:A:THR:H	1:389:A:LYS:HE3	1	0.22
(1,764)	1:364:A:PHE:HE1	1:413:A:PHE:H	1	0.22
(1,645)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HB3	4	0.22
(1,587)	1:353:A:PHE:HB3	1:369:A:PRO:HA	3	0.22
(1,587)	1:353:A:PHE:HB3	1:369:A:PRO:HA	6	0.22
(1,540)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD21	5	0.22
(1,540)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD22	5	0.22
(1,540)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD23	5	0.22
(1,398)	1:354:A:ILE:HA	1:366:A:ILE:HG21	2	0.22
(1,398)	1:354:A:ILE:HA	1:366:A:ILE:HG22	2	0.22
(1,398)	1:354:A:ILE:HA	1:366:A:ILE:HG23	2	0.22
(1,365)	1:364:A:PHE:HE1	1:403:A:ILE:HG21	9	0.22
(1,365)	1:364:A:PHE:HE1	1:403:A:ILE:HG22	9	0.22
(1,365)	1:364:A:PHE:HE1	1:403:A:ILE:HG23	9	0.22
(1,359)	1:403:A:ILE:HG21	1:415:A:PHE:HE1	10	0.22
(1,359)	1:403:A:ILE:HG22	1:415:A:PHE:HE1	10	0.22
(1,359)	1:403:A:ILE:HG23	1:415:A:PHE:HE1	10	0.22
(1,335)	1:361:A:SER:HB3	1:363:A:ILE:HB	6	0.22
(1,252)	1:359:A:LYS:HA	1:359:A:LYS:HG2	2	0.22
(1,197)	1:363:A:ILE:HD11	1:414:A:ARG:HA	2	0.22
(1,197)	1:363:A:ILE:HD12	1:414:A:ARG:HA	2	0.22
(1,197)	1:363:A:ILE:HD13	1:414:A:ARG:HA	2	0.22
(1,88)	1:370:A:ASN:HA	1:387:A:TYR:HB3	8	0.22
(1,88)	1:370:A:ASN:HA	1:387:A:TYR:HB3	9	0.22
(1,61)	1:343:A:GLN:H	1:343:A:GLN:HG2	9	0.22
(1,61)	1:343:A:GLN:H	1:343:A:GLN:HG3	9	0.22
(1,49)	1:366:A:ILE:HG21	1:369:A:PRO:HB2	2	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,49)	1:366:A:ILE:HG22	1:369:A:PRO:HB2	2	0.22
(1,49)	1:366:A:ILE:HG23	1:369:A:PRO:HB2	2	0.22
(1,46)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:HG21	2	0.22
(1,46)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:HG22	2	0.22
(1,46)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:HG23	2	0.22
(1,46)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:HG21	10	0.22
(1,46)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:HG22	10	0.22
(1,46)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:HG23	10	0.22
(1,1537)	1:426:A:ARG:H	1:426:A:ARG:HB2	9	0.21
(1,1537)	1:426:A:ARG:H	1:426:A:ARG:HB3	9	0.21
(1,1390)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD11	3	0.21
(1,1390)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD12	3	0.21
(1,1390)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD13	3	0.21
(1,1390)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD21	3	0.21
(1,1390)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD22	3	0.21
(1,1390)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD23	3	0.21
(1,1340)	1:345:A:LEU:HD11	1:365:A:ARG:H	7	0.21
(1,1340)	1:345:A:LEU:HD12	1:365:A:ARG:H	7	0.21
(1,1340)	1:345:A:LEU:HD13	1:365:A:ARG:H	7	0.21
(1,1340)	1:345:A:LEU:HD21	1:365:A:ARG:H	7	0.21
(1,1340)	1:345:A:LEU:HD22	1:365:A:ARG:H	7	0.21
(1,1340)	1:345:A:LEU:HD23	1:365:A:ARG:H	7	0.21
(1,1321)	1:345:A:LEU:HD11	1:354:A:ILE:HA	6	0.21
(1,1321)	1:345:A:LEU:HD12	1:354:A:ILE:HA	6	0.21
(1,1321)	1:345:A:LEU:HD13	1:354:A:ILE:HA	6	0.21
(1,1321)	1:345:A:LEU:HD21	1:354:A:ILE:HA	6	0.21
(1,1321)	1:345:A:LEU:HD22	1:354:A:ILE:HA	6	0.21
(1,1321)	1:345:A:LEU:HD23	1:354:A:ILE:HA	6	0.21
(1,1307)	1:344:A:LEU:HD11	1:353:A:PHE:H	10	0.21
(1,1307)	1:344:A:LEU:HD12	1:353:A:PHE:H	10	0.21
(1,1307)	1:344:A:LEU:HD13	1:353:A:PHE:H	10	0.21
(1,1307)	1:344:A:LEU:HD21	1:353:A:PHE:H	10	0.21
(1,1307)	1:344:A:LEU:HD22	1:353:A:PHE:H	10	0.21
(1,1307)	1:344:A:LEU:HD23	1:353:A:PHE:H	10	0.21
(1,1267)	1:337:A:LEU:HD11	1:393:A:ALA:H	4	0.21
(1,1267)	1:337:A:LEU:HD12	1:393:A:ALA:H	4	0.21
(1,1267)	1:337:A:LEU:HD13	1:393:A:ALA:H	4	0.21
(1,1267)	1:337:A:LEU:HD21	1:393:A:ALA:H	4	0.21
(1,1267)	1:337:A:LEU:HD22	1:393:A:ALA:H	4	0.21
(1,1267)	1:337:A:LEU:HD23	1:393:A:ALA:H	4	0.21
(1,1226)	1:376:A:TRP:HZ2	1:380:A:LYS:HD2	5	0.21
(1,1226)	1:376:A:TRP:HZ2	1:380:A:LYS:HD3	5	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1218)	1:340:A:TYR:HE1	1:344:A:LEU:HG	8	0.21
(1,1187)	1:356:A:TRP:HD1	1:359:A:LYS:HD2	4	0.21
(1,1187)	1:356:A:TRP:HD1	1:359:A:LYS:HD3	4	0.21
(1,937)	1:348:A:SER:HA	1:350:A:TYR:H	10	0.21
(1,923)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HB	7	0.21
(1,908)	1:366:A:ILE:HA	1:368:A:ASP:H	4	0.21
(1,860)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:H	1	0.21
(1,846)	1:361:A:SER:H	1:363:A:ILE:HD11	9	0.21
(1,846)	1:361:A:SER:H	1:363:A:ILE:HD12	9	0.21
(1,846)	1:361:A:SER:H	1:363:A:ILE:HD13	9	0.21
(1,777)	1:344:A:LEU:H	1:344:A:LEU:HG	3	0.21
(1,764)	1:364:A:PHE:HE1	1:413:A:PHE:H	5	0.21
(1,628)	1:353:A:PHE:HA	1:367:A:VAL:H	2	0.21
(1,569)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG11	8	0.21
(1,569)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG12	8	0.21
(1,569)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HG13	8	0.21
(1,539)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD21	7	0.21
(1,539)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD22	7	0.21
(1,539)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD23	7	0.21
(1,451)	1:337:A:LEU:HG	1:341:A:VAL:HB	3	0.21
(1,435)	1:370:A:ASN:HA	1:387:A:TYR:HB2	9	0.21
(1,380)	1:363:A:ILE:HG21	1:364:A:PHE:HD1	10	0.21
(1,380)	1:363:A:ILE:HG22	1:364:A:PHE:HD1	10	0.21
(1,380)	1:363:A:ILE:HG23	1:364:A:PHE:HD1	10	0.21
(1,358)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HG21	4	0.21
(1,358)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HG22	4	0.21
(1,358)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HG23	4	0.21
(1,300)	1:383:A:THR:HA	1:385:A:MET:H	3	0.21
(1,230)	1:376:A:TRP:HA	1:376:A:TRP:HZ3	1	0.21
(1,149)	1:355:A:ARG:HD2	1:356:A:TRP:H	8	0.21
(1,149)	1:355:A:ARG:HD3	1:356:A:TRP:H	8	0.21
(1,47)	1:418:A:THR:HG21	1:419:A:PRO:HB3	1	0.21
(1,47)	1:418:A:THR:HG22	1:419:A:PRO:HB3	1	0.21
(1,47)	1:418:A:THR:HG23	1:419:A:PRO:HB3	1	0.21
(1,1470)	1:394:A:LEU:HD11	1:413:A:PHE:HZ	4	0.2
(1,1470)	1:394:A:LEU:HD12	1:413:A:PHE:HZ	4	0.2
(1,1470)	1:394:A:LEU:HD13	1:413:A:PHE:HZ	4	0.2
(1,1470)	1:394:A:LEU:HD21	1:413:A:PHE:HZ	4	0.2
(1,1470)	1:394:A:LEU:HD22	1:413:A:PHE:HZ	4	0.2
(1,1470)	1:394:A:LEU:HD23	1:413:A:PHE:HZ	4	0.2
(1,1400)	1:370:A:ASN:HB2	1:373:A:ALA:HB1	5	0.2
(1,1400)	1:370:A:ASN:HB2	1:373:A:ALA:HB2	5	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1400)	1:370:A:ASN:HB2	1:373:A:ALA:HB3	5	0.2
(1,1400)	1:370:A:ASN:HB3	1:373:A:ALA:HB1	5	0.2
(1,1400)	1:370:A:ASN:HB3	1:373:A:ALA:HB2	5	0.2
(1,1400)	1:370:A:ASN:HB3	1:373:A:ALA:HB3	5	0.2
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD11	4	0.2
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD12	4	0.2
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD13	4	0.2
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD21	4	0.2
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD22	4	0.2
(1,1355)	1:351:A:GLU:H	1:375:A:LEU:HD23	4	0.2
(1,1235)	1:328:A:MET:H	1:328:A:MET:HG2	8	0.2
(1,1235)	1:328:A:MET:H	1:328:A:MET:HG3	8	0.2
(1,1202)	1:397:A:TYR:HA	1:397:A:TYR:HE1	3	0.2
(1,1176)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HB	9	0.2
(1,1129)	1:398:A:TYR:H	1:402:A:ILE:HD11	1	0.2
(1,1129)	1:398:A:TYR:H	1:402:A:ILE:HD12	1	0.2
(1,1129)	1:398:A:TYR:H	1:402:A:ILE:HD13	1	0.2
(1,1127)	1:348:A:SER:H	1:350:A:TYR:H	8	0.2
(1,1070)	1:417:A:LYS:HE2	1:421:A:GLU:H	9	0.2
(1,1070)	1:417:A:LYS:HE3	1:421:A:GLU:H	9	0.2
(1,1051)	1:378:A:ASN:H	1:378:A:ASN:HD21	5	0.2
(1,992)	1:359:A:LYS:HA	1:363:A:ILE:H	6	0.2
(1,937)	1:348:A:SER:HA	1:350:A:TYR:H	1	0.2
(1,936)	1:358:A:ASP:H	1:364:A:PHE:HA	10	0.2
(1,929)	1:358:A:ASP:H	1:364:A:PHE:H	6	0.2
(1,913)	1:362:A:LYS:H	1:363:A:ILE:HD11	7	0.2
(1,913)	1:362:A:LYS:H	1:363:A:ILE:HD12	7	0.2
(1,913)	1:362:A:LYS:H	1:363:A:ILE:HD13	7	0.2
(1,872)	1:352:A:ASN:H	1:354:A:ILE:HG21	1	0.2
(1,872)	1:352:A:ASN:H	1:354:A:ILE:HG22	1	0.2
(1,872)	1:352:A:ASN:H	1:354:A:ILE:HG23	1	0.2
(1,741)	1:347:A:ASP:H	1:347:A:ASP:HB2	10	0.2
(1,721)	1:347:A:ASP:HB3	1:349:A:ARG:H	9	0.2
(1,719)	1:349:A:ARG:H	1:350:A:TYR:HB3	7	0.2
(1,703)	1:404:A:ARG:H	1:413:A:PHE:HD2	7	0.2
(1,686)	1:424:A:SER:HA	1:426:A:ARG:H	4	0.2
(1,670)	1:354:A:ILE:HA	1:366:A:ILE:H	6	0.2
(1,663)	1:357:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD21	4	0.2
(1,663)	1:357:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD22	4	0.2
(1,663)	1:357:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD23	4	0.2
(1,632)	1:367:A:VAL:H	1:368:A:ASP:HB2	6	0.2
(1,574)	1:353:A:PHE:HA	1:367:A:VAL:HG11	1	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,574)	1:353:A:PHE:HA	1:367:A:VAL:HG12	1	0.2
(1,574)	1:353:A:PHE:HA	1:367:A:VAL:HG13	1	0.2
(1,496)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD11	10	0.2
(1,496)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD12	10	0.2
(1,496)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD13	10	0.2
(1,443)	1:332:A:ALA:HB1	1:333:A:ASP:HA	5	0.2
(1,443)	1:332:A:ALA:HB2	1:333:A:ASP:HA	5	0.2
(1,443)	1:332:A:ALA:HB3	1:333:A:ASP:HA	5	0.2
(1,426)	1:410:A:ARG:HA	1:410:A:ARG:HD2	2	0.2
(1,426)	1:410:A:ARG:HA	1:410:A:ARG:HD3	2	0.2
(1,316)	1:354:A:ILE:HD11	1:355:A:ARG:H	2	0.2
(1,316)	1:354:A:ILE:HD12	1:355:A:ARG:H	2	0.2
(1,316)	1:354:A:ILE:HD13	1:355:A:ARG:H	2	0.2
(1,303)	1:382:A:ARG:HG2	1:383:A:THR:HA	6	0.2
(1,303)	1:382:A:ARG:HG3	1:383:A:THR:HA	6	0.2
(1,279)	1:363:A:ILE:HD11	1:412:A:LEU:HD11	2	0.2
(1,279)	1:363:A:ILE:HD11	1:412:A:LEU:HD12	2	0.2
(1,279)	1:363:A:ILE:HD11	1:412:A:LEU:HD13	2	0.2
(1,279)	1:363:A:ILE:HD12	1:412:A:LEU:HD11	2	0.2
(1,279)	1:363:A:ILE:HD12	1:412:A:LEU:HD12	2	0.2
(1,279)	1:363:A:ILE:HD12	1:412:A:LEU:HD13	2	0.2
(1,279)	1:363:A:ILE:HD13	1:412:A:LEU:HD11	2	0.2
(1,279)	1:363:A:ILE:HD13	1:412:A:LEU:HD12	2	0.2
(1,279)	1:363:A:ILE:HD13	1:412:A:LEU:HD13	2	0.2
(1,279)	1:363:A:ILE:HD11	1:412:A:LEU:HD11	6	0.2
(1,279)	1:363:A:ILE:HD11	1:412:A:LEU:HD12	6	0.2
(1,279)	1:363:A:ILE:HD11	1:412:A:LEU:HD13	6	0.2
(1,279)	1:363:A:ILE:HD12	1:412:A:LEU:HD11	6	0.2
(1,279)	1:363:A:ILE:HD12	1:412:A:LEU:HD12	6	0.2
(1,279)	1:363:A:ILE:HD12	1:412:A:LEU:HD13	6	0.2
(1,279)	1:363:A:ILE:HD13	1:412:A:LEU:HD11	6	0.2
(1,279)	1:363:A:ILE:HD13	1:412:A:LEU:HD12	6	0.2
(1,279)	1:363:A:ILE:HD13	1:412:A:LEU:HD13	6	0.2
(1,82)	1:352:A:ASN:HB2	1:367:A:VAL:HG11	1	0.2
(1,82)	1:352:A:ASN:HB2	1:367:A:VAL:HG12	1	0.2
(1,82)	1:352:A:ASN:HB2	1:367:A:VAL:HG13	1	0.2
(1,48)	1:385:A:MET:HB2	1:386:A:THR:HA	3	0.2
(1,8)	1:377:A:GLY:H	1:385:A:MET:HE1	10	0.2
(1,8)	1:377:A:GLY:H	1:385:A:MET:HE2	10	0.2
(1,8)	1:377:A:GLY:H	1:385:A:MET:HE3	10	0.2
(1,1502)	1:406:A:GLU:HG2	1:414:A:ARG:H	7	0.19
(1,1502)	1:406:A:GLU:HG3	1:414:A:ARG:H	7	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1460)	1:392:A:ARG:H	1:392:A:ARG:HG2	7	0.19
(1,1460)	1:392:A:ARG:H	1:392:A:ARG:HG3	7	0.19
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD11	1:390:A:MET:HE1	4	0.19
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD11	1:390:A:MET:HE2	4	0.19
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD11	1:390:A:MET:HE3	4	0.19
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD12	1:390:A:MET:HE1	4	0.19
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD12	1:390:A:MET:HE2	4	0.19
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD12	1:390:A:MET:HE3	4	0.19
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD13	1:390:A:MET:HE1	4	0.19
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD13	1:390:A:MET:HE2	4	0.19
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD13	1:390:A:MET:HE3	4	0.19
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD21	1:390:A:MET:HE1	4	0.19
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD21	1:390:A:MET:HE2	4	0.19
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD21	1:390:A:MET:HE3	4	0.19
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD22	1:390:A:MET:HE1	4	0.19
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD22	1:390:A:MET:HE2	4	0.19
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD22	1:390:A:MET:HE3	4	0.19
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD23	1:390:A:MET:HE1	4	0.19
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD23	1:390:A:MET:HE2	4	0.19
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD23	1:390:A:MET:HE3	4	0.19
(1,1379)	1:362:A:LYS:H	1:362:A:LYS:HE2	5	0.19
(1,1379)	1:362:A:LYS:H	1:362:A:LYS:HE3	5	0.19
(1,1365)	1:353:A:PHE:HB3	1:372:A:LEU:HD11	8	0.19
(1,1365)	1:353:A:PHE:HB3	1:372:A:LEU:HD12	8	0.19
(1,1365)	1:353:A:PHE:HB3	1:372:A:LEU:HD13	8	0.19
(1,1365)	1:353:A:PHE:HB3	1:372:A:LEU:HD21	8	0.19
(1,1365)	1:353:A:PHE:HB3	1:372:A:LEU:HD22	8	0.19
(1,1365)	1:353:A:PHE:HB3	1:372:A:LEU:HD23	8	0.19
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD11	1:357:A:GLU:H	8	0.19
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD12	1:357:A:GLU:H	8	0.19
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD13	1:357:A:GLU:H	8	0.19
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD21	1:357:A:GLU:H	8	0.19
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD22	1:357:A:GLU:H	8	0.19
(1,1337)	1:345:A:LEU:HD23	1:357:A:GLU:H	8	0.19
(1,1326)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HA	10	0.19
(1,1326)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HA	10	0.19
(1,1326)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HA	10	0.19
(1,1326)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HA	10	0.19
(1,1326)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HA	10	0.19
(1,1326)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HA	10	0.19
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD11	1:341:A:VAL:HA	5	0.19
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD12	1:341:A:VAL:HA	5	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD13	1:341:A:VAL:HA	5	0.19
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD21	1:341:A:VAL:HA	5	0.19
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD22	1:341:A:VAL:HA	5	0.19
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD23	1:341:A:VAL:HA	5	0.19
(1,1244)	1:336:A:LEU:HD11	1:338:A:TRP:HE1	5	0.19
(1,1244)	1:336:A:LEU:HD12	1:338:A:TRP:HE1	5	0.19
(1,1244)	1:336:A:LEU:HD13	1:338:A:TRP:HE1	5	0.19
(1,1244)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HE1	5	0.19
(1,1244)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HE1	5	0.19
(1,1244)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HE1	5	0.19
(1,1187)	1:356:A:TRP:HD1	1:359:A:LYS:HD2	9	0.19
(1,1187)	1:356:A:TRP:HD1	1:359:A:LYS:HD3	9	0.19
(1,1172)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HG	2	0.19
(1,1107)	1:328:A:MET:H	1:329:A:GLY:HA2	5	0.19
(1,1107)	1:328:A:MET:H	1:329:A:GLY:HA3	5	0.19
(1,1106)	1:352:A:ASN:HA	1:354:A:ILE:H	4	0.19
(1,1084)	1:376:A:TRP:H	1:378:A:ASN:HB2	7	0.19
(1,929)	1:358:A:ASP:H	1:364:A:PHE:H	5	0.19
(1,900)	1:353:A:PHE:H	1:354:A:ILE:HA	8	0.19
(1,844)	1:359:A:LYS:HA	1:361:A:SER:H	4	0.19
(1,821)	1:371:A:GLY:H	1:372:A:LEU:HB2	2	0.19
(1,821)	1:371:A:GLY:H	1:372:A:LEU:HB2	8	0.19
(1,820)	1:366:A:ILE:HG21	1:371:A:GLY:H	2	0.19
(1,820)	1:366:A:ILE:HG22	1:371:A:GLY:H	2	0.19
(1,820)	1:366:A:ILE:HG23	1:371:A:GLY:H	2	0.19
(1,785)	1:355:A:ARG:H	1:366:A:ILE:HA	5	0.19
(1,785)	1:355:A:ARG:H	1:366:A:ILE:HA	7	0.19
(1,785)	1:355:A:ARG:H	1:366:A:ILE:HA	10	0.19
(1,767)	1:412:A:LEU:HB3	1:413:A:PHE:H	3	0.19
(1,767)	1:412:A:LEU:HB3	1:413:A:PHE:H	6	0.19
(1,719)	1:349:A:ARG:H	1:350:A:TYR:HB3	6	0.19
(1,590)	1:369:A:PRO:HA	1:372:A:LEU:HB2	8	0.19
(1,436)	1:330:A:ARG:HA	1:330:A:ARG:HD2	2	0.19
(1,436)	1:330:A:ARG:HA	1:330:A:ARG:HD3	2	0.19
(1,426)	1:410:A:ARG:HA	1:410:A:ARG:HD2	10	0.19
(1,426)	1:410:A:ARG:HA	1:410:A:ARG:HD3	10	0.19
(1,421)	1:405:A:LYS:HA	1:413:A:PHE:HB3	7	0.19
(1,411)	1:365:A:ARG:HD3	1:367:A:VAL:HA	5	0.19
(1,411)	1:365:A:ARG:HD2	1:367:A:VAL:HA	5	0.19
(1,357)	1:332:A:ALA:HB1	1:333:A:ASP:HB2	3	0.19
(1,357)	1:332:A:ALA:HB1	1:333:A:ASP:HB3	3	0.19
(1,357)	1:332:A:ALA:HB2	1:333:A:ASP:HB2	3	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,357)	1:332:A:ALA:HB2	1:333:A:ASP:HB3	3	0.19
(1,357)	1:332:A:ALA:HB3	1:333:A:ASP:HB2	3	0.19
(1,357)	1:332:A:ALA:HB3	1:333:A:ASP:HB3	3	0.19
(1,350)	1:337:A:LEU:HD11	1:393:A:ALA:HB1	8	0.19
(1,350)	1:337:A:LEU:HD11	1:393:A:ALA:HB2	8	0.19
(1,350)	1:337:A:LEU:HD11	1:393:A:ALA:HB3	8	0.19
(1,350)	1:337:A:LEU:HD12	1:393:A:ALA:HB1	8	0.19
(1,350)	1:337:A:LEU:HD12	1:393:A:ALA:HB2	8	0.19
(1,350)	1:337:A:LEU:HD12	1:393:A:ALA:HB3	8	0.19
(1,350)	1:337:A:LEU:HD13	1:393:A:ALA:HB1	8	0.19
(1,350)	1:337:A:LEU:HD13	1:393:A:ALA:HB2	8	0.19
(1,350)	1:337:A:LEU:HD13	1:393:A:ALA:HB3	8	0.19
(1,240)	1:415:A:PHE:HA	1:415:A:PHE:HE1	10	0.19
(1,230)	1:376:A:TRP:HA	1:376:A:TRP:HZ3	5	0.19
(1,228)	1:376:A:TRP:HA	1:379:A:HIS:H	5	0.19
(1,215)	1:380:A:LYS:HA	1:380:A:LYS:HD2	9	0.19
(1,215)	1:380:A:LYS:HA	1:380:A:LYS:HD3	9	0.19
(1,99)	1:375:A:LEU:HB2	1:378:A:ASN:HB2	8	0.19
(1,99)	1:375:A:LEU:HB3	1:378:A:ASN:HB2	8	0.19
(1,8)	1:377:A:GLY:H	1:385:A:MET:HE1	6	0.19
(1,8)	1:377:A:GLY:H	1:385:A:MET:HE2	6	0.19
(1,8)	1:377:A:GLY:H	1:385:A:MET:HE3	6	0.19
(1,1432)	1:376:A:TRP:HD1	1:385:A:MET:HG2	2	0.18
(1,1432)	1:376:A:TRP:HD1	1:385:A:MET:HG3	2	0.18
(1,1414)	1:372:A:LEU:HD11	1:376:A:TRP:HE3	7	0.18
(1,1414)	1:372:A:LEU:HD12	1:376:A:TRP:HE3	7	0.18
(1,1414)	1:372:A:LEU:HD13	1:376:A:TRP:HE3	7	0.18
(1,1414)	1:372:A:LEU:HD21	1:376:A:TRP:HE3	7	0.18
(1,1414)	1:372:A:LEU:HD22	1:376:A:TRP:HE3	7	0.18
(1,1414)	1:372:A:LEU:HD23	1:376:A:TRP:HE3	7	0.18
(1,1395)	1:369:A:PRO:HB3	1:411:A:LEU:HD11	1	0.18
(1,1395)	1:369:A:PRO:HB3	1:411:A:LEU:HD12	1	0.18
(1,1395)	1:369:A:PRO:HB3	1:411:A:LEU:HD13	1	0.18
(1,1395)	1:369:A:PRO:HB3	1:411:A:LEU:HD21	1	0.18
(1,1395)	1:369:A:PRO:HB3	1:411:A:LEU:HD22	1	0.18
(1,1395)	1:369:A:PRO:HB3	1:411:A:LEU:HD23	1	0.18
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD11	1:367:A:VAL:HG21	2	0.18
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD11	1:367:A:VAL:HG22	2	0.18
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD11	1:367:A:VAL:HG23	2	0.18
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD12	1:367:A:VAL:HG21	2	0.18
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD12	1:367:A:VAL:HG22	2	0.18
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD12	1:367:A:VAL:HG23	2	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD13	1:367:A:VAL:HG21	2	0.18
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD13	1:367:A:VAL:HG22	2	0.18
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD13	1:367:A:VAL:HG23	2	0.18
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD21	1:367:A:VAL:HG21	2	0.18
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD21	1:367:A:VAL:HG22	2	0.18
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD21	1:367:A:VAL:HG23	2	0.18
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD22	1:367:A:VAL:HG21	2	0.18
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD22	1:367:A:VAL:HG22	2	0.18
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD22	1:367:A:VAL:HG23	2	0.18
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD23	1:367:A:VAL:HG21	2	0.18
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD23	1:367:A:VAL:HG22	2	0.18
(1,1341)	1:345:A:LEU:HD23	1:367:A:VAL:HG23	2	0.18
(1,1307)	1:344:A:LEU:HD11	1:353:A:PHE:H	1	0.18
(1,1307)	1:344:A:LEU:HD12	1:353:A:PHE:H	1	0.18
(1,1307)	1:344:A:LEU:HD13	1:353:A:PHE:H	1	0.18
(1,1307)	1:344:A:LEU:HD21	1:353:A:PHE:H	1	0.18
(1,1307)	1:344:A:LEU:HD22	1:353:A:PHE:H	1	0.18
(1,1307)	1:344:A:LEU:HD23	1:353:A:PHE:H	1	0.18
(1,1307)	1:344:A:LEU:HD11	1:353:A:PHE:H	9	0.18
(1,1307)	1:344:A:LEU:HD12	1:353:A:PHE:H	9	0.18
(1,1307)	1:344:A:LEU:HD13	1:353:A:PHE:H	9	0.18
(1,1307)	1:344:A:LEU:HD21	1:353:A:PHE:H	9	0.18
(1,1307)	1:344:A:LEU:HD22	1:353:A:PHE:H	9	0.18
(1,1307)	1:344:A:LEU:HD23	1:353:A:PHE:H	9	0.18
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD11	1:341:A:VAL:HA	10	0.18
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD12	1:341:A:VAL:HA	10	0.18
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD13	1:341:A:VAL:HA	10	0.18
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD21	1:341:A:VAL:HA	10	0.18
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD22	1:341:A:VAL:HA	10	0.18
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD23	1:341:A:VAL:HA	10	0.18
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD11	1:338:A:TRP:HZ2	6	0.18
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD12	1:338:A:TRP:HZ2	6	0.18
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD13	1:338:A:TRP:HZ2	6	0.18
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HZ2	6	0.18
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HZ2	6	0.18
(1,1245)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HZ2	6	0.18
(1,1244)	1:336:A:LEU:HD11	1:338:A:TRP:HE1	9	0.18
(1,1244)	1:336:A:LEU:HD12	1:338:A:TRP:HE1	9	0.18
(1,1244)	1:336:A:LEU:HD13	1:338:A:TRP:HE1	9	0.18
(1,1244)	1:336:A:LEU:HD21	1:338:A:TRP:HE1	9	0.18
(1,1244)	1:336:A:LEU:HD22	1:338:A:TRP:HE1	9	0.18
(1,1244)	1:336:A:LEU:HD23	1:338:A:TRP:HE1	9	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1235)	1:328:A:MET:H	1:328:A:MET:HG2	9	0.18
(1,1235)	1:328:A:MET:H	1:328:A:MET:HG3	9	0.18
(1,1199)	1:393:A:ALA:HA	1:396:A:HIS:HD2	5	0.18
(1,1176)	1:397:A:TYR:HD2	1:403:A:ILE:HB	10	0.18
(1,1130)	1:340:A:TYR:H	1:340:A:TYR:HD2	5	0.18
(1,1113)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HB	1	0.18
(1,1084)	1:376:A:TRP:H	1:378:A:ASN:HB2	5	0.18
(1,982)	1:394:A:LEU:H	1:396:A:HIS:HB2	5	0.18
(1,982)	1:394:A:LEU:H	1:396:A:HIS:HB3	5	0.18
(1,950)	1:350:A:TYR:H	1:351:A:GLU:HG2	4	0.18
(1,950)	1:350:A:TYR:H	1:351:A:GLU:HG3	4	0.18
(1,911)	1:366:A:ILE:HG21	1:368:A:ASP:H	9	0.18
(1,911)	1:366:A:ILE:HG22	1:368:A:ASP:H	9	0.18
(1,911)	1:366:A:ILE:HG23	1:368:A:ASP:H	9	0.18
(1,846)	1:361:A:SER:H	1:363:A:ILE:HD11	4	0.18
(1,846)	1:361:A:SER:H	1:363:A:ILE:HD12	4	0.18
(1,846)	1:361:A:SER:H	1:363:A:ILE:HD13	4	0.18
(1,785)	1:355:A:ARG:H	1:366:A:ILE:HA	3	0.18
(1,767)	1:412:A:LEU:HB3	1:413:A:PHE:H	4	0.18
(1,760)	1:345:A:LEU:HB3	1:356:A:TRP:H	7	0.18
(1,755)	1:355:A:ARG:HG2	1:356:A:TRP:H	6	0.18
(1,755)	1:355:A:ARG:HG3	1:356:A:TRP:H	6	0.18
(1,755)	1:355:A:ARG:HG2	1:356:A:TRP:H	9	0.18
(1,755)	1:355:A:ARG:HG3	1:356:A:TRP:H	9	0.18
(1,747)	1:392:A:ARG:H	1:392:A:ARG:HG3	2	0.18
(1,726)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:H	3	0.18
(1,534)	1:345:A:LEU:HD11	1:364:A:PHE:HD2	1	0.18
(1,534)	1:345:A:LEU:HD12	1:364:A:PHE:HD2	1	0.18
(1,534)	1:345:A:LEU:HD13	1:364:A:PHE:HD2	1	0.18
(1,528)	1:362:A:LYS:H	1:362:A:LYS:HG3	8	0.18
(1,528)	1:362:A:LYS:H	1:362:A:LYS:HG3	9	0.18
(1,517)	1:355:A:ARG:HG2	1:367:A:VAL:HG21	1	0.18
(1,517)	1:355:A:ARG:HG2	1:367:A:VAL:HG22	1	0.18
(1,517)	1:355:A:ARG:HG2	1:367:A:VAL:HG23	1	0.18
(1,517)	1:355:A:ARG:HG3	1:367:A:VAL:HG21	1	0.18
(1,517)	1:355:A:ARG:HG3	1:367:A:VAL:HG22	1	0.18
(1,517)	1:355:A:ARG:HG3	1:367:A:VAL:HG23	1	0.18
(1,503)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD21	4	0.18
(1,503)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD22	4	0.18
(1,503)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD23	4	0.18
(1,473)	1:426:A:ARG:H	1:426:A:ARG:HG2	7	0.18
(1,473)	1:426:A:ARG:H	1:426:A:ARG:HG3	7	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,466)	1:392:A:ARG:H	1:392:A:ARG:HG2	7	0.18
(1,380)	1:363:A:ILE:HG21	1:364:A:PHE:HD1	6	0.18
(1,380)	1:363:A:ILE:HG22	1:364:A:PHE:HD1	6	0.18
(1,380)	1:363:A:ILE:HG23	1:364:A:PHE:HD1	6	0.18
(1,326)	1:341:A:VAL:HA	1:354:A:ILE:HD11	1	0.18
(1,326)	1:341:A:VAL:HA	1:354:A:ILE:HD12	1	0.18
(1,326)	1:341:A:VAL:HA	1:354:A:ILE:HD13	1	0.18
(1,252)	1:359:A:LYS:HA	1:359:A:LYS:HG2	10	0.18
(1,136)	1:356:A:TRP:HZ2	1:359:A:LYS:HE2	2	0.18
(1,136)	1:356:A:TRP:HZ2	1:359:A:LYS:HE3	2	0.18
(1,49)	1:366:A:ILE:HG21	1:369:A:PRO:HB2	7	0.18
(1,49)	1:366:A:ILE:HG22	1:369:A:PRO:HB2	7	0.18
(1,49)	1:366:A:ILE:HG23	1:369:A:PRO:HB2	7	0.18
(1,1522)	1:416:A:MET:H	1:417:A:LYS:HB2	7	0.17
(1,1522)	1:416:A:MET:H	1:417:A:LYS:HB3	7	0.17
(1,1477)	1:397:A:TYR:HD1	1:400:A:LEU:HD11	3	0.17
(1,1477)	1:397:A:TYR:HD1	1:400:A:LEU:HD12	3	0.17
(1,1477)	1:397:A:TYR:HD1	1:400:A:LEU:HD13	3	0.17
(1,1477)	1:397:A:TYR:HD1	1:400:A:LEU:HD21	3	0.17
(1,1477)	1:397:A:TYR:HD1	1:400:A:LEU:HD22	3	0.17
(1,1477)	1:397:A:TYR:HD1	1:400:A:LEU:HD23	3	0.17
(1,1413)	1:372:A:LEU:HD11	1:376:A:TRP:H	9	0.17
(1,1413)	1:372:A:LEU:HD12	1:376:A:TRP:H	9	0.17
(1,1413)	1:372:A:LEU:HD13	1:376:A:TRP:H	9	0.17
(1,1413)	1:372:A:LEU:HD21	1:376:A:TRP:H	9	0.17
(1,1413)	1:372:A:LEU:HD22	1:376:A:TRP:H	9	0.17
(1,1413)	1:372:A:LEU:HD23	1:376:A:TRP:H	9	0.17
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD11	4	0.17
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD12	4	0.17
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD13	4	0.17
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD21	4	0.17
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD22	4	0.17
(1,1368)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HD23	4	0.17
(1,1307)	1:344:A:LEU:HD11	1:353:A:PHE:H	5	0.17
(1,1307)	1:344:A:LEU:HD12	1:353:A:PHE:H	5	0.17
(1,1307)	1:344:A:LEU:HD13	1:353:A:PHE:H	5	0.17
(1,1307)	1:344:A:LEU:HD21	1:353:A:PHE:H	5	0.17
(1,1307)	1:344:A:LEU:HD22	1:353:A:PHE:H	5	0.17
(1,1307)	1:344:A:LEU:HD23	1:353:A:PHE:H	5	0.17
(1,1307)	1:344:A:LEU:HD11	1:353:A:PHE:H	8	0.17
(1,1307)	1:344:A:LEU:HD12	1:353:A:PHE:H	8	0.17
(1,1307)	1:344:A:LEU:HD13	1:353:A:PHE:H	8	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1307)	1:344:A:LEU:HD21	1:353:A:PHE:H	8	0.17
(1,1307)	1:344:A:LEU:HD22	1:353:A:PHE:H	8	0.17
(1,1307)	1:344:A:LEU:HD23	1:353:A:PHE:H	8	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG11	1:344:A:LEU:HD11	8	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG11	1:344:A:LEU:HD12	8	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG11	1:344:A:LEU:HD13	8	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG11	1:344:A:LEU:HD21	8	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG11	1:344:A:LEU:HD22	8	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG11	1:344:A:LEU:HD23	8	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG12	1:344:A:LEU:HD11	8	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG12	1:344:A:LEU:HD12	8	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG12	1:344:A:LEU:HD13	8	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG12	1:344:A:LEU:HD21	8	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG12	1:344:A:LEU:HD22	8	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG12	1:344:A:LEU:HD23	8	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG13	1:344:A:LEU:HD11	8	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG13	1:344:A:LEU:HD12	8	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG13	1:344:A:LEU:HD13	8	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG13	1:344:A:LEU:HD21	8	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG13	1:344:A:LEU:HD22	8	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG13	1:344:A:LEU:HD23	8	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG21	1:344:A:LEU:HD11	8	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG21	1:344:A:LEU:HD12	8	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG21	1:344:A:LEU:HD13	8	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG21	1:344:A:LEU:HD21	8	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG21	1:344:A:LEU:HD22	8	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG21	1:344:A:LEU:HD23	8	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG22	1:344:A:LEU:HD11	8	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG22	1:344:A:LEU:HD12	8	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG22	1:344:A:LEU:HD13	8	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG22	1:344:A:LEU:HD21	8	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG22	1:344:A:LEU:HD22	8	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG22	1:344:A:LEU:HD23	8	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG23	1:344:A:LEU:HD11	8	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG23	1:344:A:LEU:HD12	8	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG23	1:344:A:LEU:HD13	8	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG23	1:344:A:LEU:HD21	8	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG23	1:344:A:LEU:HD22	8	0.17
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG23	1:344:A:LEU:HD23	8	0.17
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD11	10	0.17
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD12	10	0.17
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD13	10	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD21	10	0.17
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD22	10	0.17
(1,1276)	1:340:A:TYR:HD1	1:344:A:LEU:HD23	10	0.17
(1,1235)	1:328:A:MET:H	1:328:A:MET:HG2	10	0.17
(1,1235)	1:328:A:MET:H	1:328:A:MET:HG3	10	0.17
(1,1130)	1:340:A:TYR:H	1:340:A:TYR:HD2	4	0.17
(1,1057)	1:373:A:ALA:H	1:376:A:TRP:HB2	1	0.17
(1,1057)	1:373:A:ALA:H	1:376:A:TRP:HB3	1	0.17
(1,1035)	1:358:A:ASP:HB2	1:360:A:GLU:H	9	0.17
(1,1035)	1:358:A:ASP:HB3	1:360:A:GLU:H	9	0.17
(1,1035)	1:358:A:ASP:HB2	1:360:A:GLU:H	10	0.17
(1,1035)	1:358:A:ASP:HB3	1:360:A:GLU:H	10	0.17
(1,937)	1:348:A:SER:HA	1:350:A:TYR:H	5	0.17
(1,923)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HB	5	0.17
(1,798)	1:365:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HD3	5	0.17
(1,798)	1:365:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HD2	5	0.17
(1,785)	1:355:A:ARG:H	1:366:A:ILE:HA	9	0.17
(1,701)	1:363:A:ILE:HD11	1:415:A:PHE:H	7	0.17
(1,701)	1:363:A:ILE:HD12	1:415:A:PHE:H	7	0.17
(1,701)	1:363:A:ILE:HD13	1:415:A:PHE:H	7	0.17
(1,688)	1:425:A:GLY:HA2	1:426:A:ARG:H	6	0.17
(1,688)	1:425:A:GLY:HA3	1:426:A:ARG:H	6	0.17
(1,645)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HB3	6	0.17
(1,626)	1:355:A:ARG:H	1:367:A:VAL:H	5	0.17
(1,539)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD21	3	0.17
(1,539)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD22	3	0.17
(1,539)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD23	3	0.17
(1,437)	1:330:A:ARG:HA	1:331:A:ILE:HG21	8	0.17
(1,437)	1:330:A:ARG:HA	1:331:A:ILE:HG22	8	0.17
(1,437)	1:330:A:ARG:HA	1:331:A:ILE:HG23	8	0.17
(1,376)	1:373:A:ALA:HB1	1:376:A:TRP:HB3	9	0.17
(1,376)	1:373:A:ALA:HB2	1:376:A:TRP:HB3	9	0.17
(1,376)	1:373:A:ALA:HB3	1:376:A:TRP:HB3	9	0.17
(1,368)	1:397:A:TYR:HB2	1:403:A:ILE:HG21	10	0.17
(1,368)	1:397:A:TYR:HB2	1:403:A:ILE:HG22	10	0.17
(1,368)	1:397:A:TYR:HB2	1:403:A:ILE:HG23	10	0.17
(1,368)	1:397:A:TYR:HB3	1:403:A:ILE:HG21	10	0.17
(1,368)	1:397:A:TYR:HB3	1:403:A:ILE:HG22	10	0.17
(1,368)	1:397:A:TYR:HB3	1:403:A:ILE:HG23	10	0.17
(1,315)	1:345:A:LEU:HA	1:354:A:ILE:HD11	2	0.17
(1,315)	1:345:A:LEU:HA	1:354:A:ILE:HD12	2	0.17
(1,315)	1:345:A:LEU:HA	1:354:A:ILE:HD13	2	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,296)	1:340:A:TYR:HA	1:340:A:TYR:HD2	5	0.17
(1,265)	1:391:A:SER:HA	1:394:A:LEU:HG	5	0.17
(1,235)	1:397:A:TYR:HA	1:400:A:LEU:HB2	10	0.17
(1,200)	1:355:A:ARG:HA	1:355:A:ARG:HD2	9	0.17
(1,200)	1:355:A:ARG:HA	1:355:A:ARG:HD3	9	0.17
(1,187)	1:365:A:ARG:HA	1:412:A:LEU:HD21	1	0.17
(1,187)	1:365:A:ARG:HA	1:412:A:LEU:HD22	1	0.17
(1,187)	1:365:A:ARG:HA	1:412:A:LEU:HD23	1	0.17
(1,161)	1:409:A:GLN:HG2	1:412:A:LEU:HB3	1	0.17
(1,161)	1:409:A:GLN:HG3	1:412:A:LEU:HB3	1	0.17
(1,74)	1:360:A:GLU:HG2	1:361:A:SER:H	3	0.17
(1,74)	1:360:A:GLU:HG3	1:361:A:SER:H	3	0.17
(1,48)	1:385:A:MET:HB2	1:386:A:THR:HA	2	0.17
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA2	1:385:A:MET:HE1	3	0.16
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA2	1:385:A:MET:HE2	3	0.16
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA2	1:385:A:MET:HE3	3	0.16
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE1	3	0.16
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE2	3	0.16
(1,1440)	1:377:A:GLY:HA3	1:385:A:MET:HE3	3	0.16
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD11	1:390:A:MET:HE1	8	0.16
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD11	1:390:A:MET:HE2	8	0.16
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD11	1:390:A:MET:HE3	8	0.16
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD12	1:390:A:MET:HE1	8	0.16
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD12	1:390:A:MET:HE2	8	0.16
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD12	1:390:A:MET:HE3	8	0.16
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD13	1:390:A:MET:HE1	8	0.16
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD13	1:390:A:MET:HE2	8	0.16
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD13	1:390:A:MET:HE3	8	0.16
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD21	1:390:A:MET:HE1	8	0.16
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD21	1:390:A:MET:HE2	8	0.16
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD21	1:390:A:MET:HE3	8	0.16
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD22	1:390:A:MET:HE1	8	0.16
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD22	1:390:A:MET:HE2	8	0.16
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD22	1:390:A:MET:HE3	8	0.16
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD23	1:390:A:MET:HE1	8	0.16
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD23	1:390:A:MET:HE2	8	0.16
(1,1416)	1:372:A:LEU:HD23	1:390:A:MET:HE3	8	0.16
(1,1410)	1:372:A:LEU:HD11	1:375:A:LEU:H	1	0.16
(1,1410)	1:372:A:LEU:HD12	1:375:A:LEU:H	1	0.16
(1,1410)	1:372:A:LEU:HD13	1:375:A:LEU:H	1	0.16
(1,1410)	1:372:A:LEU:HD21	1:375:A:LEU:H	1	0.16
(1,1410)	1:372:A:LEU:HD22	1:375:A:LEU:H	1	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1410)	1:372:A:LEU:HD23	1:375:A:LEU:H	1	0.16
(1,1390)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD11	2	0.16
(1,1390)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD12	2	0.16
(1,1390)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD13	2	0.16
(1,1390)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD21	2	0.16
(1,1390)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD22	2	0.16
(1,1390)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD23	2	0.16
(1,1370)	1:354:A:ILE:H	1:375:A:LEU:HD11	1	0.16
(1,1370)	1:354:A:ILE:H	1:375:A:LEU:HD12	1	0.16
(1,1370)	1:354:A:ILE:H	1:375:A:LEU:HD13	1	0.16
(1,1370)	1:354:A:ILE:H	1:375:A:LEU:HD21	1	0.16
(1,1370)	1:354:A:ILE:H	1:375:A:LEU:HD22	1	0.16
(1,1370)	1:354:A:ILE:H	1:375:A:LEU:HD23	1	0.16
(1,1362)	1:353:A:PHE:H	1:372:A:LEU:HD11	3	0.16
(1,1362)	1:353:A:PHE:H	1:372:A:LEU:HD12	3	0.16
(1,1362)	1:353:A:PHE:H	1:372:A:LEU:HD13	3	0.16
(1,1362)	1:353:A:PHE:H	1:372:A:LEU:HD21	3	0.16
(1,1362)	1:353:A:PHE:H	1:372:A:LEU:HD22	3	0.16
(1,1362)	1:353:A:PHE:H	1:372:A:LEU:HD23	3	0.16
(1,1343)	1:348:A:SER:HA	1:351:A:GLU:HB2	5	0.16
(1,1343)	1:348:A:SER:HA	1:351:A:GLU:HB3	5	0.16
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HG2	1	0.16
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HG3	1	0.16
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HG2	1	0.16
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HG3	1	0.16
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HG2	1	0.16
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HG3	1	0.16
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HG2	1	0.16
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HG3	1	0.16
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HG2	1	0.16
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HG3	1	0.16
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HG2	1	0.16
(1,1328)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HG3	1	0.16
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD11	1:350:A:TYR:HE1	5	0.16
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD12	1:350:A:TYR:HE1	5	0.16
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD13	1:350:A:TYR:HE1	5	0.16
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD21	1:350:A:TYR:HE1	5	0.16
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD22	1:350:A:TYR:HE1	5	0.16
(1,1306)	1:344:A:LEU:HD23	1:350:A:TYR:HE1	5	0.16
(1,1204)	1:398:A:TYR:HE1	1:404:A:ARG:HA	7	0.16
(1,1202)	1:397:A:TYR:HA	1:397:A:TYR:HE1	1	0.16
(1,1187)	1:356:A:TRP:HD1	1:359:A:LYS:HD2	7	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1187)	1:356:A:TRP:HD1	1:359:A:LYS:HD3	7	0.16
(1,1160)	1:387:A:TYR:HB2	1:387:A:TYR:HD2	1	0.16
(1,1160)	1:387:A:TYR:HB2	1:387:A:TYR:HD2	4	0.16
(1,1108)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:H	4	0.16
(1,1107)	1:328:A:MET:H	1:329:A:GLY:HA2	7	0.16
(1,1107)	1:328:A:MET:H	1:329:A:GLY:HA3	7	0.16
(1,1106)	1:352:A:ASN:HA	1:354:A:ILE:H	2	0.16
(1,1072)	1:421:A:GLU:H	1:422:A:ILE:HB	8	0.16
(1,1035)	1:358:A:ASP:HB2	1:360:A:GLU:H	4	0.16
(1,1035)	1:358:A:ASP:HB3	1:360:A:GLU:H	4	0.16
(1,1014)	1:409:A:GLN:HB2	1:412:A:LEU:H	2	0.16
(1,1008)	1:412:A:LEU:H	1:413:A:PHE:HD1	9	0.16
(1,923)	1:397:A:TYR:H	1:403:A:ILE:HB	6	0.16
(1,921)	1:397:A:TYR:H	1:402:A:ILE:HD11	8	0.16
(1,921)	1:397:A:TYR:H	1:402:A:ILE:HD12	8	0.16
(1,921)	1:397:A:TYR:H	1:402:A:ILE:HD13	8	0.16
(1,911)	1:366:A:ILE:HG21	1:368:A:ASP:H	5	0.16
(1,911)	1:366:A:ILE:HG22	1:368:A:ASP:H	5	0.16
(1,911)	1:366:A:ILE:HG23	1:368:A:ASP:H	5	0.16
(1,895)	1:353:A:PHE:H	1:354:A:ILE:HG21	2	0.16
(1,895)	1:353:A:PHE:H	1:354:A:ILE:HG22	2	0.16
(1,895)	1:353:A:PHE:H	1:354:A:ILE:HG23	2	0.16
(1,895)	1:353:A:PHE:H	1:354:A:ILE:HG21	5	0.16
(1,895)	1:353:A:PHE:H	1:354:A:ILE:HG22	5	0.16
(1,895)	1:353:A:PHE:H	1:354:A:ILE:HG23	5	0.16
(1,833)	1:418:A:THR:H	1:421:A:GLU:H	5	0.16
(1,826)	1:378:A:ASN:HB3	1:378:A:ASN:HD22	3	0.16
(1,826)	1:378:A:ASN:HB3	1:378:A:ASN:HD22	10	0.16
(1,802)	1:354:A:ILE:HD11	1:365:A:ARG:H	7	0.16
(1,802)	1:354:A:ILE:HD12	1:365:A:ARG:H	7	0.16
(1,802)	1:354:A:ILE:HD13	1:365:A:ARG:H	7	0.16
(1,767)	1:412:A:LEU:HB3	1:413:A:PHE:H	2	0.16
(1,726)	1:387:A:TYR:HD2	1:390:A:MET:H	8	0.16
(1,604)	1:376:A:TRP:HE1	1:393:A:ALA:HB1	9	0.16
(1,604)	1:376:A:TRP:HE1	1:393:A:ALA:HB2	9	0.16
(1,604)	1:376:A:TRP:HE1	1:393:A:ALA:HB3	9	0.16
(1,481)	1:355:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HG2	7	0.16
(1,472)	1:354:A:ILE:HG12	1:367:A:VAL:H	3	0.16
(1,472)	1:354:A:ILE:HG12	1:367:A:VAL:H	4	0.16
(1,426)	1:410:A:ARG:HA	1:410:A:ARG:HD2	4	0.16
(1,426)	1:410:A:ARG:HA	1:410:A:ARG:HD3	4	0.16
(1,387)	1:358:A:ASP:HB2	1:363:A:ILE:HG21	10	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,387)	1:358:A:ASP:HB2	1:363:A:ILE:HG22	10	0.16
(1,387)	1:358:A:ASP:HB2	1:363:A:ILE:HG23	10	0.16
(1,387)	1:358:A:ASP:HB3	1:363:A:ILE:HG21	10	0.16
(1,387)	1:358:A:ASP:HB3	1:363:A:ILE:HG22	10	0.16
(1,387)	1:358:A:ASP:HB3	1:363:A:ILE:HG23	10	0.16
(1,359)	1:403:A:ILE:HG21	1:415:A:PHE:HE1	3	0.16
(1,359)	1:403:A:ILE:HG22	1:415:A:PHE:HE1	3	0.16
(1,359)	1:403:A:ILE:HG23	1:415:A:PHE:HE1	3	0.16
(1,344)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG21	7	0.16
(1,344)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG22	7	0.16
(1,344)	1:352:A:ASN:HA	1:367:A:VAL:HG23	7	0.16
(1,263)	1:348:A:SER:HA	1:351:A:GLU:HG2	8	0.16
(1,263)	1:348:A:SER:HA	1:351:A:GLU:HG3	8	0.16
(1,20)	1:345:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG21	2	0.16
(1,20)	1:345:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG22	2	0.16
(1,20)	1:345:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG23	2	0.16
(1,20)	1:345:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG21	7	0.16
(1,20)	1:345:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG22	7	0.16
(1,20)	1:345:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG23	7	0.16
(1,1505)	1:408:A:GLY:HA2	1:409:A:GLN:HG2	2	0.15
(1,1505)	1:408:A:GLY:HA2	1:409:A:GLN:HG3	2	0.15
(1,1505)	1:408:A:GLY:HA3	1:409:A:GLN:HG2	2	0.15
(1,1505)	1:408:A:GLY:HA3	1:409:A:GLN:HG3	2	0.15
(1,1434)	1:376:A:TRP:HZ2	1:380:A:LYS:HE2	2	0.15
(1,1434)	1:376:A:TRP:HZ2	1:380:A:LYS:HE3	2	0.15
(1,1400)	1:370:A:ASN:HB2	1:373:A:ALA:HB1	4	0.15
(1,1400)	1:370:A:ASN:HB2	1:373:A:ALA:HB2	4	0.15
(1,1400)	1:370:A:ASN:HB2	1:373:A:ALA:HB3	4	0.15
(1,1400)	1:370:A:ASN:HB3	1:373:A:ALA:HB1	4	0.15
(1,1400)	1:370:A:ASN:HB3	1:373:A:ALA:HB2	4	0.15
(1,1400)	1:370:A:ASN:HB3	1:373:A:ALA:HB3	4	0.15
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD11	8	0.15
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD12	8	0.15
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD13	8	0.15
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD21	8	0.15
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD22	8	0.15
(1,1389)	1:365:A:ARG:HD3	1:411:A:LEU:HD23	8	0.15
(1,1375)	1:357:A:GLU:HG2	1:412:A:LEU:HA	7	0.15
(1,1375)	1:357:A:GLU:HG3	1:412:A:LEU:HA	7	0.15
(1,1370)	1:354:A:ILE:H	1:375:A:LEU:HD11	7	0.15
(1,1370)	1:354:A:ILE:H	1:375:A:LEU:HD12	7	0.15
(1,1370)	1:354:A:ILE:H	1:375:A:LEU:HD13	7	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1370)	1:354:A:ILE:H	1:375:A:LEU:HD21	7	0.15
(1,1370)	1:354:A:ILE:H	1:375:A:LEU:HD22	7	0.15
(1,1370)	1:354:A:ILE:H	1:375:A:LEU:HD23	7	0.15
(1,1321)	1:345:A:LEU:HD11	1:354:A:ILE:HA	7	0.15
(1,1321)	1:345:A:LEU:HD12	1:354:A:ILE:HA	7	0.15
(1,1321)	1:345:A:LEU:HD13	1:354:A:ILE:HA	7	0.15
(1,1321)	1:345:A:LEU:HD21	1:354:A:ILE:HA	7	0.15
(1,1321)	1:345:A:LEU:HD22	1:354:A:ILE:HA	7	0.15
(1,1321)	1:345:A:LEU:HD23	1:354:A:ILE:HA	7	0.15
(1,1310)	1:344:A:LEU:HD11	1:354:A:ILE:HG21	9	0.15
(1,1310)	1:344:A:LEU:HD11	1:354:A:ILE:HG22	9	0.15
(1,1310)	1:344:A:LEU:HD11	1:354:A:ILE:HG23	9	0.15
(1,1310)	1:344:A:LEU:HD12	1:354:A:ILE:HG21	9	0.15
(1,1310)	1:344:A:LEU:HD12	1:354:A:ILE:HG22	9	0.15
(1,1310)	1:344:A:LEU:HD12	1:354:A:ILE:HG23	9	0.15
(1,1310)	1:344:A:LEU:HD13	1:354:A:ILE:HG21	9	0.15
(1,1310)	1:344:A:LEU:HD13	1:354:A:ILE:HG22	9	0.15
(1,1310)	1:344:A:LEU:HD13	1:354:A:ILE:HG23	9	0.15
(1,1310)	1:344:A:LEU:HD21	1:354:A:ILE:HG21	9	0.15
(1,1310)	1:344:A:LEU:HD21	1:354:A:ILE:HG22	9	0.15
(1,1310)	1:344:A:LEU:HD21	1:354:A:ILE:HG23	9	0.15
(1,1310)	1:344:A:LEU:HD22	1:354:A:ILE:HG21	9	0.15
(1,1310)	1:344:A:LEU:HD22	1:354:A:ILE:HG22	9	0.15
(1,1310)	1:344:A:LEU:HD22	1:354:A:ILE:HG23	9	0.15
(1,1310)	1:344:A:LEU:HD23	1:354:A:ILE:HG21	9	0.15
(1,1310)	1:344:A:LEU:HD23	1:354:A:ILE:HG22	9	0.15
(1,1310)	1:344:A:LEU:HD23	1:354:A:ILE:HG23	9	0.15
(1,1182)	1:353:A:PHE:HD2	1:375:A:LEU:HG	2	0.15
(1,1130)	1:340:A:TYR:H	1:340:A:TYR:HD2	7	0.15
(1,1034)	1:356:A:TRP:HB3	1:360:A:GLU:H	6	0.15
(1,896)	1:353:A:PHE:H	1:354:A:ILE:HB	10	0.15
(1,844)	1:359:A:LYS:HA	1:361:A:SER:H	7	0.15
(1,820)	1:366:A:ILE:HG21	1:371:A:GLY:H	10	0.15
(1,820)	1:366:A:ILE:HG22	1:371:A:GLY:H	10	0.15
(1,820)	1:366:A:ILE:HG23	1:371:A:GLY:H	10	0.15
(1,677)	1:366:A:ILE:H	1:366:A:ILE:HD11	5	0.15
(1,677)	1:366:A:ILE:H	1:366:A:ILE:HD12	5	0.15
(1,677)	1:366:A:ILE:H	1:366:A:ILE:HD13	5	0.15
(1,677)	1:366:A:ILE:H	1:366:A:ILE:HD11	10	0.15
(1,677)	1:366:A:ILE:H	1:366:A:ILE:HD12	10	0.15
(1,677)	1:366:A:ILE:H	1:366:A:ILE:HD13	10	0.15
(1,675)	1:365:A:ARG:HB2	1:366:A:ILE:H	2	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,675)	1:365:A:ARG:HB3	1:366:A:ILE:H	2	0.15
(1,484)	1:404:A:ARG:HA	1:404:A:ARG:HG2	10	0.15
(1,466)	1:392:A:ARG:H	1:392:A:ARG:HG2	10	0.15
(1,421)	1:405:A:LYS:HA	1:413:A:PHE:HB3	10	0.15
(1,330)	1:358:A:ASP:HA	1:361:A:SER:HB2	1	0.15
(1,240)	1:415:A:PHE:HA	1:415:A:PHE:HE1	9	0.15
(1,152)	1:354:A:ILE:H	1:355:A:ARG:HD2	10	0.15
(1,152)	1:354:A:ILE:H	1:355:A:ARG:HD3	10	0.15
(1,118)	1:353:A:PHE:HB3	1:372:A:LEU:HG	6	0.15
(1,115)	1:353:A:PHE:HB2	1:372:A:LEU:HB2	10	0.15
(1,84)	1:358:A:ASP:HA	1:360:A:GLU:HG2	8	0.15
(1,84)	1:358:A:ASP:HA	1:360:A:GLU:HG3	8	0.15
(1,74)	1:360:A:GLU:HG2	1:361:A:SER:H	1	0.15
(1,74)	1:360:A:GLU:HG3	1:361:A:SER:H	1	0.15
(1,49)	1:366:A:ILE:HG21	1:369:A:PRO:HB2	9	0.15
(1,49)	1:366:A:ILE:HG22	1:369:A:PRO:HB2	9	0.15
(1,49)	1:366:A:ILE:HG23	1:369:A:PRO:HB2	9	0.15
(1,46)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:HG21	4	0.15
(1,46)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:HG22	4	0.15
(1,46)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:HG23	4	0.15
(1,37)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HE1	9	0.15
(1,37)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HE2	9	0.15
(1,37)	1:376:A:TRP:HE1	1:390:A:MET:HE3	9	0.15
(1,10)	1:376:A:TRP:HZ2	1:385:A:MET:HE1	9	0.15
(1,10)	1:376:A:TRP:HZ2	1:385:A:MET:HE2	9	0.15
(1,10)	1:376:A:TRP:HZ2	1:385:A:MET:HE3	9	0.15
(1,1511)	1:409:A:GLN:HE21	1:412:A:LEU:HD11	6	0.14
(1,1511)	1:409:A:GLN:HE21	1:412:A:LEU:HD12	6	0.14
(1,1511)	1:409:A:GLN:HE21	1:412:A:LEU:HD13	6	0.14
(1,1511)	1:409:A:GLN:HE22	1:412:A:LEU:HD11	6	0.14
(1,1511)	1:409:A:GLN:HE22	1:412:A:LEU:HD12	6	0.14
(1,1511)	1:409:A:GLN:HE22	1:412:A:LEU:HD13	6	0.14
(1,1511)	1:409:A:GLN:HE21	1:412:A:LEU:HD21	6	0.14
(1,1511)	1:409:A:GLN:HE21	1:412:A:LEU:HD22	6	0.14
(1,1511)	1:409:A:GLN:HE21	1:412:A:LEU:HD23	6	0.14
(1,1511)	1:409:A:GLN:HE22	1:412:A:LEU:HD21	6	0.14
(1,1511)	1:409:A:GLN:HE22	1:412:A:LEU:HD22	6	0.14
(1,1511)	1:409:A:GLN:HE22	1:412:A:LEU:HD23	6	0.14
(1,1409)	1:372:A:LEU:HD11	1:374:A:ARG:H	9	0.14
(1,1409)	1:372:A:LEU:HD12	1:374:A:ARG:H	9	0.14
(1,1409)	1:372:A:LEU:HD13	1:374:A:ARG:H	9	0.14
(1,1409)	1:372:A:LEU:HD21	1:374:A:ARG:H	9	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1409)	1:372:A:LEU:HD22	1:374:A:ARG:H	9	0.14
(1,1409)	1:372:A:LEU:HD23	1:374:A:ARG:H	9	0.14
(1,1396)	1:369:A:PRO:HG2	1:411:A:LEU:HD11	4	0.14
(1,1396)	1:369:A:PRO:HG2	1:411:A:LEU:HD12	4	0.14
(1,1396)	1:369:A:PRO:HG2	1:411:A:LEU:HD13	4	0.14
(1,1396)	1:369:A:PRO:HG2	1:411:A:LEU:HD21	4	0.14
(1,1396)	1:369:A:PRO:HG2	1:411:A:LEU:HD22	4	0.14
(1,1396)	1:369:A:PRO:HG2	1:411:A:LEU:HD23	4	0.14
(1,1396)	1:369:A:PRO:HG3	1:411:A:LEU:HD11	4	0.14
(1,1396)	1:369:A:PRO:HG3	1:411:A:LEU:HD12	4	0.14
(1,1396)	1:369:A:PRO:HG3	1:411:A:LEU:HD13	4	0.14
(1,1396)	1:369:A:PRO:HG3	1:411:A:LEU:HD21	4	0.14
(1,1396)	1:369:A:PRO:HG3	1:411:A:LEU:HD22	4	0.14
(1,1396)	1:369:A:PRO:HG3	1:411:A:LEU:HD23	4	0.14
(1,1375)	1:357:A:GLU:HG2	1:412:A:LEU:HA	1	0.14
(1,1375)	1:357:A:GLU:HG3	1:412:A:LEU:HA	1	0.14
(1,1358)	1:352:A:ASN:H	1:352:A:ASN:HB2	5	0.14
(1,1358)	1:352:A:ASN:H	1:352:A:ASN:HB3	5	0.14
(1,1344)	1:348:A:SER:HB2	1:351:A:GLU:HB2	5	0.14
(1,1344)	1:348:A:SER:HB2	1:351:A:GLU:HB3	5	0.14
(1,1344)	1:348:A:SER:HB3	1:351:A:GLU:HB2	5	0.14
(1,1344)	1:348:A:SER:HB3	1:351:A:GLU:HB3	5	0.14
(1,1291)	1:341:A:VAL:HG11	1:364:A:PHE:HD2	6	0.14
(1,1291)	1:341:A:VAL:HG12	1:364:A:PHE:HD2	6	0.14
(1,1291)	1:341:A:VAL:HG13	1:364:A:PHE:HD2	6	0.14
(1,1291)	1:341:A:VAL:HG21	1:364:A:PHE:HD2	6	0.14
(1,1291)	1:341:A:VAL:HG22	1:364:A:PHE:HD2	6	0.14
(1,1291)	1:341:A:VAL:HG23	1:364:A:PHE:HD2	6	0.14
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG11	1:344:A:LEU:HD11	2	0.14
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG11	1:344:A:LEU:HD12	2	0.14
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG11	1:344:A:LEU:HD13	2	0.14
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG11	1:344:A:LEU:HD21	2	0.14
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG11	1:344:A:LEU:HD22	2	0.14
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG11	1:344:A:LEU:HD23	2	0.14
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG12	1:344:A:LEU:HD11	2	0.14
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG12	1:344:A:LEU:HD12	2	0.14
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG12	1:344:A:LEU:HD13	2	0.14
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG12	1:344:A:LEU:HD21	2	0.14
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG12	1:344:A:LEU:HD22	2	0.14
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG12	1:344:A:LEU:HD23	2	0.14
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG13	1:344:A:LEU:HD11	2	0.14
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG13	1:344:A:LEU:HD12	2	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG13	1:344:A:LEU:HD13	2	0.14
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG13	1:344:A:LEU:HD21	2	0.14
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG13	1:344:A:LEU:HD22	2	0.14
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG13	1:344:A:LEU:HD23	2	0.14
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG21	1:344:A:LEU:HD11	2	0.14
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG21	1:344:A:LEU:HD12	2	0.14
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG21	1:344:A:LEU:HD13	2	0.14
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG21	1:344:A:LEU:HD21	2	0.14
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG21	1:344:A:LEU:HD22	2	0.14
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG21	1:344:A:LEU:HD23	2	0.14
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG22	1:344:A:LEU:HD11	2	0.14
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG22	1:344:A:LEU:HD12	2	0.14
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG22	1:344:A:LEU:HD13	2	0.14
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG22	1:344:A:LEU:HD21	2	0.14
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG22	1:344:A:LEU:HD22	2	0.14
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG22	1:344:A:LEU:HD23	2	0.14
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG23	1:344:A:LEU:HD11	2	0.14
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG23	1:344:A:LEU:HD12	2	0.14
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG23	1:344:A:LEU:HD13	2	0.14
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG23	1:344:A:LEU:HD21	2	0.14
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG23	1:344:A:LEU:HD22	2	0.14
(1,1286)	1:341:A:VAL:HG23	1:344:A:LEU:HD23	2	0.14
(1,1252)	1:337:A:LEU:HD11	1:340:A:TYR:H	5	0.14
(1,1252)	1:337:A:LEU:HD12	1:340:A:TYR:H	5	0.14
(1,1252)	1:337:A:LEU:HD13	1:340:A:TYR:H	5	0.14
(1,1252)	1:337:A:LEU:HD21	1:340:A:TYR:H	5	0.14
(1,1252)	1:337:A:LEU:HD22	1:340:A:TYR:H	5	0.14
(1,1252)	1:337:A:LEU:HD23	1:340:A:TYR:H	5	0.14
(1,1216)	1:340:A:TYR:HE2	1:379:A:HIS:HB2	8	0.14
(1,1216)	1:340:A:TYR:HE2	1:379:A:HIS:HB3	8	0.14
(1,1186)	1:356:A:TRP:HD1	1:359:A:LYS:HE2	6	0.14
(1,1186)	1:356:A:TRP:HD1	1:359:A:LYS:HE3	6	0.14
(1,1127)	1:348:A:SER:H	1:350:A:TYR:H	7	0.14
(1,1033)	1:360:A:GLU:H	1:361:A:SER:HB2	10	0.14
(1,946)	1:358:A:ASP:H	1:363:A:ILE:HG21	7	0.14
(1,946)	1:358:A:ASP:H	1:363:A:ILE:HG22	7	0.14
(1,946)	1:358:A:ASP:H	1:363:A:ILE:HG23	7	0.14
(1,915)	1:359:A:LYS:HA	1:362:A:LYS:H	3	0.14
(1,908)	1:366:A:ILE:HA	1:368:A:ASP:H	5	0.14
(1,893)	1:369:A:PRO:HB2	1:370:A:ASN:H	5	0.14
(1,872)	1:352:A:ASN:H	1:354:A:ILE:HG21	3	0.14
(1,872)	1:352:A:ASN:H	1:354:A:ILE:HG22	3	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,872)	1:352:A:ASN:H	1:354:A:ILE:HG23	3	0.14
(1,848)	1:361:A:SER:H	1:363:A:ILE:HB	2	0.14
(1,821)	1:371:A:GLY:H	1:372:A:LEU:HB2	9	0.14
(1,798)	1:365:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HD3	8	0.14
(1,798)	1:365:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HD2	8	0.14
(1,688)	1:425:A:GLY:HA2	1:426:A:ARG:H	7	0.14
(1,688)	1:425:A:GLY:HA3	1:426:A:ARG:H	7	0.14
(1,655)	1:331:A:ILE:HB	1:332:A:ALA:H	8	0.14
(1,631)	1:365:A:ARG:HD3	1:367:A:VAL:H	4	0.14
(1,594)	1:346:A:SER:HB2	1:356:A:TRP:HE1	3	0.14
(1,594)	1:346:A:SER:HB3	1:356:A:TRP:HE1	3	0.14
(1,520)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD11	9	0.14
(1,520)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD12	9	0.14
(1,520)	1:396:A:HIS:HD2	1:400:A:LEU:HD13	9	0.14
(1,357)	1:332:A:ALA:HB1	1:333:A:ASP:HB2	8	0.14
(1,357)	1:332:A:ALA:HB1	1:333:A:ASP:HB3	8	0.14
(1,357)	1:332:A:ALA:HB2	1:333:A:ASP:HB2	8	0.14
(1,357)	1:332:A:ALA:HB2	1:333:A:ASP:HB3	8	0.14
(1,357)	1:332:A:ALA:HB3	1:333:A:ASP:HB2	8	0.14
(1,357)	1:332:A:ALA:HB3	1:333:A:ASP:HB3	8	0.14
(1,343)	1:353:A:PHE:HA	1:367:A:VAL:HG21	5	0.14
(1,343)	1:353:A:PHE:HA	1:367:A:VAL:HG22	5	0.14
(1,343)	1:353:A:PHE:HA	1:367:A:VAL:HG23	5	0.14
(1,125)	1:405:A:LYS:HG3	1:405:A:LYS:HE3	7	0.14
(1,88)	1:370:A:ASN:HA	1:387:A:TYR:HB3	10	0.14
(1,18)	1:354:A:ILE:HG21	1:366:A:ILE:HA	6	0.14
(1,18)	1:354:A:ILE:HG22	1:366:A:ILE:HA	6	0.14
(1,18)	1:354:A:ILE:HG23	1:366:A:ILE:HA	6	0.14
(1,10)	1:376:A:TRP:HZ2	1:385:A:MET:HE1	6	0.14
(1,10)	1:376:A:TRP:HZ2	1:385:A:MET:HE2	6	0.14
(1,10)	1:376:A:TRP:HZ2	1:385:A:MET:HE3	6	0.14
(1,1477)	1:397:A:TYR:HD1	1:400:A:LEU:HD11	8	0.13
(1,1477)	1:397:A:TYR:HD1	1:400:A:LEU:HD12	8	0.13
(1,1477)	1:397:A:TYR:HD1	1:400:A:LEU:HD13	8	0.13
(1,1477)	1:397:A:TYR:HD1	1:400:A:LEU:HD21	8	0.13
(1,1477)	1:397:A:TYR:HD1	1:400:A:LEU:HD22	8	0.13
(1,1477)	1:397:A:TYR:HD1	1:400:A:LEU:HD23	8	0.13
(1,1366)	1:353:A:PHE:HB3	1:375:A:LEU:HD11	4	0.13
(1,1366)	1:353:A:PHE:HB3	1:375:A:LEU:HD12	4	0.13
(1,1366)	1:353:A:PHE:HB3	1:375:A:LEU:HD13	4	0.13
(1,1366)	1:353:A:PHE:HB3	1:375:A:LEU:HD21	4	0.13
(1,1366)	1:353:A:PHE:HB3	1:375:A:LEU:HD22	4	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1366)	1:353:A:PHE:HB3	1:375:A:LEU:HD23	4	0.13
(1,1360)	1:352:A:ASN:HB2	1:367:A:VAL:HB	1	0.13
(1,1360)	1:352:A:ASN:HB3	1:367:A:VAL:HB	1	0.13
(1,1360)	1:352:A:ASN:HB2	1:367:A:VAL:HB	9	0.13
(1,1360)	1:352:A:ASN:HB3	1:367:A:VAL:HB	9	0.13
(1,1346)	1:349:A:ARG:H	1:349:A:ARG:HD2	8	0.13
(1,1346)	1:349:A:ARG:H	1:349:A:ARG:HD3	8	0.13
(1,1340)	1:345:A:LEU:HD11	1:365:A:ARG:H	4	0.13
(1,1340)	1:345:A:LEU:HD12	1:365:A:ARG:H	4	0.13
(1,1340)	1:345:A:LEU:HD13	1:365:A:ARG:H	4	0.13
(1,1340)	1:345:A:LEU:HD21	1:365:A:ARG:H	4	0.13
(1,1340)	1:345:A:LEU:HD22	1:365:A:ARG:H	4	0.13
(1,1340)	1:345:A:LEU:HD23	1:365:A:ARG:H	4	0.13
(1,1267)	1:337:A:LEU:HD11	1:393:A:ALA:H	1	0.13
(1,1267)	1:337:A:LEU:HD12	1:393:A:ALA:H	1	0.13
(1,1267)	1:337:A:LEU:HD13	1:393:A:ALA:H	1	0.13
(1,1267)	1:337:A:LEU:HD21	1:393:A:ALA:H	1	0.13
(1,1267)	1:337:A:LEU:HD22	1:393:A:ALA:H	1	0.13
(1,1267)	1:337:A:LEU:HD23	1:393:A:ALA:H	1	0.13
(1,1265)	1:337:A:LEU:HD11	1:390:A:MET:HA	8	0.13
(1,1265)	1:337:A:LEU:HD12	1:390:A:MET:HA	8	0.13
(1,1265)	1:337:A:LEU:HD13	1:390:A:MET:HA	8	0.13
(1,1265)	1:337:A:LEU:HD21	1:390:A:MET:HA	8	0.13
(1,1265)	1:337:A:LEU:HD22	1:390:A:MET:HA	8	0.13
(1,1265)	1:337:A:LEU:HD23	1:390:A:MET:HA	8	0.13
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD11	1:341:A:VAL:HA	1	0.13
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD12	1:341:A:VAL:HA	1	0.13
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD13	1:341:A:VAL:HA	1	0.13
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD21	1:341:A:VAL:HA	1	0.13
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD22	1:341:A:VAL:HA	1	0.13
(1,1256)	1:337:A:LEU:HD23	1:341:A:VAL:HA	1	0.13
(1,1187)	1:356:A:TRP:HD1	1:359:A:LYS:HD2	2	0.13
(1,1187)	1:356:A:TRP:HD1	1:359:A:LYS:HD3	2	0.13
(1,1129)	1:398:A:TYR:H	1:402:A:ILE:HD11	9	0.13
(1,1129)	1:398:A:TYR:H	1:402:A:ILE:HD12	9	0.13
(1,1129)	1:398:A:TYR:H	1:402:A:ILE:HD13	9	0.13
(1,1108)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:H	2	0.13
(1,1108)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:H	3	0.13
(1,1072)	1:421:A:GLU:H	1:422:A:ILE:HB	2	0.13
(1,1008)	1:412:A:LEU:H	1:413:A:PHE:HD1	6	0.13
(1,911)	1:366:A:ILE:HG21	1:368:A:ASP:H	4	0.13
(1,911)	1:366:A:ILE:HG22	1:368:A:ASP:H	4	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,911)	1:366:A:ILE:HG23	1:368:A:ASP:H	4	0.13
(1,900)	1:353:A:PHE:H	1:354:A:ILE:HA	7	0.13
(1,860)	1:385:A:MET:HB3	1:386:A:THR:H	3	0.13
(1,830)	1:417:A:LYS:HE2	1:418:A:THR:H	9	0.13
(1,830)	1:417:A:LYS:HE3	1:418:A:THR:H	9	0.13
(1,821)	1:371:A:GLY:H	1:372:A:LEU:HB2	3	0.13
(1,760)	1:345:A:LEU:HB3	1:356:A:TRP:H	8	0.13
(1,702)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:H	8	0.13
(1,683)	1:405:A:LYS:H	1:413:A:PHE:HD2	7	0.13
(1,675)	1:365:A:ARG:HB2	1:366:A:ILE:H	10	0.13
(1,675)	1:365:A:ARG:HB3	1:366:A:ILE:H	10	0.13
(1,673)	1:365:A:ARG:HD2	1:366:A:ILE:H	1	0.13
(1,655)	1:331:A:ILE:HB	1:332:A:ALA:H	6	0.13
(1,631)	1:365:A:ARG:HD3	1:367:A:VAL:H	9	0.13
(1,621)	1:357:A:GLU:HB2	1:364:A:PHE:H	7	0.13
(1,621)	1:357:A:GLU:HB3	1:364:A:PHE:H	7	0.13
(1,592)	1:356:A:TRP:HA	1:356:A:TRP:HE1	5	0.13
(1,574)	1:353:A:PHE:HA	1:367:A:VAL:HG11	2	0.13
(1,574)	1:353:A:PHE:HA	1:367:A:VAL:HG12	2	0.13
(1,574)	1:353:A:PHE:HA	1:367:A:VAL:HG13	2	0.13
(1,574)	1:353:A:PHE:HA	1:367:A:VAL:HG11	3	0.13
(1,574)	1:353:A:PHE:HA	1:367:A:VAL:HG12	3	0.13
(1,574)	1:353:A:PHE:HA	1:367:A:VAL:HG13	3	0.13
(1,568)	1:386:A:THR:HG21	1:389:A:LYS:HE2	7	0.13
(1,568)	1:386:A:THR:HG21	1:389:A:LYS:HE3	7	0.13
(1,568)	1:386:A:THR:HG22	1:389:A:LYS:HE2	7	0.13
(1,568)	1:386:A:THR:HG22	1:389:A:LYS:HE3	7	0.13
(1,568)	1:386:A:THR:HG23	1:389:A:LYS:HE2	7	0.13
(1,568)	1:386:A:THR:HG23	1:389:A:LYS:HE3	7	0.13
(1,510)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD11	5	0.13
(1,510)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD12	5	0.13
(1,510)	1:406:A:GLU:H	1:412:A:LEU:HD13	5	0.13
(1,473)	1:426:A:ARG:H	1:426:A:ARG:HG2	8	0.13
(1,473)	1:426:A:ARG:H	1:426:A:ARG:HG3	8	0.13
(1,466)	1:392:A:ARG:H	1:392:A:ARG:HG2	2	0.13
(1,462)	1:417:A:LYS:HD2	1:418:A:THR:H	1	0.13
(1,462)	1:417:A:LYS:HD3	1:418:A:THR:H	1	0.13
(1,384)	1:363:A:ILE:HG21	1:412:A:LEU:HA	4	0.13
(1,384)	1:363:A:ILE:HG22	1:412:A:LEU:HA	4	0.13
(1,384)	1:363:A:ILE:HG23	1:412:A:LEU:HA	4	0.13
(1,377)	1:373:A:ALA:HB1	1:385:A:MET:HB3	10	0.13
(1,377)	1:373:A:ALA:HB2	1:385:A:MET:HB3	10	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,377)	1:373:A:ALA:HB3	1:385:A:MET:HB3	10	0.13
(1,377)	1:373:A:ALA:HB1	1:385:A:MET:HB2	10	0.13
(1,377)	1:373:A:ALA:HB2	1:385:A:MET:HB2	10	0.13
(1,377)	1:373:A:ALA:HB3	1:385:A:MET:HB2	10	0.13
(1,330)	1:358:A:ASP:HA	1:361:A:SER:HB2	3	0.13
(1,263)	1:348:A:SER:HA	1:351:A:GLU:HG2	2	0.13
(1,263)	1:348:A:SER:HA	1:351:A:GLU:HG3	2	0.13
(1,252)	1:359:A:LYS:HA	1:359:A:LYS:HG2	3	0.13
(1,252)	1:359:A:LYS:HA	1:359:A:LYS:HG2	4	0.13
(1,204)	1:355:A:ARG:HA	1:367:A:VAL:HG21	2	0.13
(1,204)	1:355:A:ARG:HA	1:367:A:VAL:HG22	2	0.13
(1,204)	1:355:A:ARG:HA	1:367:A:VAL:HG23	2	0.13
(1,179)	1:365:A:ARG:HB2	1:412:A:LEU:HA	4	0.13
(1,179)	1:365:A:ARG:HB3	1:412:A:LEU:HA	4	0.13
(1,94)	1:366:A:ILE:HB	1:413:A:PHE:HZ	3	0.13
(1,20)	1:345:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG21	4	0.13
(1,20)	1:345:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG22	4	0.13
(1,20)	1:345:A:LEU:H	1:354:A:ILE:HG23	4	0.13
(1,7)	1:385:A:MET:HA	1:385:A:MET:HE1	9	0.13
(1,7)	1:385:A:MET:HA	1:385:A:MET:HE2	9	0.13
(1,7)	1:385:A:MET:HA	1:385:A:MET:HE3	9	0.13
(1,5)	1:376:A:TRP:HB3	1:385:A:MET:HE1	3	0.13
(1,5)	1:376:A:TRP:HB3	1:385:A:MET:HE2	3	0.13
(1,5)	1:376:A:TRP:HB3	1:385:A:MET:HE3	3	0.13
(1,1493)	1:405:A:LYS:HG2	1:406:A:GLU:H	8	0.12
(1,1493)	1:405:A:LYS:HG3	1:406:A:GLU:H	8	0.12
(1,1400)	1:370:A:ASN:HB2	1:373:A:ALA:HB1	7	0.12
(1,1400)	1:370:A:ASN:HB2	1:373:A:ALA:HB2	7	0.12
(1,1400)	1:370:A:ASN:HB2	1:373:A:ALA:HB3	7	0.12
(1,1400)	1:370:A:ASN:HB3	1:373:A:ALA:HB1	7	0.12
(1,1400)	1:370:A:ASN:HB3	1:373:A:ALA:HB2	7	0.12
(1,1400)	1:370:A:ASN:HB3	1:373:A:ALA:HB3	7	0.12
(1,1388)	1:365:A:ARG:HA	1:411:A:LEU:HD11	7	0.12
(1,1388)	1:365:A:ARG:HA	1:411:A:LEU:HD12	7	0.12
(1,1388)	1:365:A:ARG:HA	1:411:A:LEU:HD13	7	0.12
(1,1388)	1:365:A:ARG:HA	1:411:A:LEU:HD21	7	0.12
(1,1388)	1:365:A:ARG:HA	1:411:A:LEU:HD22	7	0.12
(1,1388)	1:365:A:ARG:HA	1:411:A:LEU:HD23	7	0.12
(1,1376)	1:359:A:LYS:HA	1:362:A:LYS:HG2	2	0.12
(1,1376)	1:359:A:LYS:HA	1:362:A:LYS:HG3	2	0.12
(1,1325)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:H	1	0.12
(1,1325)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:H	1	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1325)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:H	1	0.12
(1,1325)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:H	1	0.12
(1,1325)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:H	1	0.12
(1,1325)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:H	1	0.12
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD11	1:390:A:MET:HE1	10	0.12
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD11	1:390:A:MET:HE2	10	0.12
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD11	1:390:A:MET:HE3	10	0.12
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD12	1:390:A:MET:HE1	10	0.12
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD12	1:390:A:MET:HE2	10	0.12
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD12	1:390:A:MET:HE3	10	0.12
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD13	1:390:A:MET:HE1	10	0.12
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD13	1:390:A:MET:HE2	10	0.12
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD13	1:390:A:MET:HE3	10	0.12
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD21	1:390:A:MET:HE1	10	0.12
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD21	1:390:A:MET:HE2	10	0.12
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD21	1:390:A:MET:HE3	10	0.12
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD22	1:390:A:MET:HE1	10	0.12
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD22	1:390:A:MET:HE2	10	0.12
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD22	1:390:A:MET:HE3	10	0.12
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD23	1:390:A:MET:HE1	10	0.12
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD23	1:390:A:MET:HE2	10	0.12
(1,1315)	1:344:A:LEU:HD23	1:390:A:MET:HE3	10	0.12
(1,1290)	1:341:A:VAL:HG11	1:364:A:PHE:HE2	7	0.12
(1,1290)	1:341:A:VAL:HG12	1:364:A:PHE:HE2	7	0.12
(1,1290)	1:341:A:VAL:HG13	1:364:A:PHE:HE2	7	0.12
(1,1290)	1:341:A:VAL:HG21	1:364:A:PHE:HE2	7	0.12
(1,1290)	1:341:A:VAL:HG22	1:364:A:PHE:HE2	7	0.12
(1,1290)	1:341:A:VAL:HG23	1:364:A:PHE:HE2	7	0.12
(1,1262)	1:337:A:LEU:HD11	1:376:A:TRP:HZ2	8	0.12
(1,1262)	1:337:A:LEU:HD12	1:376:A:TRP:HZ2	8	0.12
(1,1262)	1:337:A:LEU:HD13	1:376:A:TRP:HZ2	8	0.12
(1,1262)	1:337:A:LEU:HD21	1:376:A:TRP:HZ2	8	0.12
(1,1262)	1:337:A:LEU:HD22	1:376:A:TRP:HZ2	8	0.12
(1,1262)	1:337:A:LEU:HD23	1:376:A:TRP:HZ2	8	0.12
(1,1250)	1:337:A:LEU:HB2	1:341:A:VAL:HB	2	0.12
(1,1250)	1:337:A:LEU:HB3	1:341:A:VAL:HB	2	0.12
(1,1216)	1:340:A:TYR:HE2	1:379:A:HIS:HB2	3	0.12
(1,1216)	1:340:A:TYR:HE2	1:379:A:HIS:HB3	3	0.12
(1,1191)	1:336:A:LEU:HB2	1:338:A:TRP:HD1	8	0.12
(1,1191)	1:336:A:LEU:HB3	1:338:A:TRP:HD1	8	0.12
(1,1035)	1:358:A:ASP:HB2	1:360:A:GLU:H	7	0.12
(1,1035)	1:358:A:ASP:HB3	1:360:A:GLU:H	7	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1009)	1:412:A:LEU:H	1:413:A:PHE:HZ	10	0.12
(1,993)	1:358:A:ASP:HB2	1:363:A:ILE:H	7	0.12
(1,993)	1:358:A:ASP:HB3	1:363:A:ILE:H	7	0.12
(1,908)	1:366:A:ILE:HA	1:368:A:ASP:H	2	0.12
(1,900)	1:353:A:PHE:H	1:354:A:ILE:HA	1	0.12
(1,862)	1:373:A:ALA:HB1	1:386:A:THR:H	6	0.12
(1,862)	1:373:A:ALA:HB2	1:386:A:THR:H	6	0.12
(1,862)	1:373:A:ALA:HB3	1:386:A:THR:H	6	0.12
(1,857)	1:402:A:ILE:H	1:403:A:ILE:HG12	3	0.12
(1,857)	1:402:A:ILE:H	1:403:A:ILE:HG13	3	0.12
(1,821)	1:371:A:GLY:H	1:372:A:LEU:HB2	1	0.12
(1,800)	1:365:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HG2	2	0.12
(1,721)	1:347:A:ASP:HB3	1:349:A:ARG:H	10	0.12
(1,677)	1:366:A:ILE:H	1:366:A:ILE:HD11	6	0.12
(1,677)	1:366:A:ILE:H	1:366:A:ILE:HD12	6	0.12
(1,677)	1:366:A:ILE:H	1:366:A:ILE:HD13	6	0.12
(1,675)	1:365:A:ARG:HB2	1:366:A:ILE:H	1	0.12
(1,675)	1:365:A:ARG:HB3	1:366:A:ILE:H	1	0.12
(1,655)	1:331:A:ILE:HB	1:332:A:ALA:H	2	0.12
(1,655)	1:331:A:ILE:HB	1:332:A:ALA:H	10	0.12
(1,640)	1:406:A:GLU:H	1:413:A:PHE:HA	6	0.12
(1,628)	1:353:A:PHE:HA	1:367:A:VAL:H	1	0.12
(1,624)	1:363:A:ILE:HG12	1:364:A:PHE:H	9	0.12
(1,624)	1:363:A:ILE:HG13	1:364:A:PHE:H	9	0.12
(1,621)	1:357:A:GLU:HB2	1:364:A:PHE:H	9	0.12
(1,621)	1:357:A:GLU:HB3	1:364:A:PHE:H	9	0.12
(1,546)	1:336:A:LEU:HD11	1:338:A:TRP:HH2	9	0.12
(1,546)	1:336:A:LEU:HD12	1:338:A:TRP:HH2	9	0.12
(1,546)	1:336:A:LEU:HD13	1:338:A:TRP:HH2	9	0.12
(1,501)	1:336:A:LEU:HA	1:336:A:LEU:HD21	6	0.12
(1,501)	1:336:A:LEU:HA	1:336:A:LEU:HD22	6	0.12
(1,501)	1:336:A:LEU:HA	1:336:A:LEU:HD23	6	0.12
(1,483)	1:363:A:ILE:HD11	1:414:A:ARG:HG2	6	0.12
(1,483)	1:363:A:ILE:HD11	1:414:A:ARG:HG3	6	0.12
(1,483)	1:363:A:ILE:HD12	1:414:A:ARG:HG2	6	0.12
(1,483)	1:363:A:ILE:HD12	1:414:A:ARG:HG3	6	0.12
(1,483)	1:363:A:ILE:HD13	1:414:A:ARG:HG2	6	0.12
(1,483)	1:363:A:ILE:HD13	1:414:A:ARG:HG3	6	0.12
(1,481)	1:355:A:ARG:H	1:365:A:ARG:HG2	6	0.12
(1,448)	1:374:A:ARG:H	1:385:A:MET:HB3	4	0.12
(1,443)	1:332:A:ALA:HB1	1:333:A:ASP:HA	10	0.12
(1,443)	1:332:A:ALA:HB2	1:333:A:ASP:HA	10	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,443)	1:332:A:ALA:HB3	1:333:A:ASP:HA	10	0.12
(1,439)	1:378:A:ASN:HA	1:378:A:ASN:HD21	2	0.12
(1,426)	1:410:A:ARG:HA	1:410:A:ARG:HD2	3	0.12
(1,426)	1:410:A:ARG:HA	1:410:A:ARG:HD3	3	0.12
(1,384)	1:363:A:ILE:HG21	1:412:A:LEU:HA	6	0.12
(1,384)	1:363:A:ILE:HG22	1:412:A:LEU:HA	6	0.12
(1,384)	1:363:A:ILE:HG23	1:412:A:LEU:HA	6	0.12
(1,330)	1:358:A:ASP:HA	1:361:A:SER:HB2	2	0.12
(1,252)	1:359:A:LYS:HA	1:359:A:LYS:HG2	1	0.12
(1,250)	1:358:A:ASP:H	1:359:A:LYS:HA	9	0.12
(1,192)	1:332:A:ALA:HA	1:333:A:ASP:HB2	9	0.12
(1,192)	1:332:A:ALA:HA	1:333:A:ASP:HB3	9	0.12
(1,166)	1:328:A:MET:HB2	1:329:A:GLY:HA2	10	0.12
(1,166)	1:328:A:MET:HB2	1:329:A:GLY:HA3	10	0.12
(1,166)	1:328:A:MET:HB3	1:329:A:GLY:HA2	10	0.12
(1,166)	1:328:A:MET:HB3	1:329:A:GLY:HA3	10	0.12
(1,111)	1:362:A:LYS:HD2	1:415:A:PHE:HB3	2	0.12
(1,111)	1:362:A:LYS:HD3	1:415:A:PHE:HB3	2	0.12
(1,111)	1:362:A:LYS:HD2	1:415:A:PHE:HB2	2	0.12
(1,111)	1:362:A:LYS:HD3	1:415:A:PHE:HB2	2	0.12
(1,44)	1:357:A:GLU:HB2	1:363:A:ILE:H	3	0.12
(1,44)	1:357:A:GLU:HB3	1:363:A:ILE:H	3	0.12
(1,26)	1:387:A:TYR:HA	1:390:A:MET:HE1	2	0.12
(1,26)	1:387:A:TYR:HA	1:390:A:MET:HE2	2	0.12
(1,26)	1:387:A:TYR:HA	1:390:A:MET:HE3	2	0.12
(1,1478)	1:398:A:TYR:HE1	1:405:A:LYS:HE2	6	0.11
(1,1478)	1:398:A:TYR:HE1	1:405:A:LYS:HE3	6	0.11
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD11	6	0.11
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD12	6	0.11
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD13	6	0.11
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD21	6	0.11
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD22	6	0.11
(1,1449)	1:387:A:TYR:HE1	1:411:A:LEU:HD23	6	0.11
(1,1423)	1:374:A:ARG:HB2	1:378:A:ASN:HD21	5	0.11
(1,1423)	1:374:A:ARG:HB3	1:378:A:ASN:HD21	5	0.11
(1,1409)	1:372:A:LEU:HD11	1:374:A:ARG:H	1	0.11
(1,1409)	1:372:A:LEU:HD12	1:374:A:ARG:H	1	0.11
(1,1409)	1:372:A:LEU:HD13	1:374:A:ARG:H	1	0.11
(1,1409)	1:372:A:LEU:HD21	1:374:A:ARG:H	1	0.11
(1,1409)	1:372:A:LEU:HD22	1:374:A:ARG:H	1	0.11
(1,1409)	1:372:A:LEU:HD23	1:374:A:ARG:H	1	0.11
(1,1350)	1:349:A:ARG:HD2	1:350:A:TYR:H	1	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1350)	1:349:A:ARG:HD3	1:350:A:TYR:H	1	0.11
(1,1340)	1:345:A:LEU:HD11	1:365:A:ARG:H	3	0.11
(1,1340)	1:345:A:LEU:HD12	1:365:A:ARG:H	3	0.11
(1,1340)	1:345:A:LEU:HD13	1:365:A:ARG:H	3	0.11
(1,1340)	1:345:A:LEU:HD21	1:365:A:ARG:H	3	0.11
(1,1340)	1:345:A:LEU:HD22	1:365:A:ARG:H	3	0.11
(1,1340)	1:345:A:LEU:HD23	1:365:A:ARG:H	3	0.11
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HB2	5	0.11
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD11	1:355:A:ARG:HB3	5	0.11
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HB2	5	0.11
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD12	1:355:A:ARG:HB3	5	0.11
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HB2	5	0.11
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD13	1:355:A:ARG:HB3	5	0.11
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HB2	5	0.11
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD21	1:355:A:ARG:HB3	5	0.11
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HB2	5	0.11
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD22	1:355:A:ARG:HB3	5	0.11
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HB2	5	0.11
(1,1327)	1:345:A:LEU:HD23	1:355:A:ARG:HB3	5	0.11
(1,1323)	1:345:A:LEU:HD11	1:354:A:ILE:HG21	3	0.11
(1,1323)	1:345:A:LEU:HD11	1:354:A:ILE:HG22	3	0.11
(1,1323)	1:345:A:LEU:HD11	1:354:A:ILE:HG23	3	0.11
(1,1323)	1:345:A:LEU:HD12	1:354:A:ILE:HG21	3	0.11
(1,1323)	1:345:A:LEU:HD12	1:354:A:ILE:HG22	3	0.11
(1,1323)	1:345:A:LEU:HD12	1:354:A:ILE:HG23	3	0.11
(1,1323)	1:345:A:LEU:HD13	1:354:A:ILE:HG21	3	0.11
(1,1323)	1:345:A:LEU:HD13	1:354:A:ILE:HG22	3	0.11
(1,1323)	1:345:A:LEU:HD13	1:354:A:ILE:HG23	3	0.11
(1,1323)	1:345:A:LEU:HD21	1:354:A:ILE:HG21	3	0.11
(1,1323)	1:345:A:LEU:HD21	1:354:A:ILE:HG22	3	0.11
(1,1323)	1:345:A:LEU:HD21	1:354:A:ILE:HG23	3	0.11
(1,1323)	1:345:A:LEU:HD22	1:354:A:ILE:HG21	3	0.11
(1,1323)	1:345:A:LEU:HD22	1:354:A:ILE:HG22	3	0.11
(1,1323)	1:345:A:LEU:HD22	1:354:A:ILE:HG23	3	0.11
(1,1323)	1:345:A:LEU:HD23	1:354:A:ILE:HG21	3	0.11
(1,1323)	1:345:A:LEU:HD23	1:354:A:ILE:HG22	3	0.11
(1,1323)	1:345:A:LEU:HD23	1:354:A:ILE:HG23	3	0.11
(1,1113)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:HB	2	0.11
(1,1110)	1:327:A:HIS:HE1	1:328:A:MET:H	2	0.11
(1,1038)	1:358:A:ASP:HA	1:360:A:GLU:H	8	0.11
(1,1036)	1:403:A:ILE:HA	1:414:A:ARG:H	8	0.11
(1,1009)	1:412:A:LEU:H	1:413:A:PHE:HZ	2	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,982)	1:394:A:LEU:H	1:396:A:HIS:HB2	10	0.11
(1,982)	1:394:A:LEU:H	1:396:A:HIS:HB3	10	0.11
(1,900)	1:353:A:PHE:H	1:354:A:ILE:HA	4	0.11
(1,900)	1:353:A:PHE:H	1:354:A:ILE:HA	6	0.11
(1,891)	1:369:A:PRO:HG2	1:370:A:ASN:H	1	0.11
(1,891)	1:369:A:PRO:HG3	1:370:A:ASN:H	1	0.11
(1,848)	1:361:A:SER:H	1:363:A:ILE:HB	3	0.11
(1,824)	1:375:A:LEU:HB2	1:378:A:ASN:HD21	4	0.11
(1,824)	1:375:A:LEU:HB3	1:378:A:ASN:HD21	4	0.11
(1,741)	1:347:A:ASP:H	1:347:A:ASP:HB2	2	0.11
(1,700)	1:363:A:ILE:HG21	1:415:A:PHE:H	3	0.11
(1,700)	1:363:A:ILE:HG22	1:415:A:PHE:H	3	0.11
(1,700)	1:363:A:ILE:HG23	1:415:A:PHE:H	3	0.11
(1,677)	1:366:A:ILE:H	1:366:A:ILE:HD11	1	0.11
(1,677)	1:366:A:ILE:H	1:366:A:ILE:HD12	1	0.11
(1,677)	1:366:A:ILE:H	1:366:A:ILE:HD13	1	0.11
(1,670)	1:354:A:ILE:HA	1:366:A:ILE:H	2	0.11
(1,592)	1:356:A:TRP:HA	1:356:A:TRP:HE1	2	0.11
(1,511)	1:412:A:LEU:H	1:412:A:LEU:HD21	7	0.11
(1,511)	1:412:A:LEU:H	1:412:A:LEU:HD22	7	0.11
(1,511)	1:412:A:LEU:H	1:412:A:LEU:HD23	7	0.11
(1,511)	1:412:A:LEU:H	1:412:A:LEU:HD11	7	0.11
(1,511)	1:412:A:LEU:H	1:412:A:LEU:HD12	7	0.11
(1,511)	1:412:A:LEU:H	1:412:A:LEU:HD13	7	0.11
(1,439)	1:378:A:ASN:HA	1:378:A:ASN:HD21	6	0.11
(1,435)	1:370:A:ASN:HA	1:387:A:TYR:HB2	4	0.11
(1,411)	1:365:A:ARG:HD3	1:367:A:VAL:HA	9	0.11
(1,411)	1:365:A:ARG:HD2	1:367:A:VAL:HA	9	0.11
(1,398)	1:354:A:ILE:HA	1:366:A:ILE:HG21	4	0.11
(1,398)	1:354:A:ILE:HA	1:366:A:ILE:HG22	4	0.11
(1,398)	1:354:A:ILE:HA	1:366:A:ILE:HG23	4	0.11
(1,385)	1:358:A:ASP:HA	1:363:A:ILE:HG21	2	0.11
(1,385)	1:358:A:ASP:HA	1:363:A:ILE:HG22	2	0.11
(1,385)	1:358:A:ASP:HA	1:363:A:ILE:HG23	2	0.11
(1,252)	1:359:A:LYS:HA	1:359:A:LYS:HG2	8	0.11
(1,220)	1:356:A:TRP:HB2	1:359:A:LYS:HD2	10	0.11
(1,220)	1:356:A:TRP:HB2	1:359:A:LYS:HD3	10	0.11
(1,104)	1:420:A:ASP:H	1:420:A:ASP:HB2	4	0.11
(1,5)	1:376:A:TRP:HB3	1:385:A:MET:HE1	2	0.11
(1,5)	1:376:A:TRP:HB3	1:385:A:MET:HE2	2	0.11
(1,5)	1:376:A:TRP:HB3	1:385:A:MET:HE3	2	0.11
(1,1410)	1:372:A:LEU:HD11	1:375:A:LEU:H	3	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1410)	1:372:A:LEU:HD12	1:375:A:LEU:H	3	0.1
(1,1410)	1:372:A:LEU:HD13	1:375:A:LEU:H	3	0.1
(1,1410)	1:372:A:LEU:HD21	1:375:A:LEU:H	3	0.1
(1,1410)	1:372:A:LEU:HD22	1:375:A:LEU:H	3	0.1
(1,1410)	1:372:A:LEU:HD23	1:375:A:LEU:H	3	0.1
(1,1409)	1:372:A:LEU:HD11	1:374:A:ARG:H	2	0.1
(1,1409)	1:372:A:LEU:HD12	1:374:A:ARG:H	2	0.1
(1,1409)	1:372:A:LEU:HD13	1:374:A:ARG:H	2	0.1
(1,1409)	1:372:A:LEU:HD21	1:374:A:ARG:H	2	0.1
(1,1409)	1:372:A:LEU:HD22	1:374:A:ARG:H	2	0.1
(1,1409)	1:372:A:LEU:HD23	1:374:A:ARG:H	2	0.1
(1,1295)	1:343:A:GLN:HA	1:343:A:GLN:HE21	4	0.1
(1,1295)	1:343:A:GLN:HA	1:343:A:GLN:HE22	4	0.1
(1,1180)	1:353:A:PHE:HD2	1:372:A:LEU:HA	5	0.1
(1,1108)	1:354:A:ILE:H	1:367:A:VAL:H	1	0.1
(1,1057)	1:373:A:ALA:H	1:376:A:TRP:HB2	3	0.1
(1,1057)	1:373:A:ALA:H	1:376:A:TRP:HB3	3	0.1
(1,1057)	1:373:A:ALA:H	1:376:A:TRP:HB2	5	0.1
(1,1057)	1:373:A:ALA:H	1:376:A:TRP:HB3	5	0.1
(1,1033)	1:360:A:GLU:H	1:361:A:SER:HB2	9	0.1
(1,936)	1:358:A:ASP:H	1:364:A:PHE:HA	4	0.1
(1,913)	1:362:A:LYS:H	1:363:A:ILE:HD11	4	0.1
(1,913)	1:362:A:LYS:H	1:363:A:ILE:HD12	4	0.1
(1,913)	1:362:A:LYS:H	1:363:A:ILE:HD13	4	0.1
(1,891)	1:369:A:PRO:HG2	1:370:A:ASN:H	6	0.1
(1,891)	1:369:A:PRO:HG3	1:370:A:ASN:H	6	0.1
(1,891)	1:369:A:PRO:HG2	1:370:A:ASN:H	9	0.1
(1,891)	1:369:A:PRO:HG3	1:370:A:ASN:H	9	0.1
(1,880)	1:420:A:ASP:H	1:420:A:ASP:HB3	5	0.1
(1,850)	1:360:A:GLU:HB2	1:361:A:SER:H	3	0.1
(1,850)	1:360:A:GLU:HB3	1:361:A:SER:H	3	0.1
(1,775)	1:343:A:GLN:HG2	1:344:A:LEU:H	4	0.1
(1,775)	1:343:A:GLN:HG3	1:344:A:LEU:H	4	0.1
(1,762)	1:413:A:PHE:H	1:413:A:PHE:HD1	9	0.1
(1,501)	1:336:A:LEU:HA	1:336:A:LEU:HD21	1	0.1
(1,501)	1:336:A:LEU:HA	1:336:A:LEU:HD22	1	0.1
(1,501)	1:336:A:LEU:HA	1:336:A:LEU:HD23	1	0.1
(1,495)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD11	3	0.1
(1,495)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD12	3	0.1
(1,495)	1:366:A:ILE:H	1:411:A:LEU:HD13	3	0.1
(1,450)	1:357:A:GLU:HB2	1:358:A:ASP:HA	3	0.1
(1,450)	1:357:A:GLU:HB3	1:358:A:ASP:HA	3	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,393)	1:366:A:ILE:HG21	1:372:A:LEU:H	1	0.1
(1,393)	1:366:A:ILE:HG22	1:372:A:LEU:H	1	0.1
(1,393)	1:366:A:ILE:HG23	1:372:A:LEU:H	1	0.1
(1,330)	1:358:A:ASP:HA	1:361:A:SER:HB2	6	0.1
(1,303)	1:382:A:ARG:HG2	1:383:A:THR:HA	7	0.1
(1,303)	1:382:A:ARG:HG3	1:383:A:THR:HA	7	0.1
(1,284)	1:403:A:ILE:HD11	1:415:A:PHE:HE1	4	0.1
(1,284)	1:403:A:ILE:HD12	1:415:A:PHE:HE1	4	0.1
(1,284)	1:403:A:ILE:HD13	1:415:A:PHE:HE1	4	0.1
(1,252)	1:359:A:LYS:HA	1:359:A:LYS:HG2	7	0.1
(1,230)	1:376:A:TRP:HA	1:376:A:TRP:HZ3	6	0.1
(1,7)	1:385:A:MET:HA	1:385:A:MET:HE1	3	0.1
(1,7)	1:385:A:MET:HA	1:385:A:MET:HE2	3	0.1
(1,7)	1:385:A:MET:HA	1:385:A:MET:HE3	3	0.1

10 Dihedral-angle violation analysis [i](#)

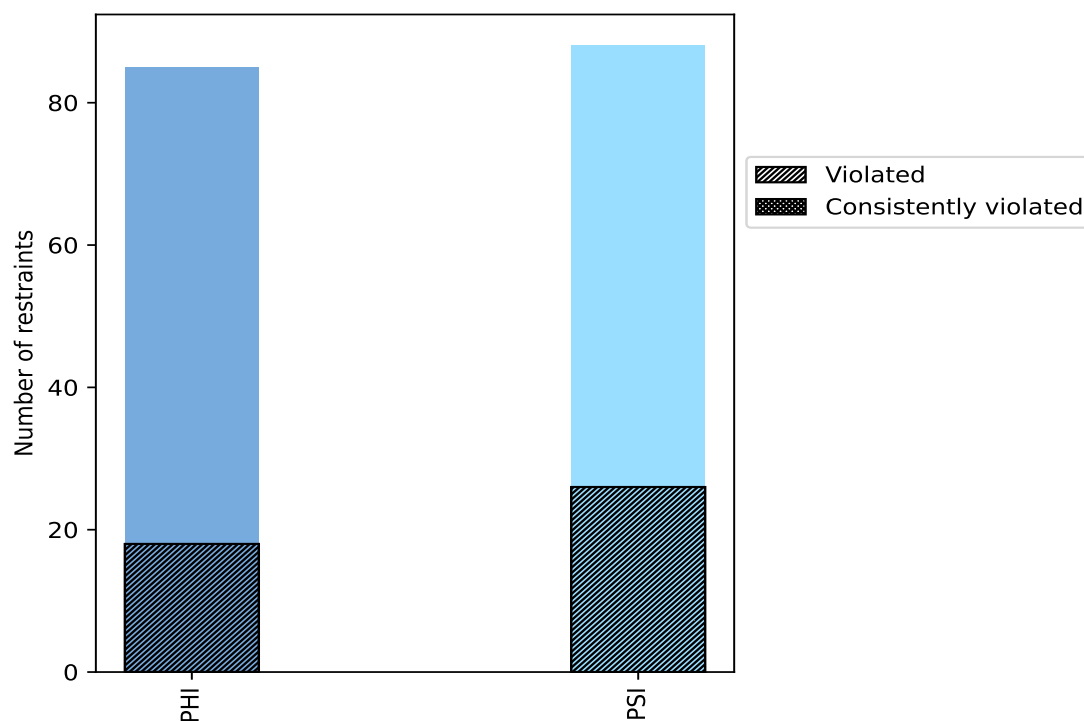
10.1 Summary of dihedral-angle violations [i](#)

The following table provides the summary of dihedral-angle violations in different dihedral-angle types. Violations less than 1° are not included in the calculation.

Angle type	Count	% ¹	Violated ³			Consistently Violated ⁴		
			Count	% ²	% ¹	Count	% ²	% ¹
PHI	85	49.1	18	21.2	10.4	0	0.0	0.0
PSI	88	50.9	26	29.5	15.0	0	0.0	0.0
Total	173	100.0	44	25.4	25.4	0	0.0	0.0

¹ percentage calculated with respect to total number of dihedral-angle restraints, ² percentage calculated with respect to number of restraints in a particular dihedral-angle type, ³ violated in at least one model, ⁴ violated in all the models

10.1.1 Bar chart : Distribution of dihedral-angles and violations [i](#)



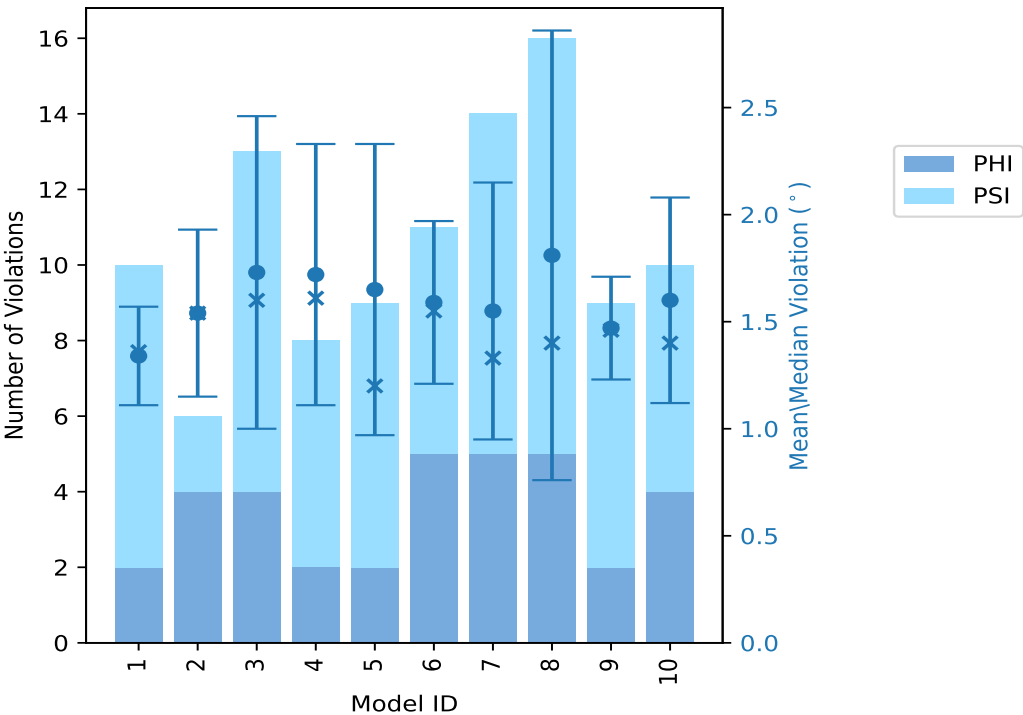
Violated and consistently violated restraints are shown using different hatch patterns in their respective categories

10.2 Dihedral-angle violation statistics for each model ⓘ

The following table provides the dihedral-angle violation statistics for each model in the ensemble. Violations less than 1° are not included in the statistics.

Model ID	Number of violations			Mean (°)	Max (°)	SD (°)	Median (°)
	PHI	PSI	Total				
1	2	8	10	1.34	1.73	0.23	1.36
2	4	2	6	1.54	2.03	0.39	1.54
3	4	9	13	1.73	3.97	0.73	1.6
4	2	6	8	1.72	2.91	0.61	1.61
5	2	7	9	1.65	3.12	0.68	1.2
6	5	6	11	1.59	2.41	0.38	1.55
7	5	9	14	1.55	3.4	0.6	1.33
8	5	11	16	1.81	5.34	1.05	1.4
9	2	7	9	1.47	1.93	0.24	1.46
10	4	6	10	1.6	2.68	0.48	1.4

10.2.1 Bar graph : Dihedral violation statistics for each model ⓘ



The mean(dot),median(x) and the standard deviation are shown in blue with respect to the y axis on the right

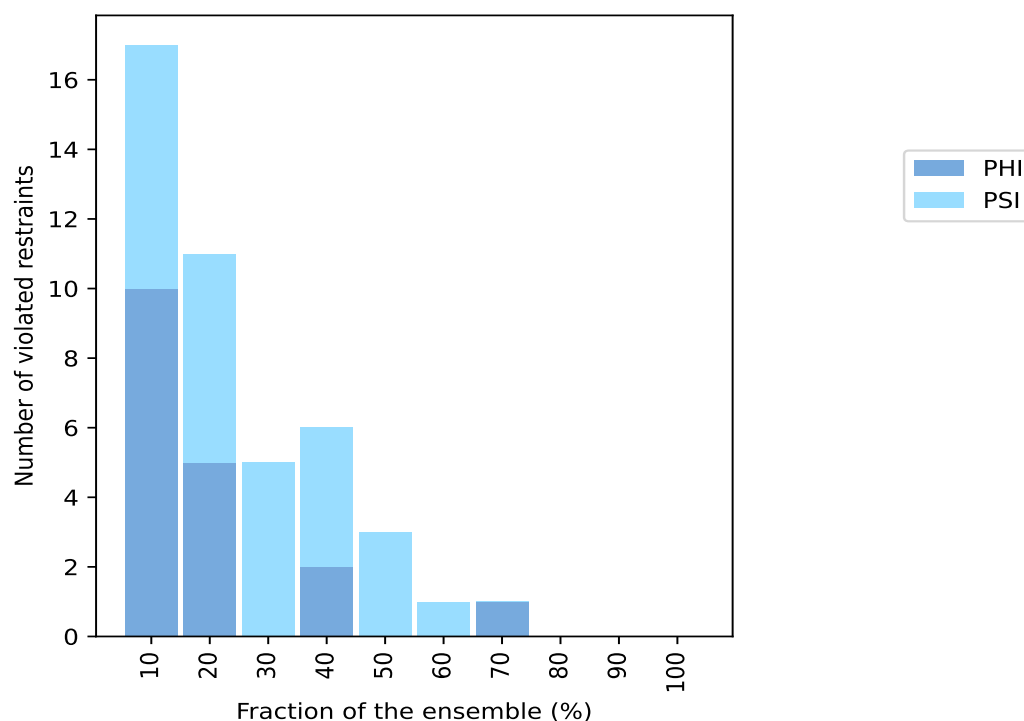
10.3 Dihedral-angle violation statistics for the ensemble [i](#)

Violation analysis may find that some restraints are violated in very few models and some are violated in most of models. The following table provides this information as number of violated restraints for a given fraction of ensemble.

Number of violated restraints			Fraction of the ensemble	
PHI	PSI	Total	Count ¹	%
10	7	17	1	10.0
5	6	11	2	20.0
0	5	5	3	30.0
2	4	6	4	40.0
0	3	3	5	50.0
0	1	1	6	60.0
1	0	1	7	70.0
0	0	0	8	80.0
0	0	0	9	90.0
0	0	0	10	100.0

¹ Number of models with violations

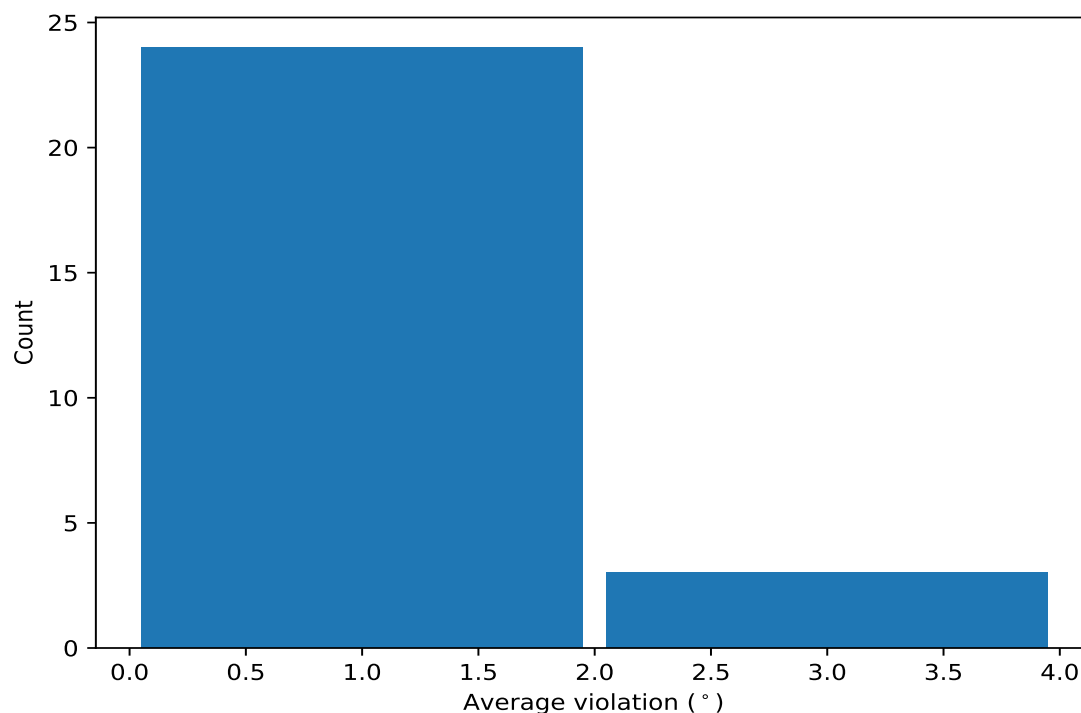
10.3.1 Bar graph : Dihedral-angle Violation statistics for the ensemble [i](#)



10.4 Most violated dihedral-angle restraints in the ensemble [i](#)

10.4.1 Histogram : Distribution of mean dihedral-angle violations [i](#)

The following histogram shows the distribution of the average value of the violation. The average is calculated for each restraint that is violated in more than one model over all the violated models in the ensemble



10.4.2 Table: Most violated dihedral-angle restraints [i](#)

The following table provides the mean and the standard deviation of the violation for each restraint sorted by number of violated models and the mean value. The Key (restraint list ID, restraint ID) is the unique identifier for a given restraint.

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models ¹	Mean	SD ²	Median
(1,39)	1:354:A:ILE:C	1:355:A:ARG:N	1:355:A:ARG:CA	1:355:A:ARG:C	7	1.44	0.28	1.3
(1,109)	1:390:A:MET:N	1:390:A:MET:CA	1:390:A:MET:C	1:391:A:SER:N	6	2.8	0.81	2.92
(1,26)	1:348:A:SER:N	1:348:A:SER:CA	1:348:A:SER:C	1:349:A:ARG:N	5	2.47	1.48	1.88
(1,24)	1:347:A:ASP:N	1:347:A:ASP:CA	1:347:A:ASP:C	1:348:A:SER:N	5	1.46	0.24	1.53
(1,111)	1:391:A:SER:N	1:391:A:SER:CA	1:391:A:SER:C	1:392:A:ARG:N	5	1.45	0.28	1.35
(1,110)	1:390:A:MET:C	1:391:A:SER:N	1:391:A:SER:CA	1:391:A:SER:C	4	1.78	0.32	1.74
(1,1)	1:335:A:ARG:C	1:336:A:LEU:N	1:336:A:LEU:CA	1:336:A:LEU:C	4	1.77	0.58	1.71
(1,2)	1:336:A:LEU:N	1:336:A:LEU:CA	1:336:A:LEU:C	1:337:A:LEU:N	4	1.65	0.41	1.5
(1,20)	1:345:A:LEU:N	1:345:A:LEU:CA	1:345:A:LEU:C	1:346:A:SER:N	4	1.48	0.7	1.12
(1,34)	1:352:A:ASN:N	1:352:A:ASN:CA	1:352:A:ASN:C	1:353:A:PHE:N	4	1.34	0.19	1.4
(1,89)	1:380:A:LYS:N	1:380:A:LYS:CA	1:380:A:LYS:C	1:381:A:ASN:N	4	1.22	0.07	1.21
(1,32)	1:351:A:GLU:N	1:351:A:GLU:CA	1:351:A:GLU:C	1:352:A:ASN:N	3	1.76	0.22	1.8
(1,142)	1:407:A:PRO:N	1:407:A:PRO:CA	1:407:A:PRO:C	1:408:A:GLY:N	3	1.56	0.57	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

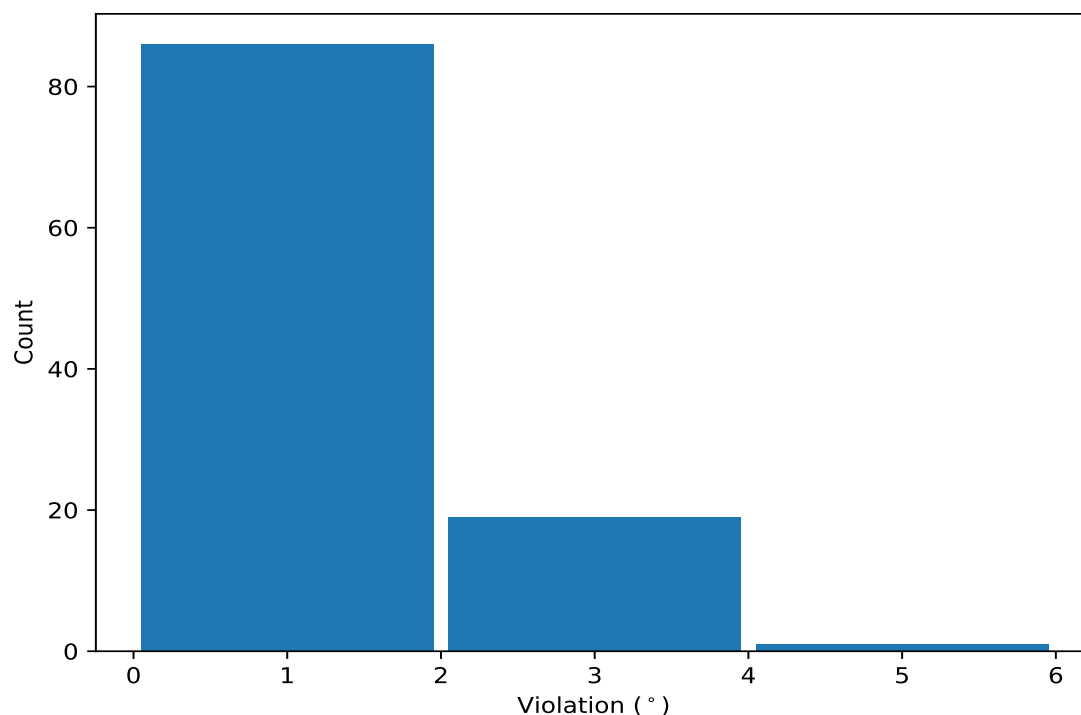
Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models ¹	Mean	SD ²	Median
(1,167)	1:421:A:GLU:N	1:421:A:GLU:CA	1:421:A:GLU:C	1:422:A:ILE:N	3	1.52	0.18	1.4
(1,69)	1:370:A:ASN:N	1:370:A:ASN:CA	1:370:A:ASN:C	1:371:A:GLY:N	3	1.5	0.3	1.7
(1,97)	1:384:A:ASN:N	1:384:A:ASN:CA	1:384:A:ASN:C	1:385:A:MET:N	3	1.46	0.05	1.47
(1,113)	1:392:A:ARG:N	1:392:A:ARG:CA	1:392:A:ARG:C	1:393:A:ALA:N	2	2.24	0.67	2.24
(1,148)	1:411:A:LEU:N	1:411:A:LEU:CA	1:411:A:LEU:C	1:412:A:LEU:N	2	1.81	0.34	1.81
(1,9)	1:339:A:ASP:C	1:340:A:TYR:N	1:340:A:TYR:CA	1:340:A:TYR:C	2	1.8	0.62	1.8
(1,149)	1:411:A:LEU:C	1:412:A:LEU:N	1:412:A:LEU:CA	1:412:A:LEU:C	2	1.62	0.44	1.62
(1,150)	1:412:A:LEU:N	1:412:A:LEU:CA	1:412:A:LEU:C	1:413:A:PHE:N	2	1.56	0.36	1.56
(1,91)	1:381:A:ASN:N	1:381:A:ASN:CA	1:381:A:ASN:C	1:382:A:ARG:N	2	1.54	0.18	1.54
(1,29)	1:349:A:ARG:C	1:350:A:TYR:N	1:350:A:TYR:CA	1:350:A:TYR:C	2	1.33	0.22	1.33
(1,160)	1:417:A:LYS:N	1:417:A:LYS:CA	1:417:A:LYS:C	1:418:A:THR:N	2	1.33	0.24	1.33
(1,163)	1:419:A:PRO:N	1:419:A:PRO:CA	1:419:A:PRO:C	1:420:A:ASP:N	2	1.32	0.15	1.32
(1,166)	1:420:A:ASP:C	1:421:A:GLU:N	1:421:A:GLU:CA	1:421:A:GLU:C	2	1.14	0.04	1.14
(1,7)	1:338:A:TRP:C	1:339:A:ASP:N	1:339:A:ASP:CA	1:339:A:ASP:C	2	1.13	0.07	1.13

¹ Number of violated models, ²Standard deviation, All angle values are in degree (°)

10.5 All violated dihedral-angle restraints [i](#)

10.5.1 Histogram : Distribution of violations [i](#)

The following histogram shows the distribution of the absolute value of the violation for all violated restraints in the ensemble.



10.5.2 Table: All violated dihedral-angle restraints [\(i\)](#)

The following table lists the absolute value of the violation for each restraint in the ensemble sorted by its value. The Key (restraint list ID, restraint ID) is the unique identifier for a given restraint.

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,26)	1:348:A:SER:N	1:348:A:SER:CA	1:348:A:SER:C	1:349:A:ARG:N	8	5.34
(1,109)	1:390:A:MET:N	1:390:A:MET:CA	1:390:A:MET:C	1:391:A:SER:N	3	3.97
(1,109)	1:390:A:MET:N	1:390:A:MET:CA	1:390:A:MET:C	1:391:A:SER:N	7	3.4
(1,109)	1:390:A:MET:N	1:390:A:MET:CA	1:390:A:MET:C	1:391:A:SER:N	5	3.12
(1,113)	1:392:A:ARG:N	1:392:A:ARG:CA	1:392:A:ARG:C	1:393:A:ALA:N	4	2.91
(1,109)	1:390:A:MET:N	1:390:A:MET:CA	1:390:A:MET:C	1:391:A:SER:N	8	2.71
(1,20)	1:345:A:LEU:N	1:345:A:LEU:CA	1:345:A:LEU:C	1:346:A:SER:N	10	2.68
(1,1)	1:335:A:ARG:C	1:336:A:LEU:N	1:336:A:LEU:CA	1:336:A:LEU:C	8	2.58
(1,9)	1:339:A:ASP:C	1:340:A:TYR:N	1:340:A:TYR:CA	1:340:A:TYR:C	6	2.41
(1,142)	1:407:A:PRO:N	1:407:A:PRO:CA	1:407:A:PRO:C	1:408:A:GLY:N	7	2.35
(1,2)	1:336:A:LEU:N	1:336:A:LEU:CA	1:336:A:LEU:C	1:337:A:LEU:N	4	2.33
(1,26)	1:348:A:SER:N	1:348:A:SER:CA	1:348:A:SER:C	1:349:A:ARG:N	5	2.26
(1,110)	1:390:A:MET:C	1:391:A:SER:N	1:391:A:SER:CA	1:391:A:SER:C	5	2.24
(1,148)	1:411:A:LEU:N	1:411:A:LEU:CA	1:411:A:LEU:C	1:412:A:LEU:N	8	2.15
(1,53)	1:361:A:SER:C	1:362:A:LYS:N	1:362:A:LYS:CA	1:362:A:LYS:C	10	2.13
(1,106)	1:388:A:GLU:C	1:389:A:LYS:N	1:389:A:LYS:CA	1:389:A:LYS:C	3	2.12
(1,149)	1:411:A:LEU:C	1:412:A:LEU:N	1:412:A:LEU:CA	1:412:A:LEU:C	8	2.06
(1,1)	1:335:A:ARG:C	1:336:A:LEU:N	1:336:A:LEU:CA	1:336:A:LEU:C	6	2.04
(1,39)	1:354:A:ILE:C	1:355:A:ARG:N	1:355:A:ARG:CA	1:355:A:ARG:C	2	2.03
(1,32)	1:351:A:GLU:N	1:351:A:GLU:CA	1:351:A:GLU:C	1:352:A:ASN:N	2	2.01
(1,111)	1:391:A:SER:N	1:391:A:SER:CA	1:391:A:SER:C	1:392:A:ARG:N	3	1.94
(1,150)	1:412:A:LEU:N	1:412:A:LEU:CA	1:412:A:LEU:C	1:413:A:PHE:N	9	1.93
(1,110)	1:390:A:MET:C	1:391:A:SER:N	1:391:A:SER:CA	1:391:A:SER:C	3	1.91
(1,26)	1:348:A:SER:N	1:348:A:SER:CA	1:348:A:SER:C	1:349:A:ARG:N	4	1.88
(1,109)	1:390:A:MET:N	1:390:A:MET:CA	1:390:A:MET:C	1:391:A:SER:N	10	1.84
(1,8)	1:339:A:ASP:N	1:339:A:ASP:CA	1:339:A:ASP:C	1:340:A:TYR:N	6	1.84
(1,32)	1:351:A:GLU:N	1:351:A:GLU:CA	1:351:A:GLU:C	1:352:A:ASN:N	9	1.8
(1,167)	1:421:A:GLU:N	1:421:A:GLU:CA	1:421:A:GLU:C	1:422:A:ILE:N	3	1.77
(1,24)	1:347:A:ASP:N	1:347:A:ASP:CA	1:347:A:ASP:C	1:348:A:SER:N	4	1.75
(1,109)	1:390:A:MET:N	1:390:A:MET:CA	1:390:A:MET:C	1:391:A:SER:N	1	1.73
(1,91)	1:381:A:ASN:N	1:381:A:ASN:CA	1:381:A:ASN:C	1:382:A:ARG:N	10	1.73
(1,69)	1:370:A:ASN:N	1:370:A:ASN:CA	1:370:A:ASN:C	1:371:A:GLY:N	7	1.72
(1,69)	1:370:A:ASN:N	1:370:A:ASN:CA	1:370:A:ASN:C	1:371:A:GLY:N	6	1.7
(1,26)	1:348:A:SER:N	1:348:A:SER:CA	1:348:A:SER:C	1:349:A:ARG:N	6	1.7
(1,24)	1:347:A:ASP:N	1:347:A:ASP:CA	1:347:A:ASP:C	1:348:A:SER:N	3	1.63
(1,39)	1:354:A:ILE:C	1:355:A:ARG:N	1:355:A:ARG:CA	1:355:A:ARG:C	3	1.6
(1,113)	1:392:A:ARG:N	1:392:A:ARG:CA	1:392:A:ARG:C	1:393:A:ALA:N	2	1.57
(1,2)	1:336:A:LEU:N	1:336:A:LEU:CA	1:336:A:LEU:C	1:337:A:LEU:N	1	1.57
(1,160)	1:417:A:LYS:N	1:417:A:LYS:CA	1:417:A:LYS:C	1:418:A:THR:N	8	1.56
(1,110)	1:390:A:MET:C	1:391:A:SER:N	1:391:A:SER:CA	1:391:A:SER:C	7	1.56
(1,111)	1:391:A:SER:N	1:391:A:SER:CA	1:391:A:SER:C	1:392:A:ARG:N	5	1.55
(1,29)	1:349:A:ARG:C	1:350:A:TYR:N	1:350:A:TYR:CA	1:350:A:TYR:C	6	1.55
(1,34)	1:352:A:ASN:N	1:352:A:ASN:CA	1:352:A:ASN:C	1:353:A:PHE:N	3	1.54
(1,24)	1:347:A:ASP:N	1:347:A:ASP:CA	1:347:A:ASP:C	1:348:A:SER:N	1	1.53
(1,21)	1:345:A:LEU:C	1:346:A:SER:N	1:346:A:SER:CA	1:346:A:SER:C	9	1.52
(1,97)	1:384:A:ASN:N	1:384:A:ASN:CA	1:384:A:ASN:C	1:385:A:MET:N	1	1.51
(1,37)	1:353:A:PHE:C	1:354:A:ILE:N	1:354:A:ILE:CA	1:354:A:ILE:C	2	1.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,34)	1:352:A:ASN:N	1:352:A:ASN:CA	1:352:A:ASN:C	1:353:A:PHE:N	7	1.49
(1,148)	1:411:A:LEU:N	1:411:A:LEU:CA	1:411:A:LEU:C	1:412:A:LEU:N	10	1.47
(1,97)	1:384:A:ASN:N	1:384:A:ASN:CA	1:384:A:ASN:C	1:385:A:MET:N	9	1.47
(1,32)	1:351:A:GLU:N	1:351:A:GLU:CA	1:351:A:GLU:C	1:352:A:ASN:N	4	1.47
(1,163)	1:419:A:PRO:N	1:419:A:PRO:CA	1:419:A:PRO:C	1:420:A:ASP:N	9	1.46
(1,39)	1:354:A:ILE:C	1:355:A:ARG:N	1:355:A:ARG:CA	1:355:A:ARG:C	8	1.46
(1,2)	1:336:A:LEU:N	1:336:A:LEU:CA	1:336:A:LEU:C	1:337:A:LEU:N	7	1.42
(1,167)	1:421:A:GLU:N	1:421:A:GLU:CA	1:421:A:GLU:C	1:422:A:ILE:N	8	1.4
(1,110)	1:390:A:MET:C	1:391:A:SER:N	1:391:A:SER:CA	1:391:A:SER:C	8	1.4
(1,97)	1:384:A:ASN:N	1:384:A:ASN:CA	1:384:A:ASN:C	1:385:A:MET:N	3	1.4
(1,167)	1:421:A:GLU:N	1:421:A:GLU:CA	1:421:A:GLU:C	1:422:A:ILE:N	1	1.38
(1,93)	1:382:A:ARG:N	1:382:A:ARG:CA	1:382:A:ARG:C	1:383:A:THR:N	8	1.38
(1,1)	1:335:A:ARG:C	1:336:A:LEU:N	1:336:A:LEU:CA	1:336:A:LEU:C	3	1.38
(1,120)	1:395:A:ARG:C	1:396:A:HIS:N	1:396:A:HIS:CA	1:396:A:HIS:C	7	1.36
(1,91)	1:381:A:ASN:N	1:381:A:ASN:CA	1:381:A:ASN:C	1:382:A:ARG:N	8	1.36
(1,111)	1:391:A:SER:N	1:391:A:SER:CA	1:391:A:SER:C	1:392:A:ARG:N	1	1.35
(1,142)	1:407:A:PRO:N	1:407:A:PRO:CA	1:407:A:PRO:C	1:408:A:GLY:N	9	1.33
(1,89)	1:380:A:LYS:N	1:380:A:LYS:CA	1:380:A:LYS:C	1:381:A:ASN:N	10	1.32
(1,39)	1:354:A:ILE:C	1:355:A:ARG:N	1:355:A:ARG:CA	1:355:A:ARG:C	7	1.3
(1,34)	1:352:A:ASN:N	1:352:A:ASN:CA	1:352:A:ASN:C	1:353:A:PHE:N	6	1.3
(1,39)	1:354:A:ILE:C	1:355:A:ARG:N	1:355:A:ARG:CA	1:355:A:ARG:C	9	1.29
(1,24)	1:347:A:ASP:N	1:347:A:ASP:CA	1:347:A:ASP:C	1:348:A:SER:N	6	1.29
(1,111)	1:391:A:SER:N	1:391:A:SER:CA	1:391:A:SER:C	1:392:A:ARG:N	7	1.28
(1,2)	1:336:A:LEU:N	1:336:A:LEU:CA	1:336:A:LEU:C	1:337:A:LEU:N	9	1.28
(1,89)	1:380:A:LYS:N	1:380:A:LYS:CA	1:380:A:LYS:C	1:381:A:ASN:N	6	1.27
(1,39)	1:354:A:ILE:C	1:355:A:ARG:N	1:355:A:ARG:CA	1:355:A:ARG:C	10	1.27
(1,51)	1:360:A:GLU:C	1:361:A:SER:N	1:361:A:SER:CA	1:361:A:SER:C	6	1.26
(1,88)	1:379:A:HIS:C	1:380:A:LYS:N	1:380:A:LYS:CA	1:380:A:LYS:C	7	1.24
(1,146)	1:409:A:GLN:N	1:409:A:GLN:CA	1:409:A:GLN:C	1:410:A:ARG:N	4	1.22
(1,150)	1:412:A:LEU:N	1:412:A:LEU:CA	1:412:A:LEU:C	1:413:A:PHE:N	5	1.2
(1,135)	1:403:A:ILE:N	1:403:A:ILE:CA	1:403:A:ILE:C	1:404:A:ARG:N	5	1.2
(1,20)	1:345:A:LEU:N	1:345:A:LEU:CA	1:345:A:LEU:C	1:346:A:SER:N	5	1.2
(1,7)	1:338:A:TRP:C	1:339:A:ASP:N	1:339:A:ASP:CA	1:339:A:ASP:C	10	1.2
(1,166)	1:420:A:ASP:C	1:421:A:GLU:N	1:421:A:GLU:CA	1:421:A:GLU:C	7	1.18
(1,149)	1:411:A:LEU:C	1:412:A:LEU:N	1:412:A:LEU:CA	1:412:A:LEU:C	10	1.18
(1,9)	1:339:A:ASP:C	1:340:A:TYR:N	1:340:A:TYR:CA	1:340:A:TYR:C	8	1.18
(1,163)	1:419:A:PRO:N	1:419:A:PRO:CA	1:419:A:PRO:C	1:420:A:ASP:N	8	1.17
(1,101)	1:386:A:THR:N	1:386:A:THR:CA	1:386:A:THR:C	1:387:A:TYR:N	7	1.17
(1,26)	1:348:A:SER:N	1:348:A:SER:CA	1:348:A:SER:C	1:349:A:ARG:N	9	1.17
(1,89)	1:380:A:LYS:N	1:380:A:LYS:CA	1:380:A:LYS:C	1:381:A:ASN:N	3	1.16
(1,89)	1:380:A:LYS:N	1:380:A:LYS:CA	1:380:A:LYS:C	1:381:A:ASN:N	7	1.15
(1,131)	1:401:A:ASN:N	1:401:A:ASN:CA	1:401:A:ASN:C	1:402:A:ILE:N	10	1.14
(1,143)	1:407:A:PRO:C	1:408:A:GLY:N	1:408:A:GLY:CA	1:408:A:GLY:C	1	1.12
(1,111)	1:391:A:SER:N	1:391:A:SER:CA	1:391:A:SER:C	1:392:A:ARG:N	8	1.11
(1,39)	1:354:A:ILE:C	1:355:A:ARG:N	1:355:A:ARG:CA	1:355:A:ARG:C	1	1.11
(1,166)	1:420:A:ASP:C	1:421:A:GLU:N	1:421:A:GLU:CA	1:421:A:GLU:C	6	1.1
(1,29)	1:349:A:ARG:C	1:350:A:TYR:N	1:350:A:TYR:CA	1:350:A:TYR:C	4	1.1
(1,24)	1:347:A:ASP:N	1:347:A:ASP:CA	1:347:A:ASP:C	1:348:A:SER:N	7	1.1
(1,160)	1:417:A:LYS:N	1:417:A:LYS:CA	1:417:A:LYS:C	1:418:A:THR:N	1	1.09
(1,1)	1:335:A:ARG:C	1:336:A:LEU:N	1:336:A:LEU:CA	1:336:A:LEU:C	2	1.09
(1,69)	1:370:A:ASN:N	1:370:A:ASN:CA	1:370:A:ASN:C	1:371:A:GLY:N	5	1.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,7)	1:338:A:TRP:C	1:339:A:ASP:N	1:339:A:ASP:CA	1:339:A:ASP:C	4	1.06
(1,34)	1:352:A:ASN:N	1:352:A:ASN:CA	1:352:A:ASN:C	1:353:A:PHE:N	1	1.05
(1,25)	1:347:A:ASP:C	1:348:A:SER:N	1:348:A:SER:CA	1:348:A:SER:C	2	1.03
(1,20)	1:345:A:LEU:N	1:345:A:LEU:CA	1:345:A:LEU:C	1:346:A:SER:N	8	1.03
(1,82)	1:376:A:TRP:C	1:377:A:GLY:N	1:377:A:GLY:CA	1:377:A:GLY:C	5	1.02
(1,14)	1:342:A:TYR:N	1:342:A:TYR:CA	1:342:A:TYR:C	1:343:A:GLN:N	8	1.02
(1,20)	1:345:A:LEU:N	1:345:A:LEU:CA	1:345:A:LEU:C	1:346:A:SER:N	3	1.01
(1,142)	1:407:A:PRO:N	1:407:A:PRO:CA	1:407:A:PRO:C	1:408:A:GLY:N	3	1.0